

(19) 世界知的所有権機関
国際事務局



(43) 国際公開日
2002 年 1 月 17 日 (17.01.2002)

PCT

(10) 国際公開番号
WO 02/04640 A1

(51) 国際特許分類: C12N 15/12, 1/21, C07K
14/705, 16/28, C12P 21/02, C12Q 1/68, A61K 38/00,
45/00, 48/00, A61P 1/00, 3/00, 9/00, 25/28, 29/00, 35/00,
37/00, G01N 33/15, 33/50, 33/53, 33/56 (C12N 1/21,
C12R 1/19) (C12P 21/02, C12R 1/19)

(21) 国際出願番号: PCT/JP01/05878

(22) 国際出願日: 2001 年 7 月 6 日 (06.07.2001)

(25) 国際出願の言語: 日本語

(26) 国際公開の言語: 日本語

(30) 優先権データ:
特願 2000-211989 2000 年 7 月 7 日 (07.07.2000) JP
特願 2000-383794
2000 年 12 月 18 日 (18.12.2000) JP

(71) 出願人 / 米国を除く全ての指定国について: 武田薬品
工業株式会社 (TAKEDA CHEMICAL INDUSTRIES,

LTD.) [JP, JP]: 〒541-0045 大阪府大阪市中央区道修町
四丁目 1 番 1 号 Osaka (JP)

(72) 発明者: および

(75) 発明者 / 出願人 / 米国についてののみ: 守谷 岳郎
(MORIYA, Takeo) [JP, JP]: 〒562-0001 大阪府箕面市
箕面 8 丁目 12-6 Osaka (JP), 伊藤 隆司 (ITO, Takashi)
[JP, JP]: 〒305-0821 茨城県つくば市春日 1 丁目 7 番
地 9 武田春日ハイイツ 704 号 Ibaraki (JP), 新谷 靖
(SHINTANI, Yasushi) [JP, JP]: 〒305-0821 茨城県つく
ば市春日 1 丁目 7 番地 9 武田春日ハイイツ 703 号 Ibaraki
(JP), 宮嶋 伸行 (MIYAJIMA, Nobuyuki) [JP, JP]: 〒
305-0031 茨城県つくば市吾妻 4 丁目 16-4 プレビュー
吾妻 403 Ibaraki (JP).

(74) 代理人: 小林 純子, 外 (KOBAYASHI, Sumiko et al.):
〒104-0028 東京都中央区八重洲 2 丁目 8 番 7 号 福岡ビ
ル 9 階 Tokyo (JP).

(81) 指定国 / 国内: AE, AG, AL, AM, AT, AU, AZ, BA, BB,
BG, BR, BY, BZ, CA, CH, CN, CO, CR, CU, CZ, DE, DK,
DM, DZ, EC, EE, ES, FI, GB, GD, GE, GH, GM, HR, HU,

[続葉有]

(54) Title: NOVEL G PROTEIN-COUPLED RECEPTOR PROTEIN AND DNA THEREOF

(54) 発明の名称: 新規 G 蛋白質共役型レセプター蛋白質およびその DNA

(57) Abstract: A human-origin protein or its salt; a DNA encoding this protein; a method of determining a ligand to this protein; a screening method a screening kit for a compound capable of altering the binding properties of the ligand to the protein; a compound obtained by the screening or its salt, etc. The above-described human-origin protein and the DNA encoding the same are usable in: (1) determining a ligand to the protein; (2) preventives and/or remedies for diseases in association with the dysfunction of the protein; (3) screening a compound (an agonist, an antagonist, etc.) capable of altering the binding properties of the ligand to the protein, etc.

(57) 要約:

本発明は、ヒト由来の蛋白質またはその塩、該蛋白質をコードする DNA、該蛋白質に対するリガンドの決定方法、リガンドと該蛋白質との結合性を変化させる化合物のスクリーニング方法 / スクリーニング用キット、該スクリーニングで得られる化合物またはその塩などを提供する。本発明のヒト由来の蛋白質またはそれをコードする DNA は、(1) 本発明の蛋白質に対するリガンドの決定、(2) 本発明の蛋白質の機能不全に関連する疾患の予防および / または治療剤、(3) 本発明の蛋白質とリガンドとの結合性を変化させる化合物 (アゴニスト、アンタゴニストなど) のスクリーニングなどに用いることができる。

WO 02/04640 A1



ID, IL, IN, IS, JP, KE, KG, KR, KZ, LC, LK, LR, LS, LU,
LV, LY, MA, MD, MG, MK, MN, MW, MX, MY, NZ,
PE, PG, PH, PL, PT, RO, RU, SD, SE, SG, SI, SK, SL, TJ, TM, TR, TT,
TZ, UA, UG, US, UZ, VN, YU, ZA, ZW

EE, MC, NL, PL, SE, TR, OAPI 特許 (BE, BL, CH, CG,
CI, CM, GA, GN, GW, ML, MR, NE, SN, TD, TG)

添付公開書類:
国際調査報告書

(84) 指定国 (広域): ARIPO 特許 (GH, GM, KE, LS, MW,
MZ, SD, SL, SZ, TZ, UG, ZW), ユーラシア特許 (AM,
AZ, BY, KG, KZ, MD, RU, TJ, TM), ユーロッパ特許
(AT, BE, CH, CY, DE, DK, ES, FI, FR, GB, GR, IE, IT,

2 文字コード及び他の略語については、定期発行される
各 PCT ガゼットの巻頭に掲載されている「コードと略語
のガイダンスノート」を参照。

明細書

新規G蛋白質共役型レセプター蛋白質およびそのDNA

技術分野

- 5 本発明は、ヒト精巣由来の新規G蛋白質共役型レセプター蛋白質またはその塩およびそれをコードするDNAに関する。

背景技術

- 多くのホルモンや神経伝達物質などの生理活性物質は、細胞膜に存在する特異
10 的なレセプター蛋白質を通じて生体の機能を調節している。これらのレセプター蛋白質のうち多くは共役しているguanine nucleotide-binding protein（以下、G蛋白質と略称する場合がある）の活性化を通じて細胞内のシグナル伝達を行ない、また、7個の膜貫通領域を有する共通した構造をもっていることから、G蛋白質共役型レセプター蛋白質あるいは7回膜貫通型レセプター蛋白質（7 TMR
15 ）と総称される。

- G蛋白質共役型レセプター蛋白質は生体の細胞や臓器の各機能細胞表面に存在し、それら細胞や臓器の機能を調節する分子、例えば、ホルモン、神経伝達物質および生理活性物質等の標的として生理的に重要な役割を担っている。レセプターは生理活性物質との結合を介してシグナルを細胞内に伝達し、このシグナルに
20 より細胞の賦活や抑制といった種々の反応が惹起される。

各種生体の細胞や臓器の内の複雑な機能を調節する物質と、その特異的レセプター蛋白質、特にG蛋白質共役型レセプター蛋白質との関係を明らかにすることは、各種生体の細胞や臓器の機能を解明し、それら機能と密接に関連した医薬品開発に非常に重要な手段を提供することとなる。

- 25 例えば、生体の種々の器官では、多くのホルモン、ホルモン様物質、神経伝達物質あるいは生理活性物質による調節のもとで生理的な機能の調節が行なわれている。特に、生理活性物質は生体内の様々な部位に存在し、それぞれに対応するレセプター蛋白質を通してその生理機能の調節を行っている。生体内には未知のホルモンや神経伝達物質その他の生理活性物質も多く、それらのレセプター蛋白

質の構造に関しても、これまで報告されていないものが多い。さらに、既知のレセプター蛋白質においてもサブタイプが存在するかどうかについても分かっていないものが多い。

5 生体における複雑な機能を調節する物質と、その特異的レセプター蛋白質との関係を明らかにすることは、医薬品開発に非常に重要な手段である。また、レセプター蛋白質に対するアゴニスト、アンタゴニストを効率よくスクリーニングし、医薬品を開発するためには、生体内で発現しているレセプター蛋白質の遺伝子の機能を解明し、それらを適当な発現系で発現させることが必要であった。

10 近年、生体内で発現している遺伝子を解析する手段として、cDNAの配列をランダムに解析する研究が活発に行なわれており、このようにして得られたcDNAの断片配列がExpressed Sequence Tag (EST)としてデータベースに登録され、公開されている。しかし、多くのESTは配列情報のみであり、その機能を推定することは困難である。

15 従来、G蛋白質共役型レセプターと生理活性物質（すなわち、リガンド）との結合を阻害する物質や、結合して生理活性物質（すなわち、リガンド）と同様なシグナル伝達を引き起こす物質は、これらレセプターの特異的なアンタゴニストまたはアゴニストとして、生体機能を調節する医薬品として活用されてきた。従って、このように生体内での生理発現において重要であるばかりでなく、医薬品開発の標的ともなりうるG蛋白質共役型レセプター蛋白質を新規に見出し、その
20 遺伝子（例えばcDNA）をクローニングすることは、新規G蛋白質共役型レセプター蛋白質の特異的リガンドや、アゴニスト、アンタゴニストを見出す際に、非常に重要な手段となる。

しかし、G蛋白質共役型レセプターはその全てが見出されているわけではなく、現時点でもなお、未知のG蛋白質共役型レセプター、また対応するリガンドが
25 同定されていない、いわゆるオーファンレセプターが多数存在しており、新たなG蛋白質共役型レセプターの探索および機能解明が切望されている。

G蛋白質共役型レセプターは、そのシグナル伝達作用を指標とする、新たな生理活性物質（すなわち、リガンド）の探索、また、該レセプターに対するアゴニストまたはアンタゴニストの探索に有用である。一方、生理的なリガンドが見出

されなくとも、該レセプターの不活化実験（ノックアウト動物）から該レセプターの生理作用を解析することにより、該レセプターに対するアゴニストまたはアンタゴニストを作製することも可能である。これら該レセプターに対するリガンド、アゴニストまたはアンタゴニストなどは、G蛋白質共役型レセプターの機能不全に関連する疾患の予防／治療薬や診断薬として活用することが期待できる。

さらにまた、G蛋白質共役型レセプターの遺伝子変異に基づく、生体での該レセプターの機能の低下または昂進が、何らかの疾患の原因となっている場合も多い。この場合には、該レセプターに対するアンタゴニストやアゴニストの投与だけでなく、該レセプター遺伝子の生体内（またはある特定の臓器）への導入や、
10 該レセプター遺伝子に対するアンチセンス核酸の導入による、遺伝子治療に応用することもできる。この場合には該レセプターの塩基配列は遺伝子上の欠失や変異の有無を調べるために必要不可欠な情報であり、該レセプターの遺伝子は、該レセプターの機能不全に関連する疾患の予防／治療薬や診断薬に応用することもできる。

15 本発明は、上記のように有用な新規G蛋白質共役型レセプター蛋白質を提供するものである。すなわち、新規G蛋白質共役型レセプター蛋白質もしくはその部分ペプチドまたはその塩、該G蛋白質共役型レセプター蛋白質またはその部分ペプチドをコートするポリヌクレオチド（DNA、RNAおよびそれらの誘導体）を含有するポリヌクレオチド（DNA、RNAおよびそれらの誘導体）、該ポリ
20 ヌクレオチドを含有する組換えベクター、該組換えベクターを保持する形質転換体、該G蛋白質共役型レセプター蛋白質またはその塩の製造法、該G蛋白質共役型レセプター蛋白質もしくはその部分ペプチドまたはその塩に対する抗体、該G蛋白質共役型レセプター蛋白質の発現量を変化させる化合物、該G蛋白質共役型レセプターに対するリガンドの決定方法、リガンドと該G蛋白質共役型レセプター蛋白質との結合性を変化させる化合物（アンタゴニスト、アゴニスト）または
25 その塩のスクリーニング方法、該スクリーニング用キット、該スクリーニング方法もしくはスクリーニングキットを用いて得られうるリガンドと該G蛋白質共役型レセプター蛋白質との結合性を変化させる化合物（アンタゴニスト、アゴニスト）またはその塩、およびリガントと該G蛋白質共役型レセプター蛋白質との結

合性を変化させる化合物（アンタゴニスト、アゴニスト）もしくは該G蛋白質共役型レセプター蛋白質の発現量を変化させる化合物またはその塩を含有してなる医薬などを提供する。

5 発明の開示 本発明者らは、鋭意研究を重ねた結果、ヒト精巣由来の新規なG蛋白質共役型レセプター蛋白質をコードするcDNAを単離し、その全塩基配列を解析することに成功した。そして、この塩基配列をアミノ酸配列に翻訳したところ、第1～第7膜貫通領域が疎水性プロット上で確認され、これらのcDNAにコードされる蛋白質が7回膜貫通型のG蛋白質共役型レセプター蛋白質であることを確認した。本発明者らは、これらの知見に基づいて、さらに研究を重ねた結果、本発明を完成するに至った。

すなわち、本発明は、

（1）配列番号：10で表わされるアミノ酸配列と同一もしくは実質的に同一のアミノ酸配列を含有することを特徴とするG蛋白質共役型レセプター蛋白質またはその塩、

15 （2）配列番号：10で表わされるアミノ酸配列を有する上記（1）のG蛋白質共役型レセプター蛋白質またはその塩、

（3）配列番号：1、配列番号：5、配列番号：7、配列番号：13または配列番号：15で表わされるアミノ酸配列である上記（1）記載のG蛋白質共役型レセプター蛋白質またはその塩、

20 （4）上記（1）記載のG蛋白質共役型レセプター蛋白質の部分ペプチドまたはその塩、

（5）上記（1）記載のG蛋白質共役型レセプター蛋白質をコードする塩基配列を有するポリヌクレオチドを含有するポリヌクレオチド、

（6）DNAである上記（4）記載のポリヌクレオチド、

25 （7）配列番号：2、配列番号：6、配列番号：8、配列番号：11、配列番号：14または配列番号：16で表される塩基配列を有する上記（4）記載のポリヌクレオチド、

（8）上記（5）記載のポリヌクレオチドを含有する組換えベクター、

（9）上記（8）記載の組換えベクターで形質転換させた形質転換体、

(10) 上記(9)記載の形質転換体を培養し、上記(1)記載のG蛋白質共役型レセプター蛋白質を生成せしめることを特徴とする上記(1)記載のG蛋白質共役型レセプター蛋白質またはその塩の製造法、

(11) 上記(1)記載のG蛋白質共役型レセプター蛋白質もしくは上記(4)記載の部分ペプチドまたはその塩に対する抗体、

(12) 上記(1)記載のG蛋白質共役型レセプター蛋白質のシグナル伝達を不活性化する中和抗体である上記(11)記載の抗体、

(13) 上記(11)記載の抗体を含有してなる診断薬、

(14) 上記(1)記載のG蛋白質共役型レセプター蛋白質もしくは上記(4)記載の部分ペプチドまたはその塩を用いることにより得られうる上記(1)記載のG蛋白質共役型レセプター蛋白質またはその塩に対するリガンド、

(15) 上記(14)記載のG蛋白質共役型レセプターのリガンドを含有してなる医薬、

(16) 上記(1)記載のG蛋白質共役型レセプター蛋白質もしくは上記(4)記載の部分ペプチドまたはその塩を用いることを特徴とする上記(1)記載のG蛋白質共役型レセプター蛋白質またはその塩に対するリガンドの決定方法、

(17) 上記(1)記載のG蛋白質共役型レセプター蛋白質もしくは上記(4)記載の部分ペプチドまたはその塩を用いることを特徴とするリガンドと上記(1)記載のG蛋白質共役型レセプター蛋白質またはその塩との結合性を変化させる化合物またはその塩のスクリーニング方法、

(18) 上記(1)記載のG蛋白質共役型レセプター蛋白質もしくは上記(4)記載の部分ペプチドまたはその塩を含有することを特徴とするリガンドと上記(1)記載のG蛋白質共役型レセプター蛋白質またはその塩との結合性を変化させる化合物またはその塩のスクリーニング用キット、

(19) 上記(17)記載のスクリーニング方法または上記(18)記載のスクリーニング用キットを用いて得られうるリガンドと上記(1)記載のG蛋白質共役型レセプター蛋白質またはその塩との結合性を変化させる化合物またはその塩、

(20) 上記(17)記載のスクリーニング方法または上記(18)記載のス

クリーニング用キットを用いて得られうるリガンドと上記（１）記載のＧ蛋白質共役型レセプター蛋白質またはその塩との結合性を变化させる化合物またはその塩を含有してなる医薬、

5 （２１）上記（５）記載のポリヌクレオチドとハイストリンジェントな条件下でハイブリダイスするポリヌクレオチド、

（２２）上記（５）記載のポリヌクレオチドと相補的な塩基配列またはその一部を含有してなるポリヌクレオチド、

10 （２３）上記（５）記載のポリヌクレオチドまたはその一部を用いることを特徴とする上記（１）記載のＧ蛋白質共役型レセプター蛋白質のｍＲＮＡの定量方法、

（２４）上記（１１）記載の抗体を用いることを特徴とする上記（１）記載のＧ蛋白質共役型レセプター蛋白質の定量方法、

15 （２５）上記（２３）または上記（２４）記載の定量方法を用いることを特徴とする上記（１）記載のＧ蛋白質共役型レセプターの機能が関連する疾患の診断剤、

（２６）上記（２３）記載の定量方法を用いることを特徴とする上記（１）記載のＧ蛋白質共役型レセプター蛋白質の発現量を変化させる化合物またはその塩のスクリーニング方法、

20 （２７）上記（２４）記載の定量方法を用いることを特徴とする細胞膜における上記（１）記載のＧ蛋白質共役型レセプター蛋白質量を変化させる化合物またはその塩のスクリーニング方法、

（２８）上記（２６）記載のスクリーニング方法を用いて得られうる上記（１）記載のＧ蛋白質共役型レセプター蛋白質の発現量を変化させる化合物またはその塩、

25 （２９）上記（２７）記載のスクリーニング方法を用いて得られうる細胞膜における上記（１）記載のＧ蛋白質共役型レセプター蛋白質量を変化させる化合物またはその塩、

（３０）上記（２６）記載のスクリーニング方法を用いて得られうる上記（１）記載のＧ蛋白質共役型レセプター蛋白質の発現量を変化させる化合物また

はその塩を含有してなる医薬、

(31) 上記(27)記載のスクリーニング方法を用いて得られうる細胞膜における上記(1)記載のG蛋白質共役型レセプター蛋白質量を変化させる化合物またはその塩を含有してなる医薬、

- 5 (32) 中枢疾患、炎症性疾患、循環器疾患、癌、代謝性疾患、免疫系疾患または消化器系疾患の予防・治療剤である上記(20)、(30)または(31)記載の医薬、

(33) 哺乳動物に対して、上記(17)記載のスクリーニング方法または上記(18)記載のスクリーニング用キットを用いて得られうるリガンドと上記

- 10 (1)記載のG蛋白質共役型レセプター蛋白質またはその塩との結合性を変化させる化合物またはその塩の有効量を投与することを特徴とする中枢疾患、炎症性疾患、循環器疾患、癌、代謝性疾患、免疫系疾患または消化器系疾患の予防・治療方法、

- (34) 哺乳動物に対して、上記(26)のスクリーニング方法を用いて得られうる上記(1)記載のG蛋白質共役型レセプター蛋白質の発現量を変化させる化合物またはその塩の有効量を投与することを特徴とする中枢疾患、炎症性疾患、循環器疾患、癌、代謝性疾患、免疫系疾患または消化器系疾患の予防・治療方法、

- (35) 哺乳動物に対して、(27)記載のスクリーニング方法を用いて得られうる細胞膜における上記(1)記載のG蛋白質共役型レセプター蛋白質量を変化させる化合物またはその塩の有効量を投与することを特徴とする中枢疾患、炎症性疾患、循環器疾患、癌、代謝性疾患、免疫系疾患または消化器系疾患の予防・治療方法、

- (36) 中枢疾患、炎症性疾患、循環器疾患、癌、代謝性疾患、免疫系疾患または消化器系疾患の予防・治療剤を製造するための上記(17)記載のスクリーニング方法または上記(18)記載のスクリーニング用キットを用いて得られうるリガンドと上記(1)記載のG蛋白質共役型レセプター蛋白質またはその塩との結合性を変化させる化合物またはその塩の使用、

(37) 中枢疾患、炎症性疾患、循環器疾患、癌、代謝性疾患、免疫系疾患または消化器系疾患の予防・治療剤を製造するための上記(26)記載のスクリー

ニング方法を用いて得られうる上記（１）記載のＧ蛋白質共役型レセプター蛋白質の発現量を変化させる化合物またはその塩の使用、

- （３８）中枢疾患、炎症性疾患、循環器疾患、癌、代謝性疾患、免疫系疾患または消化器系疾患の予防・治療剤を製造するための上記（２７）記載のスクリー
5 ニング方法を用いて得られうる細胞膜における上記（１）記載のＧ蛋白質共役型レセプター蛋白質量を変化させる化合物またはその塩の使用等に関する。

さらには、

- （３９）ヒト以外の哺乳動物に対して、上記（１７）記載のスクリーニング方法または上記（１８）記載のスクリーニング用キットを用いて得られうるリガン
10 ドと上記（１）記載のＧ蛋白質共役型レセプター蛋白質またはその塩との結合性を変化させる化合物またはその塩の有効量を投与することにより中枢疾患、炎症性疾患、循環器疾患、癌、代謝性疾患、免疫系疾患または消化器系疾患の予防方法又は、治療方法、

- （４０）ヒト以外の哺乳動物に対して、上記（２６）記載のスクリーニング方法を用いて得られうる上記（１）記載のＧ蛋白質共役型レセプター蛋白質の発現
15 量を変化させる化合物またはその塩の有効量を投与することを特徴とする中枢疾患、炎症性疾患、循環器疾患、癌、代謝性疾患、免疫系疾患または消化器系疾患の予防方法又は、治療方法、

- （４１）ヒト以外の哺乳動物に対して、上記（２７）記載のスクリーニング方法を用いて得られうる細胞膜における上記（１）記載のＧ蛋白質共役型レセプ
20 ター蛋白質量を変化させる化合物またはその塩の有効量を投与することを特徴とする中枢疾患、炎症性疾患、循環器疾患、癌、代謝性疾患、免疫系疾患または消化器系疾患の予防方法又は、治療方法、

- （４２）蛋白質が、①配列番号：１０で表わされるアミノ酸配列、配列番号：
25 １０で表わされるアミノ酸配列中の１または２個以上（好ましくは、１～３０個程度、より好ましくは１～１０個程度、さらに好ましくは数個（１～５個））のアミノ酸が欠失したアミノ酸配列、②配列番号：１０で表わされるアミノ酸配列に１または２個以上（好ましくは、１～３０個程度、より好ましくは１～１０個程度、さらに好ましくは数個（１～５個））のアミノ酸が付加したアミノ酸配列

、③配列番号：10で表わされるアミノ酸配列中の1または2個以上（好ましくは、1～30個程度、より好ましくは1～10個程度、さらに好ましくは数個（1～5個））のアミノ酸が他のアミノ酸で置換されたアミノ酸配列、または④それらを組み合わせたアミノ酸配列を含有する蛋白質である上記（1）記載のG蛋白質共役型レセプター蛋白質またはその塩、

（43）上記（1）記載のG蛋白質共役型レセプター蛋白質もしくはその塩または上記（4）記載の部分ペプチドもしくはその塩と、試験化合物とを接触させることを特徴とする上記（16）記載のリガンドの決定方法、

（44）リガンドが、例えば、アンギオテンシン、ボンバシン、カナビノイド、コレシストキニン、グルタミン、セロトニン、メラトニン、ニューコペプチドY、オピオイド、プリン、バソプレッシン、オキシトシン、PACAP（例、PACAP27、PACAP38）、セクレチン、グルカゴン、カルシトニン、アドレノメジュリン、ソマトスタチン、GHRH、CRF、ACTH、GRP、PTH、VIP（ハソアクティブ インテスティナル ポリペプチド）、ソマトスタチン、ドーパミン、モチリン、アミリン、ブラジキニン、CGRP（カルシトニンジーンリレーティッドペプチド）、ロイコトリエン、パンクレアスタチン、プロスタグランジン、トロンボキサン、アデノシン、アドレナリン、ケモカインスーパーファミリー（例、IL-8、GRO α 、GRO β 、GRO γ 、NAP-2、ENA-78、GCP-2、PF4、IP-10、Mig、PBSF、SD F-1などのCXCケモカインサブファミリー；MCAF/MCP-1、MCP-2、MCP-3、MCP-4、eotaxin、RANTES、MIP-1 α 、MIP-1 β 、HCC-1、MIP-3 α 、LARC、MIP-3 β 、ELC、I-309、TARC、MIPF-1、MIPF-2/eotaxin-2、MDC、DC-CK1、PARC、SLCなどのCCケモカインサブファミリー；lymphotactinなどのCケモカインサブファミリー；fractalkineなどのCX3Cケモカインサブファミリー等）、エンドセリン、エンテログストリン、ヒスタミン、ニューロテンシン、TRH、パンクレアティックポリペプタイト、ガラニン、リゾホスファチジン酸（LPA）またはスフィンゴシン1-リン酸である上記（43）記載のリガントの決定方法、

(45) (i) 上記(1)記載のG蛋白質共役型レセプター蛋白質もしくはその塩または上記(4)記載の部分ペプチドもしくはその塩と、リガンドとを接触させた場合と、(ii) 上記(1)記載のG蛋白質共役型レセプター蛋白質もしくはその塩または上記(4)記載の部分ペプチドもしくはその塩と、リガンドおよび試験化合物とを接触させた場合との比較を行なうことを特徴とする上記(17)記載のスクリーニング方法、

(46) (i) 標識したリガンドを上記(1)記載のG蛋白質共役型レセプター蛋白質もしくはその塩または上記(4)記載の部分ペプチドもしくはその塩に接触させた場合と、(ii) 標識したリガンドおよび試験化合物を上記(1)記載のG蛋白質共役型レセプター蛋白質もしくはその塩または上記(4)記載の部分ペプチドもしくはその塩に接触させた場合における、標識したリガンドの上記(1)記載のG蛋白質共役型レセプター蛋白質もしくはその塩または上記(4)記載の部分ペプチドもしくはその塩に対する結合量を測定し、比較することを特徴とするリガンドと上記(1)記載のG蛋白質共役型レセプター蛋白質またはその塩との結合性を変化させる化合物またはその塩のスクリーニング方法、

(47) (i) 標識したリガンドを上記(1)記載のG蛋白質共役型レセプター蛋白質を含有する細胞に接触させた場合と、(ii) 標識したリガンドおよび試験化合物を上記(1)記載のG蛋白質共役型レセプター蛋白質を含有する細胞に接触させた場合における、標識したリガンドの該細胞に対する結合量を測定し、比較することを特徴とするリガンドと上記(1)記載のG蛋白質共役型レセプター蛋白質またはその塩との結合性を変化させる化合物またはその塩のスクリーニング方法、

(48) (i) 標識したリガンドを上記(1)記載のG蛋白質共役型レセプター蛋白質を含有する細胞の膜画分に接触させた場合と、(ii) 標識したリガンドおよび試験化合物を上記(1)記載のG蛋白質共役型レセプター蛋白質を含有する細胞の膜画分に接触させた場合における、標識したリガンドの該細胞の膜画分に対する結合量を測定し、比較することを特徴とするリガンドと上記(1)記載のG蛋白質共役型レセプター蛋白質またはその塩との結合性を変化させる化合物またはその塩のスクリーニング方法、

(49) (i) 標識したリガンドを上記(9)記載の形質転換体を培養することによって該形質転換体の細胞膜に発現したG蛋白質共役型レセプター蛋白質に接触させた場合と、(ii) 標識したリガンドおよび試験化合物を上記(9)記載の形質転換体を培養することによって該形質転換体の細胞膜に発現したG蛋白質共役型レセプター蛋白質に接触させた場合における、標識したリガンドの該G蛋白質共役型レセプター蛋白質に対する結合量を測定し、比較することを特徴とするリガンドと上記(1)記載のG蛋白質共役型レセプター蛋白質またはその塩との結合性を変化させる化合物またはその塩のスクリーニング方法、

(50) (i) 上記(1)記載のG蛋白質共役型レセプター蛋白質またはその塩を活性化する化合物を上記(1)記載のG蛋白質共役型レセプター蛋白質を含有する細胞に接触させた場合と、(ii) 上記(1)記載のG蛋白質共役型レセプター蛋白質またはその塩を活性化する化合物および試験化合物を上記(1)記載のG蛋白質共役型レセプター蛋白質を含有する細胞に接触させた場合における、G蛋白質共役型レセプター蛋白質を介した細胞刺激活性を測定し、比較することを特徴とするリガンドと上記(1)記載のG蛋白質共役型レセプター蛋白質またはその塩との結合性を変化させる化合物またはその塩のスクリーニング方法、

(51) 上記(1)記載のG蛋白質共役型レセプター蛋白質またはその塩を活性化する化合物を上記(9)記載の形質転換体を培養することによって該形質転換体の細胞膜に発現したG蛋白質共役型レセプター蛋白質に接触させた場合と、上記(1)記載のG蛋白質共役型レセプター蛋白質またはその塩を活性化する化合物および試験化合物を上記(9)記載の形質転換体を培養することによって該形質転換体の細胞膜に発現したG蛋白質共役型レセプター蛋白質に接触させた場合における、G蛋白質共役型レセプター蛋白質を介する細胞刺激活性を測定し、比較することを特徴とするリガンドと上記(1)記載のG蛋白質共役型レセプター蛋白質またはその塩との結合性を変化させる化合物またはその塩のスクリーニング方法、

(52) 上記(1)記載のG蛋白質共役型レセプター蛋白質を活性化する化合物が、アンギオテンシン、ボンベシン、カナビノイド、コレシストキニン、グルタミン、セロトニン、メラトニン、ニューロペプチドY、オピオイド、プリン、

- バソプレッシン、オキシトシン、PACAP（例、PACAP 27, PACAP 38）、セクレチン、グルカゴン、カルシトニン、アドレノメジュリン、ソマトスタチン、GHRH、CRF、ACTH、GRP、PTH、VIP（バソアクティブ インテスティナル ポリペプチド）、ソマトスタチン、トーバミン、モチリン、アミリン、ブラジキニン、CGRP（カルシトニンジーンリレーティッドペプチド）、ロイコトリエン、パンクレアスタチン、プロスタグランジン、トロンボキサン、アデノシン、アドレナリン、ケモカインスーパーファミリー（例、IL-8, GRO α , GRO β , GRO γ , NAP-2, ENA-78, GCP-2, PF4, IP-10, Mig, PBSF/SDF-1などのCXCケモカインサブファミリー；MCAF/MCP-1, MCP-2, MCP-3, MCP-4, eotaxin, RANTES, MIP-1 α , MIP-1 β , HCC-1, MIP-3 α /LARC, MIP-3 β /ELC, I-309, TARC, MIPF-1, MIPF-2/eotaxin-2, MDC, DC-CK1/PARC, SLCなどのCCケモカインサブファミリー；lymphotactinなどのCケモカインサブファミリー；fractalkineなどのCX3Cケモカインサブファミリー等）、エンドセリン、エンテログストリン、ヒスタミン、ニューロテンシン、TRH、パンクレアティックポリペプチド、ガラニン、リゾホスファチジン酸（LPA）またはスフィンゴシン1-リン酸である上記（50）または（51）記載のスクリーニング方法、
- 20 （53）上記（45）～（52）記載のスクリーニング方法で得られうるリガンドと上記（1）記載のG蛋白質共役型レセプター蛋白質またはその塩との結合性を変化させる化合物またはその塩、
- （54）上記（45）～上記（52）記載のスクリーニング方法で得られうるリガンドと上記（1）記載のG蛋白質共役型レセプター蛋白質またはその塩との
- 25 結合性を変化させる化合物またはその塩を含有することを特徴とする医薬、
- （55）上記（1）記載のG蛋白質共役型レセプター蛋白質を含有する細胞を含有することを特徴とする上記（18）記載のスクリーニング用キット、
- （56）上記（1）記載のG蛋白質共役型レセプター蛋白質を含有する細胞の膜画分を含有することを特徴とする上記（18）記載のスクリーニング用キット

(57) 上記(9)記載の形質転換体を培養することによって該形質転換体の細胞膜に発現したG蛋白質共役型レセプター蛋白質を含有することを特徴とする上記(18)記載のスクリーニング用キット、

- 5 (58) 上記(55)～(57)記載のスクリーニング用キットを用いて得られる、リガンドと上記(1)記載のG蛋白質共役型レセプター蛋白質またはその塩との結合性を変化させる化合物またはその塩、

- (59) 上記(55)～(57)記載のスクリーニング用キットを用いて得られる、リガンドと上記(1)記載のG蛋白質共役型レセプター蛋白質またはその塩との結合性を変化させる化合物またはその塩を含有することを特徴とする医薬、
- 10

- (60) 上記(11)記載の抗体と、上記(1)記載のG蛋白質共役型レセプター蛋白質もしくは上記(4)記載の部分ペプチドまたはその塩とを接触させることを特徴とする上記(1)のG蛋白質共役型レセプター蛋白質もしくは上記(4)記載の部分ペプチドまたはその塩の定量法、
- 15

- (61) 上記(11)記載の抗体と、被検液および標識化された上記(1)記載のG蛋白質共役型レセプター蛋白質もしくは上記(4)記載の部分ペプチドまたはその塩とを競合的に反応させ、該抗体に結合した標識化された上記(1)記載のG蛋白質共役型レセプター蛋白質もしくは上記(4)記載の部分ペプチドまたはその塩の割合を測定することを特徴とする被検液中の上記(1)記載のG蛋白質共役型レセプター蛋白質もしくは上記(4)記載の部分ペプチドまたはその塩の定量法、および
- 20

- (62) 被検液と担体上に不溶化した上記(11)記載の抗体および標識化された上記(11)記載の抗体とを同時あるいは連続的に反応させたのち、不溶化担体上の標識剤の活性を測定することを特徴とする被検液中の上記(1)記載のG蛋白質共役型レセプター蛋白質もしくは上記(4)記載の部分ペプチドまたはその塩の定量法、
- 25

(63) 上記(6)に記載のDNAを含有してなる遺伝子診断薬、

(64) 上記(6)のDNAが導入されることを特徴とするトランスジェニック

ク動物、

(65) 上記(8)記載の組換えベクターにより上記(6)記載のDNAが動物に導入されることを特徴とする上記(64)記載のトランスジェニック動物、

5 (66) トランスジェニック動物がヒト以外の哺乳動物である上記(64)記載のトランスジェニック動物、

(67) 上記(64)記載のトランスジェニック動物を用いることを特徴とする上記(6)記載のDNAの欠損・損傷に起因する疾病に対して効果を有する化合物またはその塩のスクリーニング方法、

10 (68) 上記(64)記載のトランスジェニック動物を用いることを特徴とする上記(1)記載のG蛋白質共役型レセプター蛋白質またはその塩の製造法、等を提供する。

図面の簡単な説明

図1は、TGR17-1の疎水性プロット図である。

図2は、TGR17-2の疎水性プロット図である。

15 図3は、TGR17-3の疎水性プロット図である。

図4は、TGR17-4の疎水性プロット図である。

図5は、一文字表記によるTGR17-1のアミノ酸配列を示す図である。

図6は、一文字表記によるTGR17-2のアミノ酸配列を示す図である。

図7は、一文字表記によるTGR17-3のアミノ酸配列を示す図である。

20 図8は、一文字表記によるTGR17-4のアミノ酸配列を示す図である。

図9は、TGR17-5の疎水性プロット図である。

図10は、TGR17-6の疎水性プロット図である。

図11は、一文字表記によるTGR17-5のアミノ酸配列を示す図である

。

25 図12は、一文字表記によるTGR17-6のアミノ酸配列を示す図である

。

図13は、実施例5で行われたTGR17-1の発現組織分布の解析結果を示す。

発明を実施するための最良の形態

本発明のG蛋白質共役型レセプター蛋白質（以下、レセプター蛋白質と略記する場合がある）は、配列番号：10で表わされるアミノ酸配列と同一もしくは実質的に同一のアミノ酸配列を含有するレセプター蛋白質である。

- 5 ここで、配列番号：10で表わされるアミノ酸配列と同一もしくは実質的に同一のアミノ酸配列を含有するレセプター蛋白質としては例えば配列番号：1で表わされるアミノ酸配列と同一もしくは実質的に同一のアミノ酸配列を含有するレセプター蛋白質などが挙げられるが、かかる配列番号：1で表わされるアミノ酸配列と実質的に同一のアミノ酸配列を含有するレセプター蛋白質としては、例え
- 10 ば配列番号：5で表わされるアミノ酸配列を含有するレセプター蛋白質、配列番号：7で表わされるアミノ酸配列を含有するレセプター蛋白質、配列番号：10で表わされるアミノ酸配列を含有するレセプター蛋白質、配列番号：13で表わされるアミノ酸配列を含有するレセプター蛋白質、配列番号：15で表わされるアミノ酸配列を含有するレセプター蛋白質が挙げられる。
- 15 本発明のレセプター蛋白質は、例えば、ヒトや哺乳動物（例えば、モルモット、ラット、マウス、ウサギ、ブタ、ヒツジ、ウシ、サルなど）のあらゆる細胞（例えば、脾細胞、神経細胞、グリア細胞、膵臓β細胞、骨髄細胞、メサングウム細胞、ランゲルハンス細胞、表皮細胞、上皮細胞、内皮細胞、繊維芽細胞、繊維細胞、筋細胞、脂肪細胞、免疫細胞（例、マクロファージ、T細胞、B細胞、ナ
- 20 チュラルキラー細胞、肥満細胞、好中球、好塩基球、好酸球、単球）、巨核球、滑膜細胞、軟骨細胞、骨細胞、骨芽細胞、破骨細胞、乳腺細胞、肝細胞もしくは間質細胞、またはこれら細胞の前駆細胞、幹細胞もしくはガン細胞など）や血球系の細胞、またはそれらの細胞が存在するあらゆる組織、例えば、脳、脳の各部位（例、嗅球、扁桃核、大脳基底核、海馬、視床、視床下部、視床下核、大脳皮
- 25 質、延髄、小脳、後頭葉、前頭葉、側頭葉、被殻、尾状核、脳梁、黒質）、脊髓、下垂体、胃、膵臓、腎臓、肝臓、生殖腺、甲状腺、胆のう、骨髄、副腎、皮膚、筋肉、肺、消化管（例、大腸、小腸）、血管、心臓、胸腺、脾臓、顎下腺、末梢血、末梢血球、前立腺、睪丸、精巣、卵巣、胎盤、子宮、骨、関節、骨格筋などに由来する蛋白質であってもよく、また合成蛋白質であってもよい。

- 配列番号：10で表わされるアミノ酸配列と実質的に同一のアミノ酸配列としては、例えば、配列番号：10で表わされるアミノ酸配列と約50%以上、好ましくは約60%以上、より好ましくは約70%以上、さらに好ましくは約80%以上、なかでも好ましくは約90%以上、最も好ましくは約95%以上の相同性を有するアミノ酸配列などが挙げられる。

- 5 本発明の配列番号：10で表わされるアミノ酸配列と実質的に同一のアミノ酸配列を含有する蛋白質としては、例えば、配列番号：10で表わされるアミノ酸配列と実質的に同一のアミノ酸配列を有し、配列番号：10で表わされるアミノ酸配列と実質的に同質の活性を有する蛋白質などが好ましい。
- 10 実質的に同質の活性としては、例えば、リガンド結合活性、シグナル情報伝達作用などが挙げられる。実質的に同質とは、それらの活性が性質的に同質であることを示す。したがって、リガンド結合活性やシグナル情報伝達作用などの活性が同等（例、約0.01～100倍、好ましくは約0.5～20倍、より好ましくは約0.5～2倍）であることが好ましいが、これらの活性の程度や蛋白質の
- 15 分子量などの量的要素は異なってもよい。

- 配列番号：10で表わされるアミノ酸配列を含有するレセプター蛋白質としては、例えば配列番号：1で表わされるアミノ酸配列を含有するレセプター蛋白質、配列番号：5で表わされるアミノ酸配列を含有するレセプター蛋白質、配列番号：7で表わされるアミノ酸配列を含有するレセプター蛋白質、配列番号：13
- 20 で表わされるアミノ酸配列を含有するレセプター蛋白質、配列番号：15で表わされるアミノ酸配列を含有するレセプター蛋白質が挙げられる。

リガンド結合活性やシグナル情報伝達作用などの活性の測定は、自体公知の方法に準じて行なうことができるが、例えば、後に記載するリガンドの決定方法やスクリーニング方法に従って測定することができる。

- 25 また、本発明のレセプター蛋白質としては、①配列番号：10で表わされるアミノ酸配列中の1または2個以上（好ましくは、1～30個程度、より好ましくは1～10個程度、さらに好ましくは数個（1～5個））のアミノ酸が欠失したアミノ酸配列、②配列番号：10で表わされるアミノ酸配列に1または2個以上（好ましくは、1～30個程度、より好ましくは1～10個程度、さらに好まし

くは数個（1～5個））のアミノ酸が付加したアミノ酸配列、③配列番号：10で表わされるアミノ酸配列中の1または2個以上（好ましくは、1～30個程度、より好ましくは1～10個程度、さらに好ましくは数個（1～5個））のアミノ酸が他のアミノ酸で置換されたアミノ酸配列、または④それらを組み合わせたアミノ酸配列を含有する蛋白質なども用いられる。

本明細書におけるレセプター蛋白質は、ペプチド標記の慣例に従って、左端がN末端（アミノ末端）、右端がC末端（カルボキシル末端）である。配列番号：1で表わされるアミノ酸配列を含有するレセプター蛋白質をはじめとする、本発明のレセプター蛋白質は、C末端がカルボキシル基（ $-\text{COOH}$ ）、カルボキシレート（ $-\text{COO}^-$ ）、アミド（ $-\text{CONH}_2$ ）またはエステル（ $-\text{COOR}$ ）の何れであってもよい。

ここでエステルにおけるRとしては、例えば、メチル、エチル、*n*-プロピル、イソプロピルもしくは*n*-ブチルなどの C_{1-6} アルキル基、例えば、シクロペンチル、シクロヘキシルなどの C_{5-6} シクロアルキル基、例えば、フェニル、 α -ナフチルなどの C_{6-12} アリール基、例えば、ベンジル、フェネチルなどのフェニル- C_{1-2} アルキル基もしくは α -ナフチルメチルなどの α -ナフチル- C_{1-2} アルキル基などの C_{7-14} アラルキル基のほか、経口用エステルとして汎用されるピバロイルオキシメチル基などが用いられる。

本発明のレセプター蛋白質がC末端以外にカルボキシル基（またはカルボキシレート）を有している場合、カルボキシル基がアミド化またはエステル化されているものも本発明のレセプター蛋白質に含まれる。この場合のエステルとしては、例えば上記したC末端のエステルなどが用いられる。

さらに、本発明のレセプター蛋白質には、上記した蛋白質において、N末端のメチオニン残基のアミノ基が保護基（例えば、ホルミル基、アセチルなどの C_{2-5} アルカノイル基などの C_{1-6} アシル基など）で保護されているもの、N端側が生体内で切断され生成したグルタミル基がピログルタミン酸化したもの、分子内のアミノ酸の側鎖上の置換基（例えば、 $-\text{OH}$ 、 $-\text{SH}$ 、アミノ基、イミダゾール基、インドール基、グアニジノ基など）が適当な保護基（例えば、ホルミル基、アセチルなどの C_{2-5} アルカノイル基などの C_{1-6} アシル基など）で保護されているも

の、あるいは糖鎖が結合したいわゆる糖蛋白質などの複合蛋白質なども含まれる。

本発明のレセプター蛋白質の具体例としては、例えば、配列番号：1、5、7、10、13または15で表わされるアミノ酸配列を含有するレセプター蛋白質などが用いられる。

本発明のレセプター蛋白質の部分ペプチド（以下、部分ペプチドと略記する場合がある）としては、上記した本発明のレセプター蛋白質の部分ペプチドであれば何れのものであってもよいが、例えば、本発明のレセプター蛋白質分子のうち、細胞膜の外に露出している部位であって、レセプター結合活性を有するものなどが用いられる。

具体的には、配列番号：1、5、7、10、13または15で表わされるアミノ酸配列を有するレセプター蛋白質の部分ペプチドとしては、疎水性プロット解析において細胞外領域（親水性（Hydrophilic）部位）であると分析された部分を含むペプチドである。また、疎水性（Hydrophobic）部位を一部に含むペプチドも同様に用いることができる。個々のドメインを個別に含むペプチドも用い得るが、複数のドメインを同時に含む部分のペプチドでも良い。

本発明の部分ペプチドのアミノ酸の数は、上記した本発明のレセプター蛋白質の構成アミノ酸配列のうち少なくとも20個以上、好ましくは50個以上、より好ましくは100個以上のアミノ酸配列を有するペプチドなどが好ましい。

実質的に同一のアミノ酸配列とは、これらアミノ酸配列と約50%以上、好ましくは約60%以上、より好ましくは約70%以上、さらに好ましくは約80%以上、なかでも好ましくは約90%以上、最も好ましくは約95%以上の相同性を有するアミノ酸配列を示す。

ここで、「実質的に同質の活性」とは、上記と同意義を示す。「実質的に同質の活性」の測定は上記と同様に行なうことができる。

また、本発明の部分ペプチドは、上記アミノ酸配列中の1または2個以上（好ましくは、1～10個程度、さらに好ましくは数個（1～5個））のアミノ酸が欠失し、または、そのアミノ酸配列に1または2個以上（好ましくは、1～20個程度、より好ましくは1～10個程度、さらに好ましくは数個（1～5個））

のアミノ酸が付加し、または、そのアミノ酸配列中の1または2個以上（好ましくは、1～10個程度、より好ましくは数個、さらに好ましくは1～5個程度）のアミノ酸が他のアミノ酸で置換されていてもよい。

また、本発明の部分ペプチドはC末端が通常カルボキシル基（ $-\text{COOH}$ ）またはカルボキシレート（ $-\text{COO}^-$ ）であるか、上記した本発明の蛋白質のごとく、C末端がアミド（ $-\text{CONH}_2$ ）またはエステル（ $-\text{COOR}$ ）であってもよい。

さらに、本発明の部分ペプチドには、上記した本発明のレセプター蛋白質と同様に、N末端のメチオニン残基のアミノ基が保護基で保護されているもの、N端側が生体内で切断され生成したGlnかピログルタミン酸化したもの、分子内のアミノ酸の側鎖上の置換基が適当な保護基で保護されているもの、あるいは糖鎖が結合したいわゆる糖ペプチドなどの複合ペプチドなども含まれる。

本発明のレセプター蛋白質またはその部分ペプチドの塩としては、酸または塩基との生理学的に許容される塩が挙げられ、とりわけ生理学的に許容される酸付加塩が好ましい。このような塩としては、例えば、無機酸（例えば、塩酸、リン酸、臭化水素酸、硫酸）との塩、あるいは有機酸（例えば、酢酸、ギ酸、プロピオン酸、フマル酸、マレイン酸、コハク酸、酒石酸、クエン酸、リンゴ酸、蔞酸、安息香酸、メタンスルホン酸、ベンゼンスルホン酸）との塩などが用いられる。

本発明のレセプター蛋白質またはその塩は、上記したヒトや哺乳動物の細胞または組織から自他公知のレセプター蛋白質の精製方法によって製造することもできるし、後に記載する本発明のレセプター蛋白質をコートするDNAを含有する形質転換体を培養することによっても製造することかできる。また、後に記載する蛋白質合成法またはこれに準じて製造することもできる。

ヒトや哺乳動物の組織または細胞から製造する場合、ヒトや哺乳動物の組織または細胞をホモジナイズした後、酸などで抽出を行ない、該抽出液を逆相クロマトグラフィー、イオン交換クロマトグラフィーなどのクロマトグラフィーを組み合わせるにより精製単離することができる。

本発明のレセプター蛋白質もしくはその部分ペプチドまたはその塩またはそのアミド体の合成には、通常市販の蛋白質合成用樹脂を用いることができる。その

- 5 ような樹脂としては、例えば、クロロメチル樹脂、ヒドロキシメチル樹脂、ベンズヒドリルアミン樹脂、アミノメチル樹脂、4-ベンシルオキシベンジルアルコール樹脂、4-メチルベンズヒドリルアミン樹脂、PAM樹脂、4-ヒドロキシメチルメチルフェニルアセトアミドメチル樹脂、ポリアクリルアミド樹脂、4-(2', 4'-ジメトキシフェニル-ヒドロキシメチル)フェノキシ樹脂、4-(2', 4'-ジメトキシフェニル-Fmocアミノエチル)フェノキシ樹脂などを挙げるができる。このような樹脂を用い、 α -アミノ基と側鎖官能基を適当に保護したアミノ酸を、目的とする蛋白質の配列通りに、自体公知の各種縮合方法に従い、樹脂上で縮合させる。反応の最後に樹脂から蛋白質を切り出すと同時に各種保護基を除去し、さらに高希釈溶液中で分子内ジスルフィド結合形成反応を実施し、目的の蛋白質またはそのアミド体を取得する。

- 上記した保護アミノ酸の縮合に関しては、蛋白質合成に使用できる各種活性化試薬を用いることができるが、特に、カルボジイミド類がよい。カルボジイミド類としては、DCC、N, N'-ジイソプロピルカルボジイミド、N-エチル-N'-(3-ジメチルアミノプロリル)カルボジイミドなどが用いられる。これらによる活性化にはラセミ化抑制添加剤(例えば、HOBT、HOObt)とともに保護アミノ酸を直接樹脂に添加するか、または、対称酸無水物またはHOBTエステルあるいはHOObtエステルとしてあらかじめ保護アミノ酸の活性化を行なった後に樹脂に添加することができる。

- 20 保護アミノ酸の活性化や樹脂との縮合に用いられる溶媒としては、蛋白質縮合反応に使用しうることが知られている溶媒から適宜選択されうる。例えば、N, N-ジメチルホルムアミド、N, N-ジメチルアセトアミド、N-メチルピロリドンなどの酸アミド類、塩化メチレン、クロロホルムなどのハロゲン化炭化水素類、トリフルオロエタノールなどのアルコール類、ジメチルスルホキシドなどのスルホキシド類、ピリジン、ジオキサン、テトラヒドロフランなどのエーテル類、アセトニトリル、プロピオニトリルなどのニトリル類、酢酸メチル、酢酸エチルなどのエステル類あるいはこれらの適宜の混合物などが用いられる。反応温度は蛋白質結合形成反応に使用され得ることが知られている範囲から適宜選択され、通常約-20℃~50℃の範囲から適宜選択される。活性化されたアミノ酸誘

導体は通常 1.5 ～ 4 倍過剰で用いられる。ニンヒドリン反応を用いたテストの結果、縮合が不十分な場合には保護基の脱離を行うことなく縮合反応を繰り返すことにより十分な縮合を行なうことができる。反応を繰り返しても十分な縮合が得られないときには、無水酢酸またはアセチルイミダゾールを用いて未反応アミノ酸をアセチル化することができる。

原料のアミノ基の保護基としては、例えば、Z、Boc、ターシャリーベンチルオキシカルボニル、イソボルニルオキシカルボニル、4-メトキシベンジルオキシカルボニル、Cl-Z、Br-Z、アダマンチルオキシカルボニル、トリフルオロアセチル、フタロイル、ホルミル、2-ニトロフェニルスルフェニル、ジフェニルホスフィノチオイル、Fmocなどが用いられる。

カルボキシ基は、例えば、アルキルエステル化（例えば、メチル、エチル、プロピル、ブチル、ターシャリーブチル、シクロベンチル、シクロヘキシル、シクロヘプチル、シクロオクチル、2-アダマンチルなどの直鎖状、分枝状もしくは環状アルキルエステル化）、アラルキルエステル化（例えば、ベンジルエステル、4-ニトロベンジルエステル、4-メトキシベンジルエステル、4-クロロベンジルエステル、ベンズヒドリルエステル化）、フェナシルエステル化、ベンジルオキシカルボニルヒドラシド化、ターシャリーブトキシカルボニルヒドラジド化、トリチルヒドラジド化などによって保護することができる。

セリンの水酸基は、例えば、エステル化またはエーテル化によって保護することができる。このエステル化に適する基としては、例えば、アセチル基などの低級アルカノイル基、ベンゾイル基などのアロイル基、ベンジルオキシカルボニル基、エトキシカルボニル基などの炭酸から誘導される基などが用いられる。また、エーテル化に適する基としては、例えば、ベンジル基、テトラヒドロピラニル基、t-ブチル基などである。

チロシンのフェノール性水酸基の保護基としては、例えば、Bzl、Cl₂-Bzl、2-ニトロベンジル、Br-Z、ターシャリーブチルなどが用いられる。

ヒスチジンのイミダゾールの保護基としては、例えば、Tos、4-メトキシ-2,3,6-トリメチルベンゼンスルホニル、DNP、ベンジルオキシメチル、Bum、Boc、Trt、Fmocなどが用いられる。

原料のカルボキシル基の活性化されたものとしては、例えば、対応する酸無水物、アジド、活性エステル（アルコール（例えば、ペンタクロロフェノール、2, 4, 5-トリクロロフェノール、2, 4-ジニトロフェノール、シアノメチルアルコール、パラニトロフェノール、HONB、N-ヒドロキシスクシミド、N-ヒドロキシフタルイミド、HOBt）とのエステル）などが用いられる。原料の5 アミノ基の活性化されたものとしては、例えば、対応するリン酸アミドが用いられる。

保護基の除去（脱離）方法としては、例えば、Pd-黒あるいはPd-炭素などの触媒の存在下での水素気流中での接触還元や、また、無水フッ化水素、メタンスルホン酸、トリフルオロメタンスルホン酸、トリフルオロ酢酸あるいはこれらの10 混合液などによる酸処理や、ジイソプロピルエチルアミン、トリエチルアミン、ピペリジン、ピペラジンなどによる塩基処理、また液体アンモニア中ナトリウムによる還元なども用いられる。上記酸処理による脱離反応は、一般に約-20℃～40℃の温度で行なわれるが、酸処理においては、例えば、アニソール、フェノール、15 チオアニソール、メタクレゾール、パラクレゾール、ジメチルスルフィド、1, 4-ブタンジチオール、1, 2-エタンジチオールなどのようなカチオン捕捉剤の添加が有効である。また、ヒスチジンのイミダゾール保護基として用いられる2, 4-ジニトロフェニル基はチオフェノール処理により除去され、トリプトファンのインドール保護基として用いられるホルミル基は上記の1, 2-エタンジチオール、1, 4-ブタンジチオールなどの存在下の酸処理による脱保護20 以外に、希水酸化ナトリウム溶液、希アンモニアなどによるアルカリ処理によっても除去される。

原料の反応に関与すべきでない官能基の保護ならびに保護基、およびその保護基の脱離、反応に関与する官能基の活性化などは公知の基または公知の手段から25 適宜選択しうる。

蛋白質のアミド体を得る別の方法としては、例えば、まず、カルボキシ末端アミノ酸の α -カルボキシル基をアミド化して保護した後、アミノ基側にペプチド（蛋白質）鎖を所望の鎖長まで延ばした後、該ペプチド鎖のN末端の α -アミノ基の保護基のみを除いた蛋白質とC末端のカルボキシル基の保護基のみを除去し

た蛋白質とを製造し、この両蛋白質を上記したような混合溶媒中で縮合させる。縮合反応の詳細については上記と同様である。縮合により得られた保護蛋白質を精製した後、上記方法によりすべての保護基を除去し、所望の粗蛋白質を得ることができる。この粗蛋白質は既知の各種精製手段を駆使して精製し、主要画分を凍結乾燥することで所望の蛋白質のアミド体を得ることができる。

蛋白質のエステル体を得るには、例えば、カルボキシ末端アミノ酸の α -カルボキシル基を所望のアルコール類と縮合しアミノ酸エステルとした後、蛋白質のアミド体と同様にして、所望の蛋白質のエステル体を得ることができる。

本発明の蛋白質の部分ペプチドまたはその塩は、自体公知のペプチドの合成法に従って、あるいは本発明の蛋白質を適当なペプチダーゼで切断することによって製造することができる。ペプチドの合成法としては、例えば、固相合成法、液相合成法のいずれによっても良い。すなわち、本発明の蛋白質を構成し得る部分ペプチドもしくはアミノ酸と残余部分とを縮合させ、生成物が保護基を有する場合は保護基を脱離することにより目的のペプチドを製造することができる。公知の縮合方法や保護基の脱離としては、例えば、以下の①～⑤に記載された方法が挙げられる。

①M. Bodanszky および M. A. Ondetti、ペプチド シンセシス (Peptide Synthesis), Interscience Publishers, New York (1966年)

②SchroederおよびLuebke、ザ ペプチド (The Peptide), Academic Press, New York (1965年)

③泉屋信夫他、ペプチド合成の基礎と実験、丸善(株) (1975年)

④矢島治明 および榊原俊平、生化学実験講座 1、蛋白質の化学IV、205、(1977年)

⑤矢島治明監修、続医薬品の開発 第14巻 ペプチド合成 広川書店

また、反応後は通常の前製法、例えば、溶媒抽出・蒸留・カラムクロマトグラフィー・液体クロマトグラフィー・再結晶などを組み合わせて本発明の部分ペプチドを精製単離することができる。上記方法で得られる部分ペプチドが遊離体である場合は、公知の方法によって適当な塩に変換することができるし、逆に塩で得られた場合は、公知の方法によって遊離体に変換することができる。

本発明のレセプター蛋白質をコードするポリヌクレオチドとしては、上記した本発明のレセプター蛋白質をコードする塩基配列（DNAまたはRNA、好ましくはDNA）を含有するものであればいかなるものであってもよい。該ポリヌクレオチドとしては、本発明のレセプター蛋白質をコードするDNA、mRNA等のRNAであり、二本鎖であっても、一本鎖であってもよい。二本鎖の場合は、二本鎖DNA、二本鎖RNAまたはDNA：RNAのハイブリッドでもよい。一本鎖の場合は、センス鎖（すなわち、コード鎖）であっても、アンチセンス鎖（すなわち、非コード鎖）であってもよい。

本発明のレセプター蛋白質をコードするポリヌクレオチドを用いて、例えば、
10 公知の実験医学増刊「新PCRとその応用」15(7)、1997記載の方法またはそれに準じた方法により、本発明のレセプター蛋白質のmRNAを定量することができる。

本発明のレセプター蛋白質をコードするDNAとしては、ゲノムDNA、ゲノムDNAライブラリー、上記した細胞・組織由来のcDNA、上記した細胞・組織由来のcDNAライブラリー、合成DNAのいずれでもよい。ライブラリーに使用するベクターは、バクテリオファージ、プラスミド、コスミド、ファージミドなどいずれであってもよい。また、上記した細胞・組織よりtotal RNAまたはmRNA画分を調製したものをを用いて直接Reverse Transcriptase Polymerase Chain Reaction（以下、RT-PCR法と略称する）によって増幅することもできる。
20

具体的には、本発明のレセプター蛋白質をコードするDNAとしては、例えば、配列番号：2、6、8、11、14または16で表わされる塩基配列を含有するDNA、または配列番号：2、6、8、11、14または16で表わされる塩基配列とハイストリンジェントな条件下でハイブリダイズする塩基配列を有し、
25 本発明のレセプター蛋白質と実質的に同質の活性（例、リガンド結合活性、シグナル情報伝達作用など）を有するレセプター蛋白質をコードするDNAであれば何れのものでもよい。

配列番号：2、6、8、11、14または16で表わされる塩基配列とハイブリダイズできるDNAとしては、例えば、配列番号：2、6、8、11、14ま

たは16で表わされる塩基配列と約70%以上、好ましくは約80%以上、より好ましくは約90%以上、最も好ましくは約95%以上の相同性を有する塩基配列を含有するDNAなどが用いられる。

ハイブリダイゼーションは、自体公知の方法あるいはそれに準じる方法、例えば、
5 モレキュラー・クローニング (Molecular Cloning) 2nd (J. Sambrook et al., Cold Spring Harbor Lab. Press, 1989) に記載の方法などに従って行なうことができる。また、市販のライブラリーを使用する場合、添付の使用説明書に記載の方法に従って行なうことができる。より好ましくは、ハイストリンジェントな条件に従って行なうことができる。

10 該ハイストリンジェントな条件とは、例えば、ナトリウム濃度が約19~40 mM、好ましくは約19~20 mMで、温度が約50~70℃、好ましくは約60~65℃の条件を示す。特に、ナトリウム濃度が約19 mMで温度が約65℃の場合が最も好ましい。

より具体的には、配列番号：1で表わされるアミノ酸配列を含有するレセプター
15 一蛋白質をコードするDNAとしては、配列番号：2で表わされる塩基配列を含有するDNAなどが用いられる。

また、配列番号：5で表わされるアミノ酸配列を含有するレセプター蛋白質を
コートするDNAとしては、配列番号：6で表わされる塩基配列を含有するDNA
Aなどが用いられる。

20 配列番号：7で表わされるアミノ酸配列を含有するレセプター蛋白質をコードするDNAとしては、配列番号：8で表わされる塩基配列を含有するDNAなどが用いられる。

配列番号：10で表わされるアミノ酸配列を含有するレセプター蛋白質をコード
トするDNAとしては、配列番号：11で表わされる塩基配列を含有するDNA
25 などが用いられる。

配列番号：13で表わされるアミノ酸配列を含有するレセプター蛋白質をコード
トするDNAとしては、配列番号：14で表わされる塩基配列を含有するDNA
などが用いられる。

配列番号：15で表わされるアミノ酸配列を含有するレセプター蛋白質をコー

コードするDNAとしては、配列番号：16で表わされる塩基配列を含有するDNAなどが用いられる。

本発明のレセプター蛋白質をコードするDNAの塩基配列の一部、または該DNAと相補的な塩基配列の一部を含有してなるポリヌクレオチドとは、下記の本
5 発明の部分ペプチドをコードするDNAを包含するだけではなく、RNAをも包含する意味で用いられる。

本発明に従えば、G蛋白質共役型レセプター蛋白質遺伝子の複製または発現を阻害することのできるアンチセンス・ポリヌクレオチド（核酸）を、クローン化した、あるいは決定されたG蛋白質共役型レセプター蛋白質をコードするDNA
10 の塩基配列情報に基づき設計し、合成しうる。そうしたポリヌクレオチド（核酸）は、G蛋白質共役型レセプター蛋白質遺伝子のRNAとハイブリダイズすることができ、該RNAの合成または機能を阻害することができるか、あるいはG蛋白質共役型レセプター蛋白質関連RNAとの相互作用を介してG蛋白質共役型レセプター蛋白質遺伝子の発現を調節・制御することができる。G蛋白質共役型レセプター蛋白質関連RNAの選択された配列に相補的なポリヌクレオチド、およ
15 びG蛋白質共役型レセプター蛋白質関連RNAと特異的にハイブリダイズすることができるポリヌクレオチドは、生体内および生体外でG蛋白質共役型レセプター蛋白質遺伝子の発現を調節・制御するのに有用であり、また病気などの治療または診断に有用である。用語「対応する」とは、遺伝子を含めたヌクレオチド、塩基配列または核酸の特定の配列に相同性を有するあるいは相補的であることを意味する。ヌクレオチド、塩基配列または核酸とペプチド（蛋白質）との間で「対応する」とは、ヌクレオチド（核酸）の配列またはその相補体から誘導される指令にあるペプチド（蛋白質）のアミノ酸を通常指している。G蛋白質共役型レセプター蛋白質遺伝子の5'端ヘアピンループ、5'端6-ベースペア・リピー
20 ト、5'端非翻訳領域、ポリペプチド翻訳開始コドン、蛋白質コード領域、ORF翻訳開始コドン、3'端非翻訳領域、3'端パリンδροーム領域、および3'端ヘアピンループは好ましい対象領域として選択しうるが、G蛋白質共役型レセプター蛋白質遺伝子内の如何なる領域も対象として選択しうる。

目的核酸と、対象領域の少なくとも一部に相補的なポリヌクレオチドとの関係

は、対象物とハイブリダイズすることができるポリヌクレオチドとの関係は、「アンチセンス」であるといふことができる。アンチセンス・ポリヌクレオチドは、2-デオキシ-リボースを含有しているポリデオキシヌクレオチド、リボースを含有しているポリデオキシヌクレオチド、プリンまたはピリミジン塩基のN-グリコシドであるその他のタイプのポリヌクレオチド、あるいは非ヌクレオチド骨格を有するその他のポリマー（例えば、市販の蛋白質核酸および合成配列特異的な核酸ポリマー）または特殊な結合を含有するその他のポリマー（但し、該ポリマーはDNAやRNA中に見出されるような塩基のバックリングや塩基の付着を許容する配置をもつヌクレオチドを含有する）などが挙げられる。それらは、2本鎖DNA、1本鎖DNA、2本鎖RNA、1本鎖RNA、さらにDNA:RNAハイブリッドであることができ、さらに非修飾ポリヌクレオチド（または非修飾オリゴヌクレオチド）、さらには公知の修飾の付加されたもの、例えば当該分野で知られた標識のあるもの、キャップの付いたもの、メチル化されたもの、1個以上の天然のヌクレオチドを類縁物で置換したもの、分子内ヌクレオチド修飾のされたもの、例えば非荷電結合（例えば、メチルホスホネート、ホスホトリエステル、ホスホルアミデート、カルバメートなど）を持つもの、電荷を有する結合または硫黄含有結合（例えば、ホスホロチオエート、ホスホロジチオエートなど）を持つもの、例えば蛋白質（ヌクレアーゼ、ヌクレアーゼ・インヒビター、トキシン、抗体、シグナルペプチド、ホリーレーリジンなど）や糖（例えば、モノサッカライドなど）などの側鎖基を有しているもの、インターカレント化合物（例えば、アクリジン、フソラレンなど）を持つもの、キレート化合物（例えば、金属、放射活性をもつ金属、ホウ素、酸化性の金属など）を含有するもの、アルキル化剤を含有するもの、修飾された結合を持つもの（例えば、 α アノマー型の核酸など）であってもよい。ここで「ヌクレオシド」、「ヌクレオチド」および「核酸」とは、プリンおよびピリミジン塩基を含有するのみでなく、修飾されたその他の複素環型塩基をもつようなものを含んでいて良い。こうした修飾物は、メチル化されたプリンおよびピリミジン、アシル化されたプリンおよびピリミジン、あるいはその他の複素環を含むものであってよい。修飾されたヌクレオチドおよび修飾されたヌクレオチドはまた糖部分が修飾されていてよく、

例えば、1個以上の水酸基がハロゲンとか、脂肪族基などで置換されていたり、あるいはエーテル、アミンなどの官能基に変換されていてよい。

本発明のアンチセンス・ポリヌクレオチド（核酸）は、RNA、DNA、あるいは修飾された核酸（RNA、DNA）である。修飾された核酸の具体例として
5 は核酸の硫黄誘導体やチオホスフェート誘導体、そしてポリヌクレオシドアミドやオリゴヌクレオシドアミドの分解に抵抗性のものが挙げられるが、それに限定されるものではない。本発明のアンチセンス核酸は次のような方針で好ましく設計されうる。すなわち、細胞内でのアンチセンス核酸をより安定なものにする、アンチセンス核酸の細胞透過性をより高める、目標とするセンス鎖に対する親和性をより大きなものにする、そしてもし毒性があるならアンチセンス核酸の毒性
10 をより小さなものにする。

こうして修飾は当該分野で数多く知られており、例えば J. Kawakami et al., Pharm Tech Japan, Vol. 8, pp. 247, 1992; Vol. 8, pp. 395, 1992; S. T. Crooke et al. ed., Antisense Research and Applications, CRC Press, 1993 など
15 到開示がある。

本発明のアンチセンス核酸は、変化せしめられたり、修飾された糖、塩基、結合を含有していて良く、リボゾーム、ミクロスフェアのような特殊な形態で供与されたり、遺伝子治療により適用されたり、付加された形態で与えられることができる。こうして付加形態で用いられるものとしては、リン酸基骨格の電荷を
20 中和するように働くポリリジンのようなポリカチオン体、細胞膜との相互作用を高めたり、核酸の取込みを増大せしめるような脂質（例えば、ホスホリピド、コレステロールなど）といった疎水性のものが挙げられる。付加するに好ましい脂質としては、コレステロールやその誘導体（例えば、コレステリルクロホルメート、コール酸など）が挙げられる。こうしたものは、核酸の3'端あるいは5'
25 '端に付着させることができ、塩基、糖、分子内ヌクレオシド結合を介して付着させることができる。その他の基としては、核酸の3'端あるいは5'端に特異的に配置されたキャップ用の基で、エキソヌクレアーゼ、RNaseなどのヌクレアーゼによる分解を阻止するためのものが挙げられる。こうしたキャップ用の基としては、ポリエチレングリコール、テトラエチレングリコールなどのグリ

コールをはじめとした当該分野で知られた水酸基の保護基が挙げられるが、それに限定されるものではない。

アンチセンス核酸の阻害活性は、本発明の形質転換体、本発明の生体内や生体外の遺伝子発現系、あるいはG蛋白質共役型レセプター蛋白質の生体内や生体外の翻訳系を用いて調べることができる。該核酸それ自体公知の各種の方法で細胞に適用できる。

本発明の部分ペプチドをコードするDNAとしては、上記した本発明の部分ペプチドをコードする塩基配列を含有するものであればいかなるものであってもよい。また、ゲノムDNA、ゲノムDNAライブラリー、上記した細胞・組織由来のcDNA、上記した細胞・組織由来のcDNAライブラリー、合成DNAのいずれでもよい。ライブラリーに使用するベクターは、バクテリオファージ、プラスミド、コスミド、ファージミドなどいずれであってもよい。また、上記した細胞・組織よりmRNA画分を調製したものを用いて直接Reverse Transcriptase Polymerase Chain Reaction（以下、RT-PCR法と略称する）によって増幅することもできる。

具体的には、本発明の部分ペプチドをコードするDNAとしては、例えば、（1）配列番号：2、6、8、11、14または16で表わされる塩基配列を有するDNAの部分塩基配列を有するDNA、または（2）配列番号：2、6、8、11、14または16で表わされる塩基配列とハイストリンジェントな条件下でハイブリダイズする塩基配列を有し、本発明のレセプター蛋白質と実質的に同質の活性（例、リガンド結合活性、シグナル情報伝達作用など）を有するレセプター蛋白質をコードするDNAの部分塩基配列を有するDNAなどが用いられる。

配列番号：2、6、8、11、14または16で表わされる塩基配列ハイブリダイズできるDNAとしては、例えば、配列番号：2、6、8、11、14または16で表わされる塩基配列と約70%以上、好ましくは約80%以上、より好ましくは約90%以上、最も好ましくは約95%以上の相同性を有する塩基配列を含有するDNAなどが用いられる。

本発明のレセプター蛋白質またはその部分ペプチド（以下、本発明のレセプター蛋白質と略記する場合がある）を完全にコードするDNAのクローニングの手

段としては、本発明のレセプター蛋白質の部分塩基配列を有する合成DNAプライマーを用いてPCR法によって増幅するか、または適当なベクターに組み込んだDNAを本発明のレセプター蛋白質の一部あるいは全領域をコードするDNA断片もしくは合成DNAを用いて標識したものとのハイブリダイゼーションによって選別することができる。ハイブリダイゼーションの方法は、例えば、モレキュラー・クローニング (Molecular Cloning) 2nd (J. Sambrook et al., Cold Spring Harbor Lab. Press, 1989) に記載の方法などに従って行なうことができる。また、市販のライブラリーを使用する場合、添付の使用説明書に記載の方法に従って行なうことができる。

10 DNAの塩基配列の変換は、PCRや公知のキット、例えば、Mutan (登録商標) -super Express Km (宝酒造 (株))、Mutan (登録商標) -K (宝酒造 (株)) 等を用いて、ODA-LA PCR法やGapped duplex法やKunkel法等の自体公知の方法あるいはそれらに準じる方法に従って行なうことができる。

クローン化されたレセプター蛋白質をコードするDNAは目的によりそのまま、または所望により制限酵素で消化したり、リンカーを付加したりして使用することができる。該DNAはその5'末端側に翻訳開始コドンとしてのATGを有し、また3'末端側には翻訳終止コドンとしてのTAA、TGAまたはTAGを有していてもよい。これらの翻訳開始コドンや翻訳終止コドンは、適当な合成DNAアダプターを用いて付加することもできる。

20 本発明のレセプター蛋白質の発現ベクターは、例えば、(イ) 本発明のレセプター蛋白質をコードするDNAから目的とするDNA断片を切り出し、(ロ) 該DNA断片を適当な発現ベクター中のプロモーターの下流に連結することにより製造することができる。

ベクターとしては、大腸菌由来のプラスミド (例、pCR4、pCR2.1、pBR322、pBR325、pUC12、pUC13、pSL301)、枯草菌由来のプラスミド (例、pUB110、pTP5、pC194)、酵母由来プラスミド (例、pSH19、pSH15)、 λ ファージなどのバクテリオファージ、レトロウイルス、ワクシニアウイルス、バキュロウイルスなどの動物ウイルスなどの他、pA1-11、pXT1、pRc/CMV、pRc/RSV、pc

DNA I (Neo)などが用いられる。

本発明で用いられるプロモーターとしては、遺伝子の発現に用いる宿主に対応して適切なプロモーターであればいかなるものでもよい。例えば、動物細胞を宿主として用いる場合は、SR α プロモーター、SV40プロモーター、LTRプロモーター、CMVプロモーター、HSV-TKプロモーターなどが挙げられる。
5

これらのうち、CMVプロモーター、SR α プロモーターなどを用いるのが好ましい。宿主がエシェリヒア属菌である場合は、trpプロモーター、lacプロモーター、recAプロモーター、 λ P₁プロモーター、lppプロモーター
10 などが、宿主がバチルス属菌である場合は、SPO1プロモーター、SPO2プロモーター、penPプロモーターなど、宿主が酵母である場合は、PHO5プロモーター、PGKプロモーター、GAPプロモーター、ADHプロモーターなどが好ましい。宿主が昆虫細胞である場合は、ポリヘドリンプロモーター、P10プロモーターなどが好ましい。

15 発現ベクターには、以上の他に、所望によりエンハンサー、スプライシングシグナル、ポリA付加シグナル、選択マーカー、SV40複製オリジン（以下、SV40oriと略称する場合がある）などを含有しているものを用いることができる。選択マーカーとしては、例えば、ジヒドロ葉酸還元酵素（以下、dhfrと略称する場合がある）遺伝子（メソトレキセート（MTX）耐性）、アンピシリン耐性遺伝子（以下、Amp^rと略称する場合がある）、ネオマイシン耐性遺
20 伝子（以下、Neo^rと略称する場合がある、G418耐性）等が挙げられる。特に、CHO（dhfr⁻）細胞を用いてdhfr遺伝子を選択マーカーとして使用する場合、目的遺伝子をチミジンを含まない培地によっても選択できる。

また、必要に応じて、宿主に合ったシグナル配列を、本発明のレセプター蛋白質のN端末側に付加する。宿主がエシェリヒア属菌である場合は、PhoA・シグナル配列、OmpA・シグナル配列などが、宿主がバチルス属菌である場合は、 α -アミラーゼ・シグナル配列、サブチリシン・シグナル配列などが、宿主が酵母である場合は、MF α ・シグナル配列、SUC2・シグナル配列など、宿主が動物細胞である場合には、インシュリン・シグナル配列、 α -インターフェロン・
25

シグナル配列、抗体分子・シグナル配列などがそれぞれ利用できる。

このようにして構築された本発明のレセプター蛋白質をコードするDNAを含む有するベクターを用いて、形質転換体を製造することができる。

5 宿主としては、例えば、エシェリヒア属菌、バチルス属菌、酵母、昆虫細胞、昆虫、動物細胞などが用いられる。

エシェリヒア属菌の具体例としては、エシェリヒア・コリ (*Escherichia coli*) K12・DH1〔プロシーディングズ・オブ・ザ・ナショナル・アカデミー・オブ・サイエンシイズ・オブ・ザ・ユーエスエー (Proc. Natl. Acad. Sci. U S A), 60巻, 160(1968)], JM103〔スクイレック・アシッズ・リ
10 サーチ, (Nucleic Acids Research), 9巻, 309(1981)], JA221〔ジャーナル・オブ・モレキュラー・バイオロジー (Journal of Molecular Biology)], 120巻, 517(1978)], HB101〔ジャーナル・オブ・モレキュラー・バイオロジー, 41巻, 459(1969)], C600〔ジェネティックス (Genetics), 39巻, 440(1954)], DH5 α 〔Inoue, H., Noj
15 ima, H. and Okayama, H., Gene, 96, 23-28(1990)], DH10B〔プロシーディングズ・オブ・ザ・ナショナル・アカデミー・オブ・サイエンシイズ・オブ・ザ・ユーエスエー (Proc. Natl. Acad. Sci. U S A), 87巻, 4645-4649(1990)]などが用いられる。

バチルス属菌としては、例えば、バチルス・サブチルス (*Bacillus subtilis*)
20) MI114〔ジーン, 24巻, 255(1983)], 207-21〔ジャーナル・オブ・バイオケミストリー (Journal of Biochemistry), 95巻, 87(1984)]などが用いられる。

酵母としては、例えば、サッカロマイセス セレビスイエ (*Saccharomyces cerevisiae*) AH22, AH22R, NA87-11A, DKD-5D, 20B-
25 12, シゾサッカロマイセス ポンベ (*Schizosaccharomyces pombe*) NCYC 1913, NCYC 2036, ピキア パストリス (*Pichia pastoris*) などが用いられる。

昆虫細胞としては、例えば、ウイルスがAcNPVの場合は、夜盗蛾の幼虫由来株化細胞 (*Spodoptera frugiperda* cell; Sf細胞)、*Trichoplusia ni*の中

腸由来のMIG 1細胞、*Trichoplusia ni*の卵由来のHigh FiveTM細胞、*Mamestra brassicae*由来の細胞または*Estigmena acreata*由来の細胞などが用いられる。ウイルスがBmNPVの場合は、蚕由来株化細胞 (*Bombyx mori* N; BmN細胞) などが用いられる。該Sf細胞としては、例えば、Sf9細胞 (ATCC CRL1711)、
5 Sf21細胞 (以上、Vaughn, J.L.ら、イン・ヴィボ (In Vivo), 13, 213-217, (1977)) などが用いられる。

昆虫としては、例えば、カイコの幼虫などが用いられる〔前田ら、ネイチャー (Nature), 315巻, 592 (1985)〕。

動物細胞としては、例えば、サル細胞COS-7, Vero, チャイニーズハムスター細胞CHO (以下、CHO細胞と略記)、dhfr遺伝子欠損チャイニーズ
10 ハムスター細胞CHO (以下、CHO (dhfr-) 細胞と略記)、マウスL細胞、マウスAtT-20、マウスミエローマ細胞、ラットGH3、ヒトFL細胞などが用いられる。

エシェリヒア属菌を形質転換するには、例えば、プロシーディングズ・オブ・ザ
15 ・ナショナル・アカデミー・オブ・サイエンシイズ・オブ・サ・ユーエスエー (Proc. Natl. Acad. Sci. USA), 69巻, 2110 (1972) やジーン (Gene), 17巻, 107 (1982) などに記載の方法に従って行なうことができる。

バチルス属菌を形質転換するには、例えば、モレキュラー・アンド・ジェネラル・ジェネティックス (Molecular & General Genetics), 168巻, 111 (
20 1979) などに記載の方法に従って行なうことができる。

酵母を形質転換するには、例えば、メソッド・イン・エンザイモロジー (Methods in Enzymology), 194巻, 182-187 (1991)、プロシーディングズ・オブ・ザ・ナショナル・アカデミー・オブ・サイエンシイズ・オブ・ザ・
25 ユーエスエー (Proc. Natl. Acad. Sci. USA), 75巻, 1929 (1978) などに記載の方法に従って行なうことができる。

昆虫細胞または昆虫を形質転換するには、例えば、バイオテクノロジー (Bio/Technology), 6, 47-55 (1988) などに記載の方法に従って行なうことができる。

動物細胞を形質転換するには、例えば、細胞工学別冊8新細胞工学実験プロトコール、263-267(1995)(秀潤社発行)、ヴィロロジー(Virology)、52巻、456(1973)に記載の方法に従って行なうことができる。

このようにして、G蛋白質共役型レセプター蛋白質をコードするDNAを含有する発現ベクターで形質転換された形質転換体を得られる。

宿主がエシェリヒア属菌、バチルス属菌である形質転換体を培養する際、培養に使用される培地としては液体培地が適当であり、その中には該形質転換体の生育に必要な炭素源、窒素源、無機物その他が含有せしめられる。炭素源としては、例えば、グルコース、デキストリン、可溶性澱粉、ショ糖など、窒素源としては、例えば、アンモニウム塩類、硝酸塩類、コーンスチープ・リカー、ペプトン、カゼイン、肉エキス、大豆粕、バレイショ抽出液などの無機または有機物質、無機物としては、例えば、塩化カルシウム、リン酸二水素ナトリウム、塩化マグネシウムなどが挙げられる。また、酵母エキス、ビタミン類、生長促進因子などを添加してもよい。培地のpHは約5~8が望ましい。

エシェリヒア属菌を培養する際の培地としては、例えば、グルコース、カザミノ酸を含むM9培地〔ミラー(Miller)、ジャーナル・オブ・エクスペリメンツ・イン・モレキュラー・ジェネティックス(Journal of Experiments in Molecular Genetics)、431-433, Cold Spring Harbor Laboratory, New York 1972〕が好ましい。ここに必要によりプロモーターを効率よく働かせるために、例えば、3 β -インドリル アクリル酸のような薬剤を加えることができる。

宿主がエシェリヒア属菌の場合、培養は通常約15~43℃で約3~24時間行ない、必要により、通気や攪拌を加えることもできる。

宿主がバチルス属菌の場合、培養は通常約30~40℃で約6~24時間行ない、必要により通気や攪拌を加えることもできる。

宿主が酵母である形質転換体を培養する際、培地としては、例えば、パークホルダー(Burkholder)最小培地〔Bostian, K. L. ら、「プロシーディングス・オブ・ザ・ナショナル・アカデミー・オブ・サイエンシズ・オブ・ザ・ユエスエー(Proc. Natl. Acad. Sci. U S A)、77巻、4505(1980)〕や

0.5%カザミノ酸を含有するSD培地〔Bitter, G. A. ら、「プロシーディング
ズ・オブ・ザ・ナショナル・アカデミー・オブ・サイエンシズ・オブ・ザ・ユ
ーエスエー (Proc. Natl. Acad. Sci. U S A)」、81巻、5330 (1984
5 約20℃～35℃で約24～72時間行ない、必要に応じて通気や攪拌を加える
。

宿主が昆虫細胞または昆虫である形質転換体を培養する際、培地としては、Gr
ace's Insect Medium (Grace, T. C. C., ネイチャー (Nature), 195, 788 (1962))
に非動化した10%ウシ血清等の添加物を適宜加えたものなどが用いられる。培
10 地のpHは約6.2～6.4に調整するのが好ましい。培養は通常約27℃で約
3～5日間行ない、必要に応じて通気や攪拌を加える。

宿主が動物細胞である形質転換体を培養する際、培地としては、例えば、約5
～20%の胎児牛血清を含むMEM培地〔サイエンス (Science), 122巻、
501 (1952)〕、DMEM培地〔ウィロロジー (Virology), 8巻、396
15 (1959)〕、RPMI 1640培地〔ジャーナル・オブ・ザ・アメリカン・
メディカル・アソシエーション (The Journal of the American Medical Associ
ation) 199巻、519 (1967)〕、199培地〔プロシーディング・オブ・
ザ・ソサイエティ・フォー・ザ・バイオロジカル・メディスン (Proceeding of
the Society for the Biological Medicine), 73巻、1 (1950)〕などが
20 用いられる。pHは約6～8であるのが好ましい。培養は通常約30℃～40℃
で約15～60時間行ない、必要に応じて通気や攪拌を加える。

以上のようにして、形質転換体の細胞内、細胞膜または細胞外に本発明のG蛋
白質共役型レセプター蛋白質を生成せしめることができる。

上記培養物から本発明のレセプター蛋白質を分離精製するには、例えば、下記
25 の方法により行なうことができる。

本発明のレセプター蛋白質を培養菌体あるいは細胞から抽出するに際しては、
培養後、公知の方法で菌体あるいは細胞を集め、これを適当な緩衝液に懸濁し、
超音波、リゾチームおよび/または凍結融解などによって菌体あるいは細胞を破
壊したのち、遠心分離やろ過によりレセプター蛋白質の粗抽出液を得る方法など

が適宜用いられる。緩衝液の中に尿素や塩酸グアニジンなどの蛋白質変性剤や、トリトンX-100TMなどの界面活性剤が含まれていてもよい。培養液中にレセプター蛋白質が分泌される場合には、培養終了後、それ自体公知の方法で菌体あるいは細胞と上清とを分離し、上清を集める。

- 5 このようにして得られた培養上清、あるいは抽出液中に含まれるレセプター蛋白質の精製は、自体公知の分離・精製法を適切に組み合わせて行なうことができる。これらの公知の分離、精製法としては、塩析や溶媒沈澱法などの溶解度を利用する方法、透析法、限外ろ過法、ゲルろ過法、およびSDS-ポリアクリルアミドゲル電気泳動法などの主として分子量の差を利用する方法、イオン交換クロマトグラフィーなどの荷電の差を利用する方法、アフィニティークロマトグラフィーなどの特異的親和性を利用する方法、逆相高速液体クロマトグラフィーなどの疎水性の差を利用する方法、等電点電気泳動法などの等電点の差を利用する方法などが用いられる。
- 10

- 15 かくして得られるレセプター蛋白質が遊離体で得られた場合には、自体公知の方法あるいはそれに準じる方法によって塩に変換することができ、逆に塩で得られた場合には自体公知の方法あるいはそれに準じる方法により、遊離体または他の塩に変換することができる。

- 20 なお、組換え体が産生するレセプター蛋白質を、精製前または精製後に適当な蛋白修飾酵素を作用させることにより、任意に修飾を加えたり、ポリペプチドを部分的に除去することもできる。蛋白修飾酵素としては、例えば、トリプシン、キモトリプシン、アルギニルエンドペプチダーゼ、プロテインキナーゼ、グリコシダーゼなどが用いられる。

- 25 かくして生成する本発明のレセプター蛋白質またはその塩の活性は、標識したリガンドとの結合実験および特異抗体を用いたエンザイムイムノアッセイなどにより測定することができる。

本発明のレセプター蛋白質もしくはその部分ペプチドまたはその塩に対する抗体は、本発明のレセプター蛋白質もしくはその部分ペプチドまたはその塩を認識し得る抗体であれば、ポリクローナル抗体、モノクローナル抗体の何れであってもよい。

本発明のレセプター蛋白質もしくはその部分ペプチドまたはその塩（以下、本発明のレセプター蛋白質等と略記する場合がある）に対する抗体は、本発明のレセプター蛋白質等を抗原として用い、自体公知の抗体または抗血清の製造法に従って製造することができる。

5 〔モノクローナル抗体の作製〕

 （a）モノクローナル抗体産生細胞の作製

本発明のレセプター蛋白質等は、哺乳動物に対して投与により抗体産生が可能な部位にそれ自体あるいは担体、希釈剤とともに投与される。投与に際して抗体産生能を高めるため、完全フロイントアジュバントや不完全フロイントアジュバントを投与してもよい。投与は通常2～6週毎に1回ずつ、計2～10回程度行
10 なわれる。用いられる哺乳動物としては、例えば、サル、ウサギ、イヌ、モルモット、マウス、ラット、ヒツジ、ヤギが挙げられるが、マウスおよびラットが好ましく用いられる。

モノクローナル抗体産生細胞の作製に際しては、抗原を免疫された温血動物、
15 例えば、マウスから抗体価の認められた個体を選択し最終免疫の2～5日後に脾臓またはリンパ節を採取し、それらに含まれる抗体産生細胞を骨髓腫細胞と融合させることにより、モノクローナル抗体産生ハイブリドーマを調製することができる。抗血清中の抗体価の測定は、例えば、後記の標識化レセプター蛋白質等と抗血清とを反応させたのち、抗体に結合した標識剤の活性を測定することにより
20 行なうことができる。融合操作は既知の方法、例えば、ケーラーとミルスタインの方法〔ネイチャー（Nature）、256巻、495頁（1975年）〕に従い実施することができる。融合促進剤としては、例えば、ポリエチレングリコール（PEG）やセンダイウィルスなどが挙げられるが、好ましくはPEGが用いられる。

25 骨髓腫細胞としては、例えば、NS-1、P3U1、SP2/0などが挙げられるが、P3U1が好ましく用いられる。用いられる抗体産生細胞（脾臓細胞）数と骨髓腫細胞数との好ましい比率は1：1～20：1程度であり、PEG（好ましくは、PEG1000～PEG6000）が10～80％程度の濃度で添加され、約20～40℃、好ましくは約30～37℃で約1～10分間インキュベ

ートすることにより効率よく細胞融合を実施できる。

モノクローナル抗体産生ハイブリドーマのスクリーニングには種々の方法が使用できるが、例えば、レセプター蛋白質等の抗原を直接あるいは担体とともに吸着させた固相（例、マイクロプレート）にハイブリドーマ培養上清を添加し、次に放射性物質や酵素などで標識した抗免疫グロブリン抗体（細胞融合に用いられる細胞がマウスの場合、抗マウス免疫グロブリン抗体が用いられる）またはプロテインAを加え、固相に結合したモノクローナル抗体を検出する方法、抗免疫グロブリン抗体またはプロテインAを吸着させた固相にハイブリドーマ培養上清を添加し、放射性物質や酵素などで標識したレセプター蛋白質等を加え、固相に結合したモノクローナル抗体を検出する方法などが挙げられる。

モノクローナル抗体の選別は、自体公知あるいはそれに準じる方法に従って行なうことができるが、通常はHAT（ヒポキサンチン、アミノプテリン、チミジン）を添加した動物細胞用培地などで行なうことができる。選別および育種用培地としては、ハイブリドーマが生育できるものならばどのような培地を用いても良い。例えば、1～20%、好ましくは10～20%の牛胎児血清を含むRPMI 1640培地、1～10%の牛胎児血清を含むGIT培地（和光純薬工業（株））またはハイブリドーマ培養用無血清培地（SFM-101、日水製薬（株））などを用いることができる。培養温度は、通常20～40℃、好ましくは約37℃である。培養時間は、通常5日～3週間、好ましくは1週間～2週間である。培養は、通常5%炭酸ガス下で行なうことができる。ハイブリドーマ培養上清の抗体価は、上記の抗血清中の抗体価の測定と同様にして測定できる。

（b）モノクローナル抗体の精製

モノクローナル抗体の分離精製は、通常のポリクローナル抗体の分離精製と同様に免疫グロブリンの分離精製法〔例、塩析法、アルコール沈殿法、等電点沈殿法、電気泳動法、イオン交換体（例、DEAE）による吸脱着法、超遠心法、ゲルろ過法、抗原結合固相またはプロテインAあるいはプロテインGなどの活性吸着剤により抗体のみを採取し、結合を解離させて抗体を得る特異的精製法〕に従って行なうことができる。

〔ポリクローナル抗体の作製〕

本発明のポリクローナル抗体は、それ自体公知あるいはそれに準じる方法にしたがって製造することができる。例えば、免疫抗原（レセプター蛋白質等の抗原）とキャリアー蛋白質との複合体をつくり、上記のモノクローナル抗体の製造法と同様に哺乳動物に免疫を行ない、該免疫動物から本発明のレセプター蛋白質等
5 に対する抗体含有物を採取して、抗体の分離精製を行なうことにより製造できる。

哺乳動物を免疫するために用いられる免疫抗原とキャリアー蛋白質との複合体に関し、キャリアー蛋白質の種類およびキャリアーとハプテンとの混合比は、キャリアーに架橋させて免疫したハプテンに対して抗体が効率良くできれば、どの
10 様なものをどの様な比率で架橋させてもよいが、例えば、ウシ血清アルブミン、ウシサイログロブリン、キーホール・リンパット・ヘモシアニン等を重量比でハプテン1に対し、約0.1～20、好ましくは約1～5の割合でカプルさせる方法が用いられる。

また、ハプテンとキャリアーのカプリングには、種々の縮合剤を用いることができるが、グルタルアルデヒドやカルボジイミド、マレイミト活性エステル、チ
15 オール基、ジチオヒリシル基を含有する活性エステル試薬等が用いられる。

縮合生成物は、温血動物に対して、抗体産生が可能な部位にそれ自体あるいは担体、希釈剤とともに投与される。投与に際して抗体産生能を高めるため、完全フロイントアジュバントや不完全フロイントアジュバントを投与してもよい。投
20 与は、通常約2～6週毎に1回ずつ、計約3～10回程度行なうことができる。

ポリクローナル抗体は、上記の方法で免疫された哺乳動物の血液、腹水など、好ましくは血液から採取することができる。

抗血清中のポリクローナル抗体価の測定は、上記の血清中の抗体価の測定と同様にして測定できる。ポリクローナル抗体の分離精製は、上記のモノクローナル
25 抗体の分離精製と同様の免疫グロブリンの分離精製法に従って行なうことができる。

本発明のレセプター蛋白質またはその塩、その部分ペプチドまたはその塩、および該レセプター蛋白質またはその部分ペプチドをコードするDNAは、(1) 本発明のG蛋白質共役型レセプター蛋白質に対するリガンド（アゴニスト）の決

定、(2)本発明のG蛋白質共役型レセプター蛋白質の機能不全に関連する疾患の予防および/または治療剤、(3)遺伝子診断剤、(4)本発明のレセプター蛋白質またはその部分ペプチドの発現量を変化させる化合物のスクリーニング方法、(5)本発明のレセプター蛋白質またはその部分ペプチドの発現量を変化させる化合物を含有する各種疾病の予防および/または治療剤、(6)本発明のG蛋白質共役型レセプター蛋白質に対するリガンドの定量法、(7)本発明のG蛋白質共役型レセプター蛋白質とリガンドとの結合性を変化させる化合物(アゴニスト、アンタゴニストなど)のスクリーニング方法、(8)本発明のG蛋白質共役型レセプター蛋白質とリガンドとの結合性を変化させる化合物(アゴニスト、アンタゴニスト)を含有する各種疾病の予防および/または治療剤、(9)本発明のレセプター蛋白質もしくはその部分ペプチドまたはその塩の定量、(10)細胞膜における本発明のレセプター蛋白質またはその部分ペプチドの量を変化させる化合物のスクリーニング方法、(11)細胞膜における本発明のレセプター蛋白質またはその部分ペプチドの量を変化させる化合物を含有する各種疾病の予防および/または治療剤、(12)本発明のレセプター蛋白質もしくはその部分ペプチドまたはその塩に対する抗体による中和、(13)本発明のG蛋白質共役型レセプター蛋白質をコードするDNAを有する非ヒト動物の作製などに用いることができる。

特に、本発明の組換え型G蛋白質共役型レセプター蛋白質の発現系を用いたレセプター結合アッセイ系を用いることによって、ヒトや哺乳動物に特異的なG蛋白質共役型レセプターに対するリガンドの結合性を変化させる化合物(例、アゴニスト、アンタゴニストなど)をスクリーニングすることができ、該アゴニストまたはアンタゴニストを各種疾病の予防・治療剤などとして使用することができる。

25 本発明のレセプター蛋白質もしくは部分ペプチドまたはその塩(以下、本発明のレセプター蛋白質等と略記する場合がある)、本発明のレセプター蛋白質またはその部分ペプチドをコードするDNA(以下、本発明のDNAと略記する場合がある)および本発明のレセプター蛋白質等に対する抗体(以下、本発明の抗体と略記する場合がある)の用途について、以下に具体的に説明する。

(1) 本発明のG蛋白質共役型レセプター蛋白質に対するリガンド（アゴニスト）の決定

本発明のレセプター蛋白質もしくはその塩または本発明の部分ペプチドもしくはその塩は、本発明のレセプター蛋白質またはその塩に対するリガンド（アゴニスト）を探索し、または決定するための試薬として有用である。

すなわち、本発明は、本発明のレセプター蛋白質もしくはその塩または本発明の部分ペプチドもしくはその塩と、試験化合物とを接触させることを特徴とする本発明のレセプター蛋白質に対するリガンドの決定方法を提供する。

試験化合物としては、公知のリガンド（例えば、エンギオテンシン、ボンバシン、カナビノイド、コレシストキニン、グルタミン、セロトニン、メラトニン、ニューロペプチドY、オピオイド、プリン、バソプレッシン、オキシトシン、PACAP（例、PACAP27、PACAP38）、セクレチン、グルカゴン、カルシトニン、アドレノメジュリン、ソマトスタチン、GHRH、CRF、ACTH、GRP、PTH、VIP（バソアクティブ・インテスチナル・アンド・リレイテッド・ポリペプチド）、ソマトスタチン、ドーパミン、モチリン、アミリン、ブラジキニン、CGRP（カルシトニン・シー・リレイテッドペプチド）、ロイコトリエン、パンクレアスタチン、プロスタグランジン、トロンボキサン、アデノシン、アドレナリン、ケモカインスーパーファミリー（例、IL-8、GRO α 、GRO β 、GRO γ 、NAP-2、ENA-78、GCP-2、PF4、IP-10、Mig、PBSE/SDF-1などのCXCケモカインサブファミリー；MCAF（MCP-1、MCP-2、MCP-3、MCP-4、eotaxin、RANTES、MIP-1 α 、MIP-1 β 、HCC-1、MIP-3 α 、LARC、MIP-3 β 、ELC、I-309、TARC、MIPF-1、MIPF-2/eotaxin-2、MDC、DC-CK1/PARC、SLCなどのCCケモカインサブファミリー；lymphotactinなどのCケモカインサブファミリー；fractalkineなどのCX3Cケモカインサブファミリー等）、エンドセリン、エンテロカストリン、ヒスタミン、ニューロテンシン、TRH、パンクレアティックポリペプチド、ガラニン、リソホスファチジン酸（LPA）、スフィンゴシン-1-リン酸など）の他に、例えば、ヒ

トまたは哺乳動物（例えばマウス、ラット、ブタ、ウシ、ヒツジ、サルなど）の組織抽出物、細胞培養上清などが用いられる。例えば、該組織抽出物、細胞培養上清などを本発明のレセプター蛋白質に添加し、細胞刺激活性などを測定しながら分画し、最終的に単一のリガンドを得ることができる。

5

具体的には、本発明のリガンド決定方法は、本発明のレセプター蛋白質もしくはその部分ペプチドもしくはその塩を用いるか、または組換え型レセプター蛋白質の発現系を構築し、該発現系を用いたレセプター結合アッセイ系を用いることによって、本発明のレセプター蛋白質に結合して細胞刺激活性（例えば、アラキ
10 ドン酸遊離、アセチルコリン遊離、細胞内 Ca^{2+} 遊離、細胞内 cAMP 生成、細胞内 cGMP 生成、イノシトールリン酸産生、細胞膜電位変動、細胞内蛋白質のリン酸化、c-fos 活性化、pH の低下などを促進する活性または抑制する活性）を有する化合物（例えば、ペプチド、蛋白質、非ペプチド性化合物、合成化合物、発酵生産物など）またはその塩を決定する方法である。

15 本発明のリガント決定方法においては、本発明のレセプター蛋白質またはその部分ペプチドと試験化合物とを接触させた場合の、例えば、該レセプター蛋白質または該部分ペプチドに対する試験化合物の結合量や、細胞刺激活性などを測定することを特徴とする。

より具体的には、本発明は、

20 ①標識した試験化合物を、本発明のレセプター蛋白質もしくはその塩または本発明の部分ペプチドもしくはその塩に接触させた場合における、標識した試験化合物の該蛋白質もしくはその塩、または該部分ペプチドもしくはその塩に対する結合量を測定することを特徴とする本発明のレセプター蛋白質またはその塩に対するリガンドの決定方法、

25 ②標識した試験化合物を、本発明のレセプター蛋白質を含有する細胞または該細胞の膜画分に接触させた場合における、標識した試験化合物の該細胞または該膜画分に対する結合量を測定することを特徴とする本発明のレセプター蛋白質またはその塩に対するリガンドの決定方法、

③標識した試験化合物を、本発明のレセプター蛋白質をコードする DNA を含

有する形質転換体を培養することによって細胞膜上に発現したレセプター蛋白質に接触させた場合における、標識した試験化合物の該レセプター蛋白質またはその塩に対する結合量を測定することを特徴とする本発明のレセプター蛋白質に対するリガンドの決定方法、

- 5 ④試験化合物を、本発明のレセプター蛋白質を含有する細胞に接触させた場合における、レセプター蛋白質を介した細胞刺激活性（例えば、アラキドン酸遊離、アセチルコリン遊離、細胞内 Ca^{2+} 遊離、細胞内cAMP生成、細胞内cGMP生成、イノシトールリン酸産生、細胞膜電位変動、細胞内蛋白質のリン酸化、c-fosの活性化、pHの低下などを促進する活性または抑制する活性など）
- 10 を測定することを特徴とする本発明のレセプター蛋白質またはその塩に対するリガンドの決定方法、および

- ⑤試験化合物を、本発明のレセプター蛋白質をコードするDNAを含有する形質転換体を培養することによって細胞膜上に発現したレセプター蛋白質に接触させた場合における、レセプター蛋白質を介する細胞刺激活性（例えば、アラキ
- 15 ン酸遊離、アセチルコリン遊離、細胞内 Ca^{2+} 遊離、細胞内cAMP生成、細胞内cGMP生成、イノシトールリン酸産生、細胞膜電位変動、細胞内蛋白質のリン酸化、c-fosの活性化、pHの低下などを促進する活性または抑制する活性など）を測定することを特徴とする本発明のレセプター蛋白質またはその塩に対するリガンドの決定方法を提供する。

- 20 特に、上記①～③の試験を行ない、試験化合物が本発明のレセプター蛋白質に結合することを確認した後に、上記④～⑤の試験を行なうことが好ましい。

- まず、リガンド決定方法に用いるレセプター蛋白質としては、上記した本発明のレセプター蛋白質または本発明の部分ペプチドを含有するものであれば何れのものであってもよいが、動物細胞を用いて大量発現させたレセプター蛋白質が適
- 25 している。

本発明のレセプター蛋白質を製造するには、上記の発現方法が用いられるが、該レセプター蛋白質をコードするDNAを哺乳動物細胞や昆虫細胞で発現することにより行なうことが好ましい。目的とする蛋白質部分をコードするDNA断片には、通常、相補DNAが用いられるが、必ずしもこれに制約されるものではな

い。例えば、遺伝子断片や合成DNAを用いてもよい。本発明のレセプター蛋白質をコードするDNA断片を宿主動物細胞に導入し、それらを効率よく発現させるためには、該DNA断片を昆虫を宿主とするバキュロウイルスに属する核多角体病ウイルス (nuclear polyhedrosis virus : NPV) のポリヘトリンプロモーター、SV40由来のプロモーター、レトロウイルスのプロモーター、メタロチオネインプロモーター、ヒトヒートショックプロモーター、サイトメガロウイルスプロモーター、SR α プロモーターなどの下流に組み込むのが好ましい。発現したレセプターの量と質の検査はそれ自体公知の方法で行うことができる。例えば、文献 [Nambi, P. ら、ザ・ジャーナル・オブ・バイオロジカル・ケミストリー (J. Biol. Chem.) , 267巻, 19555~19559頁, 1992年] に記載の方法に従って行うことができる。

したがって、本発明のリガンド決定方法において、本発明のレセプター蛋白質もしくはその部分ペプチドまたはその塩を含有するものとしては、それ自体公知の方法に従って精製したレセプター蛋白質もしくはその部分ペプチドまたはその塩であってもよいし、該レセプター蛋白質を含有する細胞またはその細胞膜画分を用いてもよい。

本発明のリガンド決定方法において、本発明のレセプター蛋白質を含有する細胞を用いる場合、該細胞をグルタルアルデヒド、ホルマリンなどで固定化してもよい。固定化方法はそれ自体公知の方法に従って行なうことができる。

本発明のレセプター蛋白質を含有する細胞としては、本発明のレセプター蛋白質を発現した宿主細胞をいうが、該宿主細胞としては、大腸菌、枯草菌、酵母、昆虫細胞、動物細胞などが用いられる。

細胞膜画分としては、細胞を破碎した後、それ自体公知の方法で得られる細胞膜が多く含まれる画分のことをいう。細胞の破碎方法としては、Potter-Elvehjem型ホモジナイザーで細胞を押し潰す方法、ワーリングブレンダーやポリトロン (Kinematica社製) による破碎、超音波による破碎、フレンチプレスなどで加圧しながら細胞を細いノズルから噴出させることによる破碎などが挙げられる。細胞膜の分画には、分画遠心分離法や密度勾配遠心分離法などの遠心力による分画法が主として用いられる。例えば、細胞破碎液を低速 (500rpm~3000

r p m) で短時間 (通常、約 1 分 ~ 1 0 分) 遠心し、上清をさらに高速 (1 5 0 0 0 r p m ~ 3 0 0 0 0 r p m) で通常 3 0 分 ~ 2 時間遠心し、得られる沈澱を膜画分とする。該膜画分中には、発現したレセプター蛋白質と細胞由来のリリ脂質や膜蛋白質などの膜成分が多く含まれる。

- 5 該レセプター蛋白質を含有する細胞やその膜画分中のレセプター蛋白質の量は、1 細胞当たり $10^3 \sim 10^6$ 分子であるのが好ましく、 $10^4 \sim 10^7$ 分子であるのが好適である。なお、発現量が多いほど膜画分当たりのリガンド結合活性 (比活性) が高くなり、高感度なスクリーニング系の構築が可能になるばかりでなく、同一ロットで大量の試料を測定できるようになる。

- 10 本発明のレセプター蛋白質またはその塩に対するリガンドを決定する上記の(1) ~ (3)の方法を実施するためには、適当なレセプター蛋白質画分と、標識した試験化合物が必要である。

- 15 レセプター蛋白質画分としては、天然型のレセプター蛋白質画分か、またはそれと同等の活性を有する組換え型レセプター画分などが望ましい。ここで、同等の活性とは、同等のリガンド結合活性、シグナル情報伝達作用などを示す。

- 20 標識した試験化合物としては、 $[^3\text{H}]$ 、 $[^{125}\text{I}]$ 、 $[^{14}\text{C}]$ 、 $[^{35}\text{S}]$ などで標識したアンキオテンシン、ボンバシン、カナヒノイト、コレシストキニン、グルタミン、セロトニン、メラトニン、ニューロペプチド Y、オピオイド、プリン、バソプレッシン、オキシトシン、PACAP (例、PACAP 27, PACAP 38)、セクレチン、グルカゴン、カルシトニン、アドレノメジュリン、ソマトスタチン、GHRH、CRF、ACTH、GRP、PTH、VIP (バソアクティヴ・インテステイナル・アンチ・リイテット・ポリペプチド)、ソマトスタチン、ドーパミン、モチリン、アミリン、ブラジキニン、CGRP (カルシトニンジーンリレーティッドペプチド)、ロイコトリエン、パンクレアスタチン、プロスタグランジン、トロンボキサン、アデノシン、アトレナリン、ケモカインスーパーファミリー (例、IL-8, $\text{GRO}\alpha$, $\text{GRO}\beta$, $\text{GRO}\gamma$, NAP-2, ENA-78, GCP-2, PF4, IP-10, Mig, PBSF, SDF-1 などの CXC ケモカインサブファミリー; MCAF, MCP-1, MCP-2, MCP-3, MCP-4, eotaxin, RANTES, MIP-1 α ,
- 25

MIP-1 β , HCC-1, MIP-3 α /LARC, MIP-3 β /ELC,
1-309, TARC, MIPF-1, MIPF-2/eotaxin-2, M
DC, DC-CK1/PARC, SLCなどのCCケモカインサブファミリー;
lymphotactinなどのCケモカインサブファミリー;
5 kineなどのCX3Cケモカインサブファミリー等)、エンドセリン、エンテ
ロガストリン、ヒスタミン、ニューロテンシン、TRH、パンクレアティックポ
リペプチド、ガラニン、リゾホスファチジン酸(LPA)、スフィンゴシン1
ーリン酸などが好適である。

具体的には、本発明のレセプター蛋白質またはその塩に対するリガンドの決定
10 方法を行なうには、まず本発明のレセプター蛋白質を含有する細胞または細胞の
膜画分を、決定方法に適したバッファーに懸濁することによりレセプター標品を
調製する。バッファーには、pH4~10(望ましくはpH6~8)のリン酸バ
ッファー、トリス-塩酸バッファーなどのリガンドとレセプター蛋白質との結合
を阻害しないバッファーであればいずれでもよい。また、非特異的結合を低減さ
15 せる目的で、CHAPS、Tween-80TM(花王-アトラス社)、ジギトニ
ン、デオキシコレートなどの界面活性剤やウシ血清アルブミンやゼラチンなどの
各種蛋白質をバッファーに加えることもできる。さらに、プロテアーゼによるリ
セプターやリガンドの分解を抑える目的でPMSF、ロイペプチン、E-64(ペ
プチド研究所製)、ペプスタチンなどのプロテアーゼ阻害剤を添加することも
20 できる。0.01ml~10mlの該レセプター溶液に、一定量(5000cpm
~500000cpm)の[³H]、[¹²⁵I]、[¹⁴C]、[³⁵S]などで標識し
た試験化合物を共存させる。非特異的結合量(NSB)を知るために大過剰の未
標識の試験化合物を加えた反応チューブも用意する。反応は約0℃~50℃、望
ましくは約4℃~37℃で、約20分~24時間、望ましくは約30分~3時間
25 行なう。反応後、ガラス繊維濾紙等で濾過し、適量の同バッファーで洗浄した後
、ガラス繊維濾紙に残存する放射活性を液体シンチレーションカウンターあるい
はγ-カウンターで計測する。全結合量(B)から非特異的結合量(NSB)を
引いたカウント(B-NSB)が0cpmを越える試験化合物を本発明のレセプ
ター蛋白質またはその塩に対するリガンド(アゴニスト)として選択することが

できる。

本発明のレセプター蛋白質またはその塩に対するリガンドを決定する上記の④～⑤の方法を実施するためには、該レセプター蛋白質を介する細胞刺激活性（例えば、アラキドン酸遊離、アセチルコリン遊離、細胞内 Ca^{2+} 遊離、細胞内cAMP生成、細胞内cGMP生成、イノシトールリン酸産生、細胞膜電位変動、細胞内蛋白質のリン酸化、c-fosの活性化、pHの低下などを促進する活性または抑制する活性など）を公知の方法または市販の測定用キットを用いて測定することができる。具体的には、まず、レセプター蛋白質を含有する細胞をマルチウェルプレート等に培養する。リガント決定を行なうにあたっては前もって新鮮な培地あるいは細胞に毒性を示さない適当なバッファーに交換し、試験化合物などを添加して一定時間インキュベートした後、細胞を抽出あるいは上清液を回収して、生成した産物をそれぞれの方法に従って定量する。細胞刺激活性の指標とする物質（例えば、アラキドン酸など）の生成が、細胞が含有する分解酵素によって検定困難な場合は、該分解酵素に対する阻害剤を添加してアッセイを行なってもよい。また、cAMP産生抑制などの活性については、フォルスコリンなどで細胞の基礎的産生量を増大させておいた細胞に対する産生抑制作用として検出することかできる。

本発明のレセプター蛋白質またはその塩に結合するリガント決定用キットは、本発明のレセプター蛋白質もしくはその塩、本発明の部分ペプチドもしくはその塩、本発明のレセプター蛋白質を含有する細胞、または本発明のレセプター蛋白質を含有する細胞の膜画分などを含有するものである。

本発明のリガント決定用キットの例としては、次のものが挙げられる。

1. リガント決定用試薬

①測定用緩衝液および洗浄用緩衝液

Hanks' Balanced Salt Solution（ギブコ社製）に、0.05%のウシ血清アルブミン（シグマ社製）を加えたもの。

孔径0.45 μm のフィルターで濾過滅菌し、4℃で保存するか、あるいは用時調製しても良い。

②G蛋白質共役型レセプター蛋白質標品

本発明のレセプター蛋白質を発現させたCHO細胞を、12穴プレートに5×10⁵個/穴で継代し、37℃、5%CO₂、95%airで2日間培養したもの。

③標識試験化合物

- 5 市販の [³H]、[¹²⁵I]、[¹⁴C]、[³⁵S] などと標識した化合物、または適当な方法で標識化したもの

水溶液の状態のものを4℃あるいは-20℃にて保存し、用時に測定用緩衝液にて1μMに希釈する。水に難溶性を示す試験化合物については、ジメチルホルムアミド、DMSO、メタノール等に溶解する。

- 10 ④非標識試験化合物

標識化合物と同じものを100～1000倍濃い濃度に調製する。

2. 測定法

- ①12穴組織培養用プレートにて培養した本発明のレセプター蛋白質発現CHO細胞を、測定用緩衝液1mlで2回洗浄した後、490μlの測定用緩衝液を
15 各穴に加える。

②標識試験化合物を5μl加え、室温にて1時間反応させる。非特異的結合量を知るためには非標識試験化合物を5μl加えておく。

- ③反応液を除去し、1mlの洗浄用緩衝液で3回洗浄する。細胞に結合した標識試験化合物を0.2N NaOH-1%SDSで溶解し、4mlの液体シンチ
20 レーターA（和光純薬製）と混合する。

④液体シンチレーションカウンター（ベックマン社製）を用いて放射活性を測定する。

- 本発明のレセプター蛋白質またはその塩に結合することができるリガンドとしては、例えば、脳、下垂体、心臓、膵臓、脾臓、精巣などに特異的に存在する物質などが挙げられ、具体的には、アンギオテンシン、ボンベシン、カナビノイド
25 コレシストキニン、グルタミン、セロトニン、メラトニン、ニューロペプチドY、オピオイド、プリン、バソプレッシン、オキシトシン、PACAP（例、PACAP27、PACAP38）、セクレチン、グルカゴン、カルシトニン、アドレノメジュリン、ソマトスタチン、GHRH、CRF、ACTH、GRP、P

TH、VIP（バソアクティブ・インテスチナル・アンゴ・リレイテッド・ポリペプチド）、ソマトスタチン、ドーパミン、モチリン、アミリン、ブラジキニン、CGRP（カルシトニンジーンリレーテッドペプチド）、ロイコトリエン、パankレアスタチン、プロスタグランジン、トロンボキサン、アデノシン、アドレナリン、ケモカインスーパーファミリー（例、IL-8、GRO α 、GRO β 、GRO γ 、NAP-2、ENA-78、GCP-2、PF4、IP-10、Mig、PBSF/SDF-1などのCXCケモカインサブファミリー；MCAF/MCP-1、MCP-2、MCP-3、MCP-4、eotaxin、RANTES、MIP-1 α 、MIP-1 β 、HCC-1、MIP-3 α 、LARC、MIP-3 β 、ELC、I-309、TARC、MIPF-1、MIPF-2、eotaxin-2、MDC、DC-CK1/PARC、SLCなどのCCケモカインサブファミリー；lymphotactinなどのCケモカインサブファミリー；fractalkineなどのCX3Cケモカインサブファミリー等）、エンドセリン、エンテロカストリン、ヒスタミン、ニューロテンシン、TRH、パankレアティックポリペプチド、ガラニン、リゾホスファチジン酸（LPA）、スフィンゴシン1-リン酸などが用いられる。

（2）本発明のG蛋白質共役型レセプター蛋白質の機能不全に関連する疾患の予防および/または治療剤

上記（1）の方法において、本発明のレセプター蛋白質に対するリガンドが明らかになれば、該リガンドが有する作用に応じて、①本発明のレセプター蛋白質または②該レセプター蛋白質をコードするDNAを、本発明のレセプター蛋白質の機能不全に関連する疾患の予防および/または治療剤などの医薬として使用することができる。

例えば、生体内において本発明のレセプター蛋白質が減少しているためにリガンドの生理作用が期待できない（該レセプター蛋白質の欠乏症）患者がいる場合に、①本発明のレセプター蛋白質を該患者に投与し該レセプター蛋白質の量を補充したり、②（イ）本発明のレセプター蛋白質をコードするDNAを該患者に投与し発現させることによって、あるいは（ロ）対象となる細胞に本発明のレセプター蛋白質をコードするDNAを挿入し発現させた後に、該細胞を該患者に移植

することなどによって、患者の体内におけるレセプター蛋白質の量を増加させ、リガンドの作用を十分に発揮させることができる。すなわち、本発明のレセプター蛋白質をコードするDNAは、安全で低毒性な本発明のレセプター蛋白質の機能不全に関連する疾患の予防および/または治療剤として有用である。

5 本発明のレセプター蛋白質は、G蛋白共役型レセプター蛋白質であるGRL 101〔プロシーディングズ・オブ・ザ・ナショナル・アカデミー・オブ・サイエンス・オブ・ザ・ユーエスエー (Proc. Natl. Acad. Sci. USA), 91巻, 4816-4820 (1994)] にアミノ酸配列レベルで、約31%程度の相同性が認められる新規7回膜貫通型受容体蛋白質である。

10 本発明のレセプター蛋白質または該レセプター蛋白質をコードするDNAは中枢疾患 (例えば、アルツハイマー病、痴呆、摂食障害など)、炎症性疾患 (例えば、アレルギー、喘息、リュウマチなど)、循環器疾患 (例えば、高血圧症、心肥大、狭心症、動脈硬化症等)、癌 (例えば、非小細胞肺癌、卵巣癌、前立腺癌、胃癌、膀胱癌、乳癌、子宮頸部癌、結腸癌、直腸癌等)、糖尿病などの予防および
15 または治療に有用である。

本発明のレセプター蛋白質を上記予防・治療剤として使用する場合は、常套手段に従って製剤化することができる。

一方、本発明のレセプター蛋白質をコードするDNA (以下、本発明のDNAと略記する場合がある) を上記予防・治療剤として使用する場合は、本発明のDNAを単独あるいはレトロウイルスベクター、アデノウイルスベクター、アデノ
20 ウイルスアソシエーテッドウイルスベクターなどの適当なベクターに挿入した後、常套手段に従って実施することができる。本発明のDNAは、そのまま、あるいは摂取促進のための補助剤とともに、遺伝子銃やハイドロゲルカテーテルのようなカテーテルによって投与できる。

25 例えば、①本発明のレセプター蛋白質または②該レセプター蛋白質をコードするDNAは、必要に応じて糖衣を施した錠剤、カプセル剤、エリキシル剤、マイクロカプセル剤などとして経口的に、あるいは水もしくはそれ以外の薬学的に許容し得る液との無菌性溶液、または懸濁液剤などの注射剤の形で非経口的に使用できる。例えば、①本発明のレセプター蛋白質または②該レセプター蛋白質をコ

ードするDNAを生理学的に認められる公知の担体、香味剤、賦形剤、ベヒクル、防腐剤、安定剤、結合剤などとともに一般に認められた製剤実施に要求される単位用量形態で混和することによって製造することができる。これら製剤における有効成分量は指示された範囲の適当な用量が得られるようにするものである。

- 5 錠剤、カプセル剤などに混和することができる添加剤としては、例えば、ゼラチン、コーンスターチ、トラガント、アラビアゴムのような結合剤、結晶性セルロースのような賦形剤、コーンスターチ、ゼラチン、アルギン酸などのような膨化剤、ステアリン酸マグネシウムのような潤滑剤、ショ糖、乳糖またはサッカリンのような甘味剤、ペパーミント、アカモノ油またはチェリーのような香味剤など
- 10 などが用いられる。調剤単位形態がカプセルである場合には、上記タイプの材料にさらに油脂のような液状担体を含有することができる。注射のための無菌組成物は注射用水のようなベヒクル中の活性物質、胡麻油、椰子油などのような天然産出植物油などを溶解または懸濁させるなどの通常の製剤実施に従って処方することができる。注射用の水性液としては、例えば、生理食塩水、ブドウ糖やその他
- 15 の補助薬を含む等張液（例えば、D-ソルビトール、D-マンニトール、塩化ナトリウムなど）などが用いられ、適当な溶解補助剤、例えば、アルコール（例、エタノール）、ポリアルコール（例、プロピレングリコール、ポリエチレングリコール）、非イオン性界面活性剤（例、ポリソルベート 80TM、HCO-50）などと併用してもよい。油性液としては、例えば、コマ油、大豆油などが用いられ、溶解補助剤である安息香酸ベンジル、ベンジルアルコールなどと併用してもよい。
- 20

- また、上記予防・治療剤は、例えば、緩衝剤（例えば、リン酸塩緩衝液、酢酸ナトリウム緩衝液）、無痛化剤（例えば、塩化ベンサルコニウム、塩酸プロカインなど）、安定剤（例えば、ヒト血清アルブミン、ポリエチレングリコールなど
- 25 ））、保存剤（例えば、ベンジルアルコール、フェノールなど）、酸化防止剤などと配合してもよい。調製された注射液は通常、適当なアンプルに充填される。

このようにして得られる製剤は安全で低毒性であるので、例えば、ヒトや哺乳動物（例えば、ラット、マウス、ウサギ、ヒツシ、ブタ、ウシ、ネコ、イヌ、サルなど）に対して投与することができる。

本発明のレセプター蛋白質の投与量は、投与対象、対象臓器、症状、投与方法などにより差異はあるが、経口投与の場合、一般的に例えば、動脈硬化症患者（60 kgとして）においては、一日につき約0.1 mg～100 mg、好ましくは約1.0～50 mg、より好ましくは約1.0～20 mgである。非経口的に投与する場合は、その1回投与量は投与対象、対象臓器、症状、投与方法などによっても異なるが、例えば、注射剤の形では通常例えば、動脈硬化症患者（60 kgとして）においては、一日につき約0.01～30 mg程度、好ましくは約0.1～20 mg程度、より好ましくは約0.1～10 mg程度を静脈注射により投与するのが好都合である。他の動物の場合も、60 kgあたりに換算した量を投与することができる。

本発明のDNAの投与量は、投与対象、対象臓器、症状、投与方法などにより差異はあるが、経口投与の場合、一般的に例えば、動脈硬化症患者（60 kgとして）においては、一日につき約0.1 mg～100 mg、好ましくは約1.0～50 mg、より好ましくは約1.0～20 mgである。非経口的に投与する場合は、その1回投与量は投与対象、対象臓器、症状、投与方法などによっても異なるが、例えば、注射剤の形では通常例えば、動脈硬化症患者（60 kgとして）においては、一日につき約0.01～30 mg程度、好ましくは約0.1～20 mg程度、より好ましくは約0.1～10 mg程度を静脈注射により投与するのが好都合である。他の動物の場合も、60 kgあたりに換算した量を投与することができる。

（3）遺伝子診断剤

本発明のDNAは、プローブとして使用することにより、ヒトまたは哺乳動物（例えば、ラット、マウス、ウサギ、ヒツジ、ブタ、ウシ、ネコ、イヌ、サルなど）における本発明のレセプター蛋白質またはその部分ペプチドをコードするDNAまたはmRNAの異常（遺伝子異常）を検出することができるので、例えば、該DNAまたはmRNAの損傷、突然変異あるいは発現低下や、該DNAまたはmRNAの増加あるいは発現過多などの遺伝子診断剤として有用である。

本発明のDNAを用いる上記の遺伝子診断は、例えば、自体公知のノーザンハイブリダイゼーションやPCR-SSCP法（ゲノミックス（Genomics）, 第5

5 卷、874～879頁（1989年）、フロージングズ・オブ・ザ・ナショナル・アカデミー・オブ・サイエンス・オブ・ユーエスエー（Proceedings of the National Academy of Sciences of the United States of America）、第86巻、2766～2770頁（1989年）などにより実施することができる。

（4）本発明のレセプター蛋白質またはその部分ペプチドの発現量を変化させる化合物のスクリーニング方法

10 本発明のDNAは、プローブとして用いることにより、本発明のレセプター蛋白質またはその部分ペプチドの発現量を変化させる化合物のスクリーニングに用いることができる。

すなわち、本発明は、例えば、（i）非ヒト哺乳動物の①血液、②特定の臓器、③臓器から単離した組織もしくは細胞、または（ii）形質転換体等に含まれる本発明のレセプター蛋白質またはその部分ペプチドのmRNA量を測定することによる、本発明のレセプター蛋白質またはその部分ペプチドの発現量を変化させる化合物のスクリーニング方法を提供する。

本発明のレセプター蛋白質またはその部分ペプチドのmRNA量の測定は具体的には以下のようにして行なう。

20 （i）正常あるいは疾患モデル非ヒト哺乳動物（例えば、マウス、ラット、ウサギ、ヒツジ、ブタ、ウシ、ネコ、イヌ、サルなど、より具体的には痴呆ラット、肥満マウス、動脈硬化ウサギ、担癌マウスなど）に対して、薬剤（例えば、抗痴呆薬、血圧低下薬、抗癌剤、抗肥満薬など）あるいは物理的ストレス（例えば、浸水ストレス、電気ショック、明暗、低温など）などを与え、一定時間経過した後、血液、あるいは特定の臓器（例えば、脳、肝臓、腎臓、心臓、膵臓、脾臓、精巣など）、または臓器から単離した組織、あるいは細胞を得る。

25 得られた細胞に含まれる本発明のレセプター蛋白質またはその部分ペプチドのmRNAは、例えば、通常の方法により細胞等からmRNAを抽出し、例えば、TaqManPCRなどの手法を用いることにより定量することかでき、自体公知の手段によりノザンプロットを行うことにより解析することもできる。

（ii）本発明のレセプター蛋白質もしくはその部分ペプチドを発現する形質転

換体を上記の方法に従い作製し、該形質転換体に含まれる本発明のレセプター蛋白質またはその部分ペプチドのmRNAを同様にして定量、解析することができる。

5 本発明のレセプター蛋白質またはその部分ペプチドの発現量を変化させる化合物のスクリーニングは、

(i) 正常あるいは疾患モデル非ヒト哺乳動物に対して、薬剤あるいは物理的ストレスなどを与える一定時間前（30分前～24時間前、好ましくは30分前～12時間前、より好ましくは1時間前～6時間前）もしくは一定時間後（30分後～3日後、好ましくは1時間後～2日後、より好ましくは1時間後～24時間後）、または薬剤あるいは物理的ストレスと同時に被検化合物を投与し、投与後一定時間経過後（30分後～3日後、好ましくは1時間後～2日後、より好ましくは1時間後～24時間後）、細胞に含まれる本発明のレセプター蛋白質またはその部分ペプチドのmRNA量を定量、解析することにより行なうことができ、

15 (ii) 形質転換体を常法に従い培養する際に被検化合物を培地中に混合させ、一定時間培養後（1日後～7日後、好ましくは1日後～3日後、より好ましくは2日後～3日後）、該形質転換体に含まれる本発明のレセプター蛋白質またはその部分ペプチドのmRNA量を定量、解析することにより行なうことができる。

本発明のスクリーニング方法を用いて得られる化合物またはその塩は、本発明
20 のレセプター蛋白質またはその部分ペプチドの発現量を変化させる作用を有する化合物であり、具体的には、(イ) 本発明のレセプター蛋白質またはその部分ペプチドの発現量を増加させることにより、G蛋白質共役型レセプターを介する細胞刺激活性（例えば、アラキドン酸遊離、アセチルコリン遊離、細胞内Ca²⁺遊離、細胞内cAMP生成、細胞内cGMP生成、イノシトールリン酸産生、細胞
25 膜電位変動、細胞内蛋白質のリン酸化、c-fosの活性化、pHの低下などを促進する活性または抑制する活性など）を増強させる化合物、(ロ) 本発明のレセプター蛋白質またはその部分ペプチドの発現量を減少させることにより、該細胞刺激活性を減弱させる化合物である。

該化合物としては、ペプチド、蛋白、非ペプチド性化合物、合成化合物、発酵

生産物などが挙げられ、これら化合物は新規な化合物であってもよいし、公知の化合物であってもよい。

該細胞刺激活性を増強させる化合物は、本発明のレセプター蛋白質等の生理活性を増強するための安全で低毒性な医薬として有用である。

- 5 該細胞刺激活性を減弱させる化合物は、本発明のレセプター蛋白質等の生理活性を減少させるための安全で低毒性な医薬として有用である。

- 本発明のスクリーニング方法を用いて得られる化合物またはその塩を医薬組成物として使用する場合、常套手段に従って実施することができる。例えば、上記した本発明のレセプター蛋白質を含有する医薬と同様にして、錠剤、カプセル剤、
10 エリキシル剤、マイクロカプセル剤、無菌性溶液、懸濁液剤などとすることができる。

このようにして得られる製剤は安全で低毒性であるので、例えば、ヒトや哺乳動物（例えば、ラット、マウス、ウサギ、ヒツジ、ブタ、ウシ、ネコ、イヌ、サルなど）に対して投与することができる。

- 15 該化合物またはその塩の投与量は、投与対象、対象臓器、症状、投与方法などにより差異はあるが、経口投与の場合、一般的に、例えば、動脈硬化症患者（60 kg として）においては、一日につき約0.1～100 mg、好ましくは約1.0～50 mg、より好ましくは約1.0～20 mg である。非経口的に投与する場合は、その1回投与量は投与対象、対象臓器、症状、投与方法などによっても異なるが、例えば、注射剤の形では通常例えば、動脈硬化症患者（60 kg として）においては、一日につき約0.01～30 mg 程度、好ましくは約0.1
20 ～20 mg 程度、より好ましくは約0.1～10 mg 程度を静脈注射により投与するのが好都合である。他の動物の場合も、60 kg 当たりに換算した量を投与することができる。

- 25 （5）本発明のレセプター蛋白質またはその部分ペプチドの発現量を変化させる化合物を含有する各種疾病の予防および/または治療剤

本発明のレセプター蛋白質は上記のとおり、例えば、中枢機能、循環機能、消化機能など生体内で何らかの重要な役割を果たしていると考えられる。したがって、本発明のレセプター蛋白質またはその部分ペプチドの発現量を変化させる化

合物は、本発明のレセプター蛋白質の機能不全に関連する疾患の予防および/または治療剤として用いることができる。

該化合物を本発明のレセプター蛋白質の機能不全に関連する疾患の予防および/または治療剤として使用する場合は、常套手段に従って製剤化することができる。

例えば、該化合物は、必要に応じて糖衣を施した錠剤、カプセル剤、エリキシ
ル剤、マイクロカプセル剤などとして経口的に、あるいは水もしくはそれ以外の
薬学的に許容し得る液との無菌性溶液、または懸濁液剤などの注射剤の形で非経
口的に使用できる。例えば、該化合物を生理学的に認められる公知の担体、香味
10 剤、賦形剤、ベヒクル、防腐剤、安定剤、結合剤などとともに一般に認められた
製剤実施に要求される単位用量形態で混和することによって製造することができ
る。これら製剤における有効成分量は指示された範囲の適当な用量が得られるよ
うにするものである。

錠剤、カプセル剤などに混和することができる添加剤としては、例えば、ゼラ
15 チン、コーンスターチ、トラガント、アラビアゴムのような結合剤、結晶性セル
ロースのような賦形剤、コーンスターチ、ゼラチン、アルギン酸などのような膨
化剤、ステアリン酸マグネシウムのような潤滑剤、ショ糖、乳糖またはサッカリ
ンのような甘味剤、ペパーミント、アカモノ油またはチェリーのような香味剤な
どが用いられる。調剤単位形態がカプセルである場合には、上記タイプの材料に
20 さらに油脂のような液状担体を含有することができる。注射のための無菌組成物
は注射用水のようなベヒクル中の活性物質、胡麻油、椰子油などのような天然産
出植物油などを溶解または懸濁させるなどの通常の製剤実施に従って処方するこ
とができる。注射用の水性液としては、例えば、生理食塩水、ブドウ糖やその他
の補助薬を含む等張液（例えば、D-ソルビトール、D-マンニトール、塩化ナ
25 トリウムなど）などが用いられ、適当な溶解補助剤、例えば、アルコール（例、
エタノール）、ポリアルコール（例、プロピレングリコール、ポリエチレングリ
コール）、非イオン性界面活性剤（例、ポリソルベート 80TM、HCO-50）
などと併用してもよい。油性液としては、例えば、ゴマ油、大豆油などが用いら
れ、溶解補助剤である安息香酸ベンジル、ベンジルアルコールなどと併用しても

よい。

- また、上記予防・治療剤は、例えば、緩衝剤（例えば、リン酸塩緩衝液、酢酸ナトリウム緩衝液）、無痛化剤（例えば、塩化ベンザルコニウム、塩酸プロカインなど）、安定剤（例えば、ヒト血清アルブミン、ポリエチレングリコールなど）、保存剤（例えば、ベンジルアルコール、フェノールなど）、酸化防止剤など
5 と配合してもよい。調製された注射液は通常、適当なアンプルに充填される。

このようにして得られる製剤は安全で低毒性であるので、例えば、ヒトや哺乳動物（例えば、ラット、マウス、ウサギ、ヒツジ、ブタ、ウシ、ネコ、イヌ、サルなど）に対して投与することができる。

- 10 該化合物またはその塩の投与量は、投与対象、対象臓器、症状、投与方法などにより差異はあるが、経口投与の場合、一般的に例えば、動脈硬化症患者（60 kgとして）においては、一日につき約0.1～100 mg、好ましくは約1.0～50 mg、より好ましくは約1.0～20 mgである。非経口的に投与する場合は、その1回投与量は投与対象、対象臓器、症状、投与方法などによっても
15 異なるが、例えば、注射剤の形では通常例えば、動脈硬化症患者（60 kgとして）においては、一日につき約0.01～30 mg程度、好ましくは約0.1～20 mg程度、より好ましくは約0.1～10 mg程度を静脈注射により投与するのが好都合である。他の動物の場合も、60 kgあたりに換算した量を投与することができる。

- 20 （6）本発明のG蛋白質共役型レセプター蛋白質に対するリガンドの定量法

本発明のレセプター蛋白質等は、リガンドに対して結合性を有しているので、生体内におけるリガンド濃度を感度良く定量することができる。

- 本発明の定量法は、例えば、競合法と組み合わせることによって用いることができる。すなわち、被検体を本発明のレセプター蛋白質等と接触させることによ
25 って被検体中のリガンド濃度を測定することができる。具体的には、例えば、以下の①または②などに記載の方法あるいはそれに準じる方法に従って用いることができる。

①入江寛編「ラジオイムノアッセイ」（講談社、昭和49年発行）

②入江寛編「続ラジオイムノアッセイ」（講談社、昭和54年発行）

(7) 本発明のG蛋白質共役型レセプター蛋白質とリガンドとの結合性を変化させる化合物（アゴニスト、アンタゴニストなど）のスクリーニング方法

本発明のレセプター蛋白質等を用いるか、または組換え型レセプター蛋白質等の発現系を構築し、該発現系を用いたレセプター結合アッセイ系を用いることによ
5 によって、リガンドと本発明のレセプター蛋白質等との結合性を変化させる化合物（例えば、ペプチド、蛋白質、非ペプチド性化合物、合成化合物、発酵生産物など）またはその塩を効率よくスクリーニングすることができる。

このような化合物には、（イ）G蛋白質共役型レセプターを介して細胞刺激活性（例えば、アラキドン酸遊離、アセチルコリン遊離、細胞内 Ca^{2+} 遊離、細胞
10 内cAMP生成、細胞内cGMP生成、イノシトールリン酸産生、細胞膜電位変動、細胞内蛋白質のリン酸化、c-fosの活性化、pHの低下などを促進する活性または抑制する活性など）を有する化合物（いわゆる、本発明のレセプター蛋白質に対するアゴニスト）、（ロ）該細胞刺激活性を有しない化合物（いわゆる、本発明のレセプター蛋白質に対するアンタゴニスト）、（ハ）リガンドと本
15 発明のG蛋白質共役型レセプター蛋白質との結合力を増強する化合物、あるいは（ニ）リガンドと本発明のG蛋白質共役型レセプター蛋白質との結合力を減少させる化合物などが含まれる（なお、上記（イ）の化合物は、上記したリガンド決定方法によってスクリーニングすることが好ましい）。

すなわち、本発明は、（i）本発明のレセプター蛋白質もしくはその部分ペプ
20 チドまたはその塩と、リガンドとを接触させた場合と（ii）本発明のレセプター蛋白質もしくはその部分ペプチドまたはその塩と、リガンドおよび試験化合物とを接触させた場合との比較を行なうことを特徴とするリガンドと本発明のレセプター蛋白質もしくはその部分ペプチドまたはその塩との結合性を変化させる化合物またはその塩のスクリーニング方法を提供する。

25 本発明のスクリーニング方法においては、（i）と（ii）の場合における、例えば、該レセプター蛋白質等に対するリガンドの結合量、細胞刺激活性などを測定して、比較することを特徴とする。

より具体的には、本発明は、

①標識したリガンドを、本発明のレセプター蛋白質等に接触させた場合と、標

識したリガンドおよび試験化合物を本発明のレセプター蛋白質等に接触させた場合における、標識したリガンドの該レセプター蛋白質等に対する結合量を測定し、比較することを特徴とするリガンドと本発明のレセプター蛋白質等との結合性を変化させる化合物またはその塩のスクリーニング方法、

- 5 ②標識したリガンドを、本発明のレセプター蛋白質等を含有する細胞または該細胞の膜画分に接触させた場合と、標識したリガンドおよび試験化合物を本発明のレセプター蛋白質等を含有する細胞または該細胞の膜画分に接触させた場合における、標識したリガンドの該細胞または該膜画分に対する結合量を測定し、比較することを特徴とするリガンドと本発明のレセプター蛋白質等との結合性を変化させる化合物またはその塩のスクリーニング方法、
- 10 ③標識したリガンドを、本発明のDNAを含有する形質転換体を培養することによって細胞膜上に発現したレセプター蛋白質等に接触させた場合と、標識したリガンドおよび試験化合物を本発明のDNAを含有する形質転換体を培養することによって細胞膜上に発現した本発明のレセプター蛋白質等に接触させた場合における、標識したリガンドの該レセプター蛋白質等に対する結合量を測定し、比較することを特徴とするリガンドと本発明のレセプター蛋白質等との結合性を変化させる化合物またはその塩のスクリーニング方法、

- 15 ④本発明のレセプター蛋白質等を活性化する化合物（例えば、本発明のレセプター蛋白質等に対するリガンドなど）を本発明のレセプター蛋白質等を含有する細胞に接触させた場合と、本発明のレセプター蛋白質等を活性化する化合物および試験化合物を本発明のレセプター蛋白質等を含有する細胞に接触させた場合における、レセプターを介した細胞刺激活性（例えば、アラキドン酸遊離、アセチルコリン遊離、細胞内 Ca^{2+} 遊離、細胞内cAMP生成、細胞内cGMP生成、イノシトールリン酸産生、細胞膜電位変動、細胞内蛋白質のリン酸化、c-fosの活性化、pHの低下などを促進する活性または抑制する活性など）を測定し、比較することを特徴とするリガンドと本発明のレセプター蛋白質等との結合性を変化させる化合物またはその塩のスクリーニング方法、および

- 20 ⑤本発明のレセプター蛋白質等を活性化する化合物（例えば、本発明のレセプター蛋白質等に対するリガンドなど）を本発明のDNAを含有する形質転換体を

培養することによって細胞膜上に発現した本発明のレセプター蛋白質等に接触させた場合と、本発明のレセプター蛋白質等を活性化する化合物および試験化合物を本発明のDNAを含有する形質転換体を培養することによって細胞膜上に発現した本発明のレセプター蛋白質等に接触させた場合における、レセプターを介する細胞刺激活性（例えば、アラキドン酸遊離、アセチルコリン遊離、細胞内Ca²⁺遊離、細胞内cAMP生成、細胞内cGMP生成、イノシトールリン酸産生、細胞膜電位変動、細胞内蛋白質のリン酸化、c-fosの活性化、pHの低下などを促進する活性または抑制する活性など）を測定し、比較することを特徴とするリガンドと本発明のレセプター蛋白質等との結合性を変化させる化合物またはその塩のスクリーニング方法を提供する。

本発明のレセプター蛋白質等が得られる以前は、G蛋白質共役型レセプターアゴニストまたはアンタゴニストをスクリーニングする場合、まずラットなどのG蛋白質共役型レセプター蛋白質を含む細胞、組織またはその細胞膜画分を用いて候補化合物を得て（一次スクリーニング）、その後に該候補化合物が実際にヒトのG蛋白質共役型レセプター蛋白質とリガンドとの結合を阻害するか否かを確認する試験（二次スクリーニング）が必要であった。細胞、組織または細胞膜画分をそのまま用いれば他のレセプター蛋白質も混在するために、目的とするレセプター蛋白質に対するアゴニストまたはアンタゴニストを実際にスクリーニングすることは困難であった。

しかしながら、例えば、本発明のヒト由来レセプター蛋白質を用いることによって、一次スクリーニングの必要がなくなり、リガンドとG蛋白質共役型レセプター蛋白質との結合を阻害する化合物を効率良くスクリーニングすることができる。さらに、スクリーニングされた化合物がアゴニストかアンタゴニストかを簡便に評価することができる。

本発明のスクリーニング方法の具体的な説明を以下にする。

まず、本発明のスクリーニング方法に用いる本発明のレセプター蛋白質等としては、上記した本発明のレセプター蛋白質等を含有するものであれば何れのものであってもよいが、本発明のレセプター蛋白質等を含有する哺乳動物の臓器の細胞膜画分が好適である。しかし、特にヒト由来の臓器は入手が極めて困難なこと

から、スクリーニングに用いられるものとしては、組換え体を用いて大量発現させたヒト由来のレセプター蛋白質等などが適している。

本発明のレセプター蛋白質等を製造するには、上記の方法が用いられるが、本発明のDNAを哺乳細胞や昆虫細胞で発現することにより行なうことが好ましい。
5 目的とする蛋白質部分をコードするDNA断片には相補DNAが用いられるが、必ずしもこれに制約されるものではない。例えば、遺伝子断片や合成DNAを用いてもよい。本発明のレセプター蛋白質をコードするDNA断片を宿主動物細胞に導入し、それらを効率よく発現させるためには、該DNA断片を昆虫を宿主とするバキュロウイルスに属する核多角体病ウイルス (nuclear polyhedrosis virus ; NPV) のポリハトリンプロモーター、SV40由来のプロモーター、レ
10 トロウイルスのプロモーター、メタロチオネインプロモーター、ヒトヒートショックプロモーター、サイトメガロウイルスプロモーター、SR α プロモーターなどの下流に組み込むのが好ましい。発現したレセプターの量と質の検査はそれ自体公知の方法で行うことができる。例えば、文献〔Nambi, P. ら、ザ・ジャーナル・オブ・バイオロジカル・ケミストリー (J. Biol. Chem.) , 267巻, 19555~19
15 559頁, 1992年〕に記載の方法に従って行なうことができる。

したがって、本発明のスクリーニング方法において、本発明のレセプター蛋白質等を含有するものとしては、それ自体公知の方法に従って精製したレセプター蛋白質等であってもよいし、該レセプター蛋白質等を含有する細胞を用いてもよく、また該レセプター蛋白質等を含有する細胞の膜画分を用いてもよい。
20

本発明のスクリーニング方法において、本発明のレセプター蛋白質等を含有する細胞を用いる場合、該細胞をグルタルアルデヒド、ホルマリンなどで固定化してもよい。固定化方法はそれ自体公知の方法に従って行なうことができる。

本発明のレセプター蛋白質等を含有する細胞としては、該レセプター蛋白質等を発現した宿主細胞をいうが、該宿主細胞としては、大腸菌、枯草菌、酵母、昆虫細胞、動物細胞などが好ましい。
25

細胞膜画分としては、細胞を破碎した後、それ自体公知の方法で得られる細胞膜が多く含まれる画分のことをいう。細胞の破碎方法としては、Potter-Elvehjem型ホモジナイザーで細胞を押し潰す方法、ワーリングブレンダーやポリトロン

(Kinematica社製)のよる破碎、超音波による破碎、フレンチプレスなどで加圧しながら細胞を細いノズルから噴出させることによる破碎などが挙げられる。細胞膜の分画には、分画遠心分離法や密度勾配遠心分離法などの遠心力による分画法が主として用いられる。例えば、細胞破碎液を低速 (5 0 0 r p m ~ 3 0 0 0

5 r p m) で短時間 (通常、約 1 分 ~ 1 0 分) 遠心し、上清をさらに高速 (1 5 0 0 0 r p m ~ 3 0 0 0 0 r p m) で通常 3 0 分 ~ 2 時間遠心し、得られる沈澱を膜画分とする。該膜画分中には、発現したレセプター蛋白質等と細胞由来のリン脂質や膜蛋白質などの膜成分が多く含まれる。

該レセプター蛋白質等を含有する細胞や膜画分中のレセプター蛋白質の量は、

10 1 細胞当たり $10^3 \sim 10^8$ 分子であるのが好ましく、 $10^5 \sim 10^7$ 分子であるのが好適である。なお、発現量が多いほど膜画分当たりのリガンド結合活性 (比活性) が高くなり、高感度なスクリーニング系の構築が可能になるばかりでなく、同一ロットで大量の試料を測定できるようになる。

リガンドと本発明のレセプター蛋白質等との結合性を変化させる化合物をスクリーニングする上記の①~③を実施するためには、例えば、適当なレセプター蛋白質画分と、標識したリガンドが必要である。

15

レセプター蛋白質画分としては、天然型のレセプター蛋白質画分か、またはそれと同等の活性を有する組換え型レセプター蛋白質画分などが望ましい。ここで、同等の活性とは、同等のリガンド結合活性、シグナル情報伝達作用などを示す。

20

標識したリガンドとしては、標識したリガンド、標識したリガンドアナログ化合物などが用いられる。例えば $[^3\text{H}]$ 、 $[^{125}\text{I}]$ 、 $[^{14}\text{C}]$ 、 $[^{35}\text{S}]$ など で標識されたりガンドなどが用いられる。

具体的には、リガンドと本発明のレセプター蛋白質等との結合性を変化させる

25 化合物のスクリーニングを行なうには、まず本発明のレセプター蛋白質等を含有する細胞または細胞の膜画分を、スクリーニングに適したバッファーに懸濁することによりレセプター蛋白質標品を調製する。バッファーには、pH 4 ~ 10 (望ましくは pH 6 ~ 8) のリン酸バッファー、トリス-塩酸バッファーなどのリガンドとレセプター蛋白質との結合を阻害しないバッファーであればいずれでも

よい。また、非特異的結合を低減させる目的で、CHAPS、Tween-80TM（花王-アトラス社）、ジギトニン、デオキシコレートなどの界面活性剤をバッファーに加えることもできる。さらに、プロテアーゼによるレセプターやリガンドの分解を抑える目的でPMSE、ロイペプチン、E-64（ペプチド研究所製）、ペプスタチンなどのプロテアーゼ阻害剤を添加することもできる。0.01 ml ~ 1.0 ml の該レセプター溶液に、一定量（5000 cpm ~ 500000 cpm）の標識したリガンドを添加し、同時に 10^{-10} M ~ 10^{-14} Mの試験化合物を共存させる。非特異的結合量（NSB）を知るために大過剰の未標識のリガンドを加えた反応チューブも用意する。反応は約0℃から50℃、望ましくは約4℃から37℃で、約20分から24時間、望ましくは約30分から3時間行う。反応後、ガラス繊維濾紙等で濾過し、適量の同バッファーで洗浄した後、ガラス繊維濾紙に残存する放射活性を液体シンチレーションカウンターまたはγ-カウンターで計測する。拮抗する物質がない場合のカウント（ B_0 ）から非特異的結合量（NSB）を引いたカウント（ $B_0 - NSB$ ）を100%とした時、特異的結合量（ $B - NSB$ ）が、例えば、50%以下になる試験化合物を拮抗阻害能力のある候補物質として選択することができる。

リガンドと本発明のレセプター蛋白質等との結合性を変化させる化合物スクリーニングする上記の④~⑤の方法を実施するためには、例えば、レセプター蛋白質を介する細胞刺激活性（例えば、アラキドン酸遊離、アセチルコリン遊離、細胞内 Ca^{2+} 遊離、細胞内cAMP生成、細胞内cGMP生成、イノシトールリン酸産生、細胞膜電位変動、細胞内蛋白質のリン酸化、c-fosの活性化、pHの低下などを促進する活性または抑制する活性など）を公知の方法または市販の測定用キットを用いて測定することができる。

具体的には、まず、本発明のレセプター蛋白質等を含有する細胞をマルチウェルプレート等に培養する。スクリーニングを行なうにあたっては前もって新鮮な培地あるいは細胞に毒性を示さない適当なバッファーに交換し、試験化合物などを添加して一定時間インキュベートした後、細胞を抽出あるいは上清液を回収して、生成した産物をそれぞれの方法に従って定量する。細胞刺激活性の指標とする物質（例えば、アラキドン酸など）の生成か、細胞が含有する分解酵素によっ

て検定困難な場合は、該分解酵素に対する阻害剤を添加してアッセイを行なってもよい。また、cAMP産生抑制などの活性については、フォルスコリンなどで細胞の基礎的産生量を増大させておいた細胞に対する産生抑制作用として検出することができる。

- 5 細胞刺激活性を測定してスクリーニングを行なうには、適当なレセプター蛋白質を発現した細胞が必要である。本発明のレセプター蛋白質等を発現した細胞としては、天然型の本発明のレセプター蛋白質等を有する細胞株、上記の組換え型レセプター蛋白質等を発現した細胞株などが望ましい。

- 試験化合物としては、例えば、ペプチド、蛋白、非ペプチド性化合物、合成化合物、発酵生産物、細胞抽出液、植物抽出液、動物組織抽出液などが用いられ、
10 これら化合物は新規な化合物であってもよいし、公知の化合物であってもよい。

- リガンドと本発明のレセプター蛋白質等との結合性を変化させる化合物またはその塩のスクリーニング用キットは、本発明のレセプター蛋白質等、本発明のレセプター蛋白質等を含有する細胞、または本発明のレセプター蛋白質等を含有する細胞の膜画分を含有するものなどである。
15

本発明のスクリーニング用キットの例としては、次のものが挙げられる。

1. スクリーニング用試薬

①測定用緩衝液および洗浄用緩衝液

- Hanks' Balanced Salt Solution (ギブコ社製) に、0.05%のウシ血清アルブミン (シグマ社製) を加えたもの。
20

孔径0.45 μm のフィルターで濾過滅菌し、4℃で保存するか、あるいは用時調製しても良い。

②G蛋白質共役型レセプター標品

- 本発明のレセプター蛋白質を発現させたCHO細胞を、12穴プレートに5×10⁵個/穴で継代し、37℃、5%CO₂、95%airで2日間培養したもの。
25

③標識リガンド

市販の [³H]、[¹²⁵I]、[¹⁴C]、[³⁵S]などで標識したリガンド

水溶液の状態のものを4℃あるいは-20℃にて保存し、用時に測定用緩衝液

にて1 μ Mに希釈する。

④リガンド標準液

リガンドを0.1%ウシ血清アルブミン（シグマ社製）を含むPBSで1mMとなるように溶解し、-20℃で保存する。

5 2. 測定法

①12穴組織培養用プレートにて培養した本発明のレセプター蛋白質発現CHO細胞を、測定用緩衝液1mlで2回洗浄した後、490 μ lの測定用緩衝液を各穴に加える。

② 10^{-3} ~ 10^{-10} Mの試験化合物溶液を5 μ l加えた後、標識リガンドを5 μ l加え、室温にて1時間反応させる。非特異的結合量を知るためには試験化合物の代わりに 10^{-3} Mのリガンドを5 μ l加えておく。

③反応液を除去し、1mlの洗浄用緩衝液で3回洗浄する。細胞に結合した標識リガンドを0.2N NaOH-1%SDSで溶解し、4mlの液体シンチレーターA（和光純薬製）と混合する。

15 ④液体シンチレーションカウンター（ベックマン社製）を用いて放射活性を測定し、Percent Maximum Binding (PMB) を次の式で求める。

$$PMB = \left[\frac{(B - NSB)}{(B_0 - NSB)} \right] \times 100$$

PMB: Percent Maximum Binding

B: 検体を加えた時の値

20 NSB: Non-specific Binding (非特異的結合量)

B_0 : 最大結合量

本発明のスクリーニング方法またはスクリーニング用キットを用いて得られる化合物またはその塩は、リガンドと本発明のレセプター蛋白質等との結合性を変化させる作用を有する化合物であり、具体的には、(イ) G蛋白質共役型レセプターを介して細胞刺激活性（例えば、アラキドン酸遊離、アセチルコリン遊離、
25 細胞内 Ca^{2+} 遊離、細胞内cAMP生成、細胞内cGMP生成、イノシトールリン酸産生、細胞膜電位変動、細胞内蛋白質のリン酸化、c-fosの活性化、pHの低下などを促進する活性または抑制する活性など）を有する化合物（いわゆる、本発明のレセプター蛋白質に対するアゴニスト）、(ロ) 該細胞刺激活性を

有しない化合物（いわゆる、本発明のレセプター蛋白質に対するアンタゴニスト）、（ハ）リガンドと本発明のG蛋白質共役型レセプター蛋白質との結合力を増強する化合物、あるいは（ニ）リガンドと本発明のG蛋白質共役型レセプター蛋白質との結合力を減少させる化合物である。

- 5 該化合物としては、ペプチド、蛋白、非ペプチド性化合物、合成化合物、発酵生産物などが挙げられ、これら化合物は新規な化合物であってもよいし、公知の化合物であってもよい。

本発明のレセプター蛋白質等に対するアゴニストは、本発明のレセプター蛋白質等に対するリガンドが有する生理活性と同様の作用を有しているので、該リガ
10 ンド活性に応じて安全で低毒性な医薬として有用である。

本発明のレセプター蛋白質等に対するアンタゴニストは、本発明のレセプター蛋白質等に対するリガンドが有する生理活性を抑制することができるので、該リ
15 ガンド活性を抑制する安全で低毒性な医薬として有用である。

リガンドと本発明のG蛋白質共役型レセプター蛋白質との結合力を増強する化
15 合物は、本発明のレセプター蛋白質等に対するリガンドが有する生理活性を増強するための安全で低毒性な医薬として有用である。

リガンドと本発明のG蛋白質共役型レセプター蛋白質との結合力を減少させる化合物は、本発明のレセプター蛋白質等に対するリガンドが有する生理活性を減
20 少させるための安全で低毒性な医薬として有用である。

20 本発明のスクリーニング方法またはスクリーニング用キットを用いて得られる化合物またはその塩を上記の医薬組成物として使用する場合、常套手段に従って実施することができる。例えば、上記した本発明のレセプター蛋白質を含有する医薬と同様にして、錠剤、カプセル剤、エリキシル剤、マイクロカプセル剤、無菌性溶液、懸濁液剤などとすることができる。

25 このようにして得られる製剤は安全で低毒性であるので、例えば、ヒトや哺乳動物（例えば、ラット、マウス、ウサギ、ヒツジ、ブタ、ウシ、ネコ、イヌ、サルなど）に対して投与することができる。

該化合物またはその塩の投与量は、投与対象、対象臓器、症状、投与方法などにより差異はあるが、経口投与の場合、一般的に例えば、動脈硬化症患者（60

k gとして)においては、一日につき約0.1～100mg、好ましくは約1.0～50mg、より好ましくは約1.0～20mgである。非経口的に投与する場合は、その1回投与量は投与対象、対象臓器、症状、投与方法などによっても異なるが、例えば、注射剤の形では通常例えば、動脈硬化症患者(60kgとして)においては、一日につき約0.01～30mg程度、好ましくは約0.1～20mg程度、より好ましくは約0.1～10mg程度を静脈注射により投与するのが好都合である。他の動物の場合も、60kgあたりに換算した量を投与することができる。

(8) 本発明のG蛋白質共役型レセプター蛋白質とリガンドとの結合性を変化させる化合物(アゴニスト、アンタゴニスト)を含有する各種疾病の予防およびまたは治療剤

本発明のレセプター蛋白質は上記のとおり、例えば中枢機能、循環機能、消化機能など生体内で何らかの重要な役割を果たしていると考えられる。従って、本発明のレセプター蛋白質とリガンドとの結合性を変化させる化合物(アゴニスト、アンタゴニスト)や本発明のレセプター蛋白質に対するリガンドは、本発明のレセプター蛋白質の機能不全に関連する疾患の予防およびまたは治療剤として用いることができる。

該化合物やリガンドを本発明のレセプター蛋白質の機能不全に関連する疾患の予防およびまたは治療剤として使用する場合は、常套手段に従って製剤化することができる。

例えば、該化合物やリガンドは、必要に応じて糖衣を施した錠剤、カプセル剤、エリキシル剤、マイクロカプセル剤などとして経口的に、あるいは水もしくはそれ以外の薬学的に許容し得る液との無菌性溶液、または懸濁液剤などの注射剤の形で非経口的に使用できる。例えば、該化合物を生理学的に認められる公知の担体、香味剤、賦形剤、ペヒクル、防腐剤、安定剤、結合剤などとともに一般に認められた製剤実施に要求される単位用量形態で混和することによって製造することができる。これら製剤における有効成分量は指示された範囲の適当な用量が得られるようにするものである。

錠剤、カプセル剤などに混和することができる添加剤としては、例えば、ゼラ

チン、コーンスターチ、トラガント、アラビアゴムのような結合剤、結晶性セル
ロースのような賦形剤、コーンスターチ、ゼラチン、アルギン酸などのような膨
化剤、ステアリン酸マグネシウムのような潤滑剤、ショ糖、乳糖またはサッカリ
ンのような甘味剤、ペパーミント、アカモノ油またはチェリーのような香味剤な
5 どが用いられる。調剤単位形態がカプセルである場合には、上記タイプの材料に
さらに油脂のような液状担体を含有することができる。注射のための無菌組成物
は注射用水のようなベヒクル中の活性物質、胡麻油、椰子油などのような天然産
出植物油などを溶解または懸濁させるなどの通常の製剤実施に従って処方するこ
とができる。注射用の水性液としては、例えば、生理食塩水、ブドウ糖やその他
10 の補助薬を含む等張液（例えば、D-ソルビトール、D-マンニトール、塩化ナ
トリウムなど）などが用いられ、適当な溶解補助剤、例えば、アルコール（例、
エタノール）、ポリアルコール（例、プロピレングリコール、ポリエチレングリ
コール）、非イオン性界面活性剤（例、ポリソルベート 80TM、HCO-50）
などと併用してもよい。油性液としては、例えば、ゴマ油、大豆油などが用いら
15 れ、溶解補助剤である安息香酸ベンジル、ベンジルアルコールなどと併用しても
よい。

また、上記予防・治療剤は、例えば、緩衝剤（例えば、リン酸塩緩衝液、酢酸
ナトリウム緩衝液）、無痛化剤（例えば、塩化ベンザルコニウム、塩酸プロカイ
ンなど）、安定剤（例えば、ヒト血清アルブミン、ポリエチレングリコールなど
20 ）、保存剤（例えば、ベンジルアルコール、フェノールなど）、酸化防止剤など
と配合してもよい。調製された注射液は通常、適当なアンプルに充填される。

さらに、上記予防・治療剤は適当な薬剤と組み合わせて例えば本発明のレセプ
ター蛋白質が高発現している臓器や組織を特異的なターゲットとしたDDS製剤
として使用することもできる。

25 このようにして得られる製剤は安全で低毒性であるので、例えば、ヒトや哺乳
動物（例えば、ラット、マウス、ウサギ、ヒツジ、ブタ、ウシ、ネコ、イヌ、サ
ルなど）に対して投与することができる。

該化合物またはその塩の投与量は、投与対象、対象臓器、症状、投与方法など
により差異はあるが、経口投与の場合、一般的に例えば、動脈硬化症患者（60

k gとして)においては、一日につき約0.1～100mg、好ましくは約1.0～50mg、より好ましくは約1.0～20mgである。非経口的に投与する場合は、その1回投与量は投与対象、対象臓器、症状、投与方法などによっても異なるが、例えば、注射剤の形では通常例えば、動脈硬化症患者(60kgとして)においては、一日につき約0.01～30mg程度、好ましくは約0.1～20mg程度、より好ましくは約0.1～10mg程度を静脈注射により投与するのが好都合である。他の動物の場合も、60kg当りに換算した量を投与することができる。

(9) 本発明のレセプター蛋白質もしくはその部分ペプチドまたはその塩の定
10 量

本発明の抗体は、本発明のレセプター蛋白質等を特異的に認識することができるので、被検液中の本発明のレセプター蛋白質等の定量、特にサンドイッチ免疫測定法による定量などに使用することができる。すなわち、本発明は、例えば、

(i) 本発明の抗体と、被検液および標識化レセプター蛋白質等とを競合的に
15 反応させ、該抗体に結合した標識化レセプター蛋白質等の割合を測定することを特徴とする被検液中の本発明のレセプター蛋白質等の定量法、

(ii) 被検液と担体上に不溶化した本発明の抗体および標識化された本発明の抗体とを同時あるいは連続的に反応させたのち、不溶化担体上の標識剤の活性を測定することを特徴とする被検液中の本発明のレセプター蛋白質等の定量法を提
20 供する。

上記(ii)においては、一方の抗体が本発明のレセプター蛋白質等のN端部を認識する抗体で、他方の抗体が本発明のレセプター蛋白質等のC端部に反応する抗体であることが好ましい。

本発明のレセプター蛋白質等に対するモノクローナル抗体(以下、本発明のモノクローナル抗体と称する場合がある)を用いて本発明のレセプター蛋白質等の測定を行なえるほか、組織染色等による検出を行なうこともできる。これらの目的には、抗体分子そのものを用いてもよく、また、抗体分子のF(ab')₂、Fab'、あるいはFab画分を用いてもよい。本発明のレセプター蛋白質等に対する抗体を用いる測定法は、特に制限されるべきものではなく、被測定液中の抗

25

原量（例えば、レセプター蛋白質量）に対応した抗体、抗原もしくは抗体-抗原複合体の量を化学的または物理的手段により検出し、これを既知量の抗原を含む標準液を用いて作製した標準曲線より算出する測定法であれば、いずれの測定法を用いてもよい。例えば、ネフロメトリー、競合法、イムノメトリック法および
5 サンドイッチ法が好適に用いられるが、感度、特異性の点で、後に記載するサンドイッチ法を用いるのが特に好ましい。

標識物質を用いる測定法に用いられる標識剤としては、例えば、放射性同位元素、酵素、蛍光物質、発光物質などが用いられる。放射性同位元素としては、例えば、 $[^{125}\text{I}]$ 、 $[^{131}\text{I}]$ 、 $[^3\text{H}]$ 、 $[^{14}\text{C}]$ などが用いられる。上記酵素とし
10 ては、安定で比活性の大きなものが好ましく、例えば、 β -ガラクトシダーゼ、 β -グルコシダーゼ、アルカリフォスファターゼ、パーオキシダーゼ、リンゴ酸脱水素酵素などが用いられる。蛍光物質としては、例えば、フルオレスカミン、フルオレッセンイソチオシアネートなどが用いられる。発光物質としては、例え
15 ば、ルミノール、ルミノール誘導体、ルシフェリン、ルシゲニンなどが用いられる。さらに、抗体あるいは抗原と標識剤との結合にビオチン-アビジン系を用いることもできる。

抗原あるいは抗体の不溶化に当っては、物理吸着を用いてもよく、また通常、蛋白質あるいは酵素等を不溶化、固定化するのに用いられる化学結合を用いる方法でもよい。担体としては、例えば、アガロース、デキストラン、セルロースな
20 どの不溶性多糖類、ポリスチレン、ポリアクリルアミド、シリコン等の合成樹脂、あるいはガラス等が用いられる。

サンドイッチ法においては不溶化した本発明のモノクローナル抗体に被検液を反応させ（1次反応）、さらに標識化した本発明のモノクローナル抗体を反応させ（2次反応）た後、不溶化担体上の標識剤の活性を測定することにより被検液中の本発明のレセプター蛋白質量を定量することができる。1次反応と2次反応
25 は逆の順序に行なっても、また、同時に行なってもよいし時間をずらして行なってもよい。標識化剤および不溶化の方法は上記のそれらに準じることができる。

また、サンドイッチ法による免疫測定法において、固相用抗体あるいは標識用抗体に用いられる抗体は必ずしも1種類である必要はなく、測定感度を向上させ

る等の目的で2種類以上の抗体の混合物を用いてもよい。

本発明のサンドイッチ法によるレセプター蛋白質等の測定法においては、1次反応と2次反応に用いられる本発明のモノクローナル抗体はレセプター蛋白質等の結合する部位が相異なる抗体が好ましく用いられる。すなわち、1次反応および2次反応に用いられる抗体は、例えば、2次反応で用いられる抗体が、レセプター蛋白質のC端部を認識する場合、1次反応で用いられる抗体は、好ましくはC端部以外、例えばN端部を認識する抗体が用いられる。

本発明のモノクローナル抗体をサンドイッチ法以外の測定システム、例えば、競合法、イムノメトリック法あるいはネフロメトリーなどに用いることができる。競合法では、被検液中の抗原と標識抗原とを抗体に対して競合的に反応させたのち、未反応の標識抗原と(F)と抗体と結合した標識抗原(B)とを分離し(B/F分離)、B、Fいずれかの標識量を測定し、被検液中の抗原量を定量する。本反応法には、抗体として可溶性抗体を用い、B/F分離をポリエチレングリコール、上記抗体に対する第2抗体などを用いる液相法、および、第1抗体として固相化抗体を用いるか、あるいは、第1抗体は可溶性のものを用い第2抗体として固相化抗体を用いる固相化法とが用いられる。

イムノメトリック法では、被検液中の抗原と固相化抗原とを一定量の標識化抗体に対して競合反応させた後固相と液相を分離するか、あるいは、被検液中の抗原と過剰量の標識化抗体とを反応させ、次に固相化抗原を加え未反応の標識化抗体を固相に結合させたのち、固相と液相を分離する。次に、いずれかの相の標識量を測定し被検液中の抗原量を定量する。

また、ネフロメトリーでは、ゲル内あるいは溶液中で抗原抗体反応の結果、生じた不溶性の沈降物の量を測定する。被検液中の抗原量が僅かであり、少量の沈降物しか得られない場合にもレーザーの散乱を利用するレーザーネフロメトリーなどが好適に用いられる。

これら個々の免疫学的測定法を本発明の測定方法に適用するにあたっては、特別の条件、操作等の設定は必要とされない。それぞれの方法における通常の条件、操作法に当業者の通常の技術的配慮を加えて本発明のレセプター蛋白質またはその塩の測定系を構築すればよい。これらの一般的な技術手段の詳細については

、総説、成書などを参照することができる〔例えば、入江 寛編「ラジオイムノアッセイ」(講談社、昭和49年発行)、入江 寛編「続ラジオイムノアッセイ」(講談社、昭和54年発行)、石川栄治ら編「酵素免疫測定法」(医学書院、昭和53年発行)、石川栄治ら編「酵素免疫測定法」(第2版)(医学書院、昭和57年発行)、石川栄治ら編「酵素免疫測定法」(第3版)(医学書院、昭和62年発行)、「メソッズ・イン・エンジモロジー(Methods in ENZYMOLOGY)」Vol. 70(Immunochemical Techniques(Part A))、同書 Vol. 73(Immunochemical Techniques(Part B))、同書 Vol. 74(Immunochemical Techniques(Part C))、同書 Vol. 84(Immunochemical Techniques(Part D:Selected Immunoassays))、同書 Vol. 92(Immunochemical Techniques(Part E:Monoclonal Antibodies and General Immunoassay Methods))、同書 Vol. 121(Immunochemical Techniques(Part I:Hybridoma Technology and Monoclonal Antibodies)) (以上、アカデミックプレス社発行)など参照〕。

以上のように、本発明の抗体を用いることによって、本発明のレセプター蛋白質またはその塩を感度良く定量することができる。

さらに、本発明の抗体を用いて、生体内での本発明のレセプター蛋白質またはその塩を定量することによって、本発明のレセプター蛋白質の機能不全に関連する各種疾患の診断をすることができる。

また、本発明の抗体は、体液や組織などの被検体中に存在する本発明のレセプター蛋白質等を特異的に検出するために使用することができる。また、本発明のレセプター蛋白質等を精製するために使用する抗体カラムの作製、精製時の各分画中の本発明のレセプター蛋白質等の検出、被検細胞内における本発明のレセプター蛋白質の挙動の分析などのために使用することができる。

(10) 細胞膜における本発明のレセプター蛋白質またはその部分ペプチドの量を変化させる化合物のスクリーニング方法

本発明の抗体は、本発明のレセプター蛋白質もしくはその部分ペプチドまたはその塩を特異的に認識することができるので、細胞膜における本発明のレセプター蛋白質またはその部分ペプチドの量を変化させる化合物のスクリーニングに用いることができる。

すなわち本発明は、例えば、

(i) 非ヒト哺乳動物の①血液、②特定の臓器、③臓器から単離した組織もしくは細胞等を破壊した後、細胞膜画分を単離し、細胞膜画分に含まれる本発明のレセプター蛋白質またはその部分ペプチドを定量することによる、細胞膜における本発明のレセプター蛋白質またはその部分ペプチドの量を変化させる化合物のスクリーニング方法、

(ii) 本発明のレセプター蛋白質もしくはその部分ペプチドを発現する形質転換体等を破壊した後、細胞膜画分を単離し、細胞膜画分に含まれる本発明のレセプター蛋白質またはその部分ペプチドを定量することによる、細胞膜における本発明のレセプター蛋白質またはその部分ペプチドの量を変化させる化合物のスクリーニング方法、

(iii) 非ヒト哺乳動物の①血液、②特定の臓器、③臓器から単離した組織もしくは細胞等を切片とした後、免疫染色法を用いることにより、細胞表層での該受容体蛋白質の染色度合いを定量化することにより、細胞膜上の該蛋白質を確認することによる、細胞膜における本発明のレセプター蛋白質またはその部分ペプチドの量を変化させる化合物のスクリーニング方法を提供する。

(iv) 本発明のレセプター蛋白質もしくはその部分ペプチドを発現する形質転換体等を切片とした後、免疫染色法を用いることにより、細胞表層での該受容体蛋白質の染色度合いを定量化することにより、細胞膜上の該蛋白質を確認することによる、細胞膜における本発明のレセプター蛋白質またはその部分ペプチドの量を変化させる化合物のスクリーニング方法を提供する。

細胞膜画分に含まれる本発明のレセプター蛋白質またはその部分ペプチドの定量は具体的には以下のようにして行なう。

(i) 正常あるいは疾患モデル非ヒト哺乳動物（例えば、マウス、ラット、ウサギ、ヒツジ、ブタ、ウシ、ネコ、イヌ、サルなど、より具体的には痴呆ラット、肥満マウス、動脈硬化ウサギ、担癌マウスなど）に対して、薬剤（例えば、抗痴呆薬、血圧低下薬、抗癌剤、抗肥満薬など）あるいは物理的ストレス（例えば、浸水ストレス、電気ショック、明暗、低温など）などを与え、一定時間経過した後、血液、あるいは特定の臓器（例えば、脳、肝臓、腎臓、脾臓、精巣など

- ）、または臓器から単離した組織、あるいは細胞を得る。得られた臓器、組織または細胞等を、例えば、適当な緩衝液（例えば、トリス塩酸緩衝液、リン酸緩衝液、ヘパース緩衝液など）等に懸濁し、臓器、組織あるいは細胞を破壊し、界面活性剤（例えば、トリトンX 100™、ツイーン20™など）などを用い、さらに
- 5 遠心分離や濾過、カラム分画などの手法を用いて細胞膜画分を得る。

- 細胞膜画分としては、細胞を破碎した後、それ自体公知の方法で得られる細胞膜が多く含まれる画分のことをいう。細胞の破碎方法としては、Potter-Elvehjem型ホモジナイザーで細胞を押し潰す方法、ワーリングブレンダーやポリトロン（Kinematica社製）のよる破碎、超音波による破碎、フレンチプレスなどで加圧
- 10 しなから細胞を細いノズルから噴出させることによる破碎などが挙げられる。細胞膜の分画には、分画遠心分離法や密度勾配遠心分離法などの遠心力による分画法が主として用いられる。例えば、細胞破碎液を低速（500rpm～3000rpm）で短時間（通常、約1分～10分）遠心し、上清をさらに高速（15000rpm～30000rpm）で通常30分～2時間遠心し、得られる沈澱を
- 15 膜画分とする。該膜画分中には、発現したレセプター蛋白質等と細胞由来のリン脂質や膜蛋白質などの膜成分が多く含まれる。

- 細胞膜画分に含まれる本発明のレセプター蛋白質またはその部分ペプチドは、例えば、本発明の抗体を用いたサンドイッチ免疫測定法、ウェスタンブロット解析などにより定量することができる。
- 20 かかるサンドイッチ免疫測定法は上記の方法と同様にして行なうことができ、ウェスタンブロットは自体公知の手段により行なうことができる。

- （ii）本発明のレセプター蛋白質もしくはその部分ペプチドを発現する形質転換体を上記の方法に従い作製し、細胞膜画分に含まれる本発明のレセプター蛋白質またはその部分ペプチドを定量することができる。
- 25 細胞膜における本発明のレセプター蛋白質またはその部分ペプチドの量を変化させる化合物のスクリーニングは、

（i）正常あるいは疾患モデル非ヒト哺乳動物に対して、薬剤あるいは物理的ストレスなどを与える一定時間前（30分前～24時間前、好ましくは30分前～12時間前、より好ましくは1時間前～6時間前）もしくは一定時間後（30

分後～3日後、好ましくは1時間後～2日後、より好ましくは1時間後～24時間後)、または薬剤あるいは物理的ストレスと同時に被検化合物を投与し、投与後一定時間経過後(30分後～3日後、好ましくは1時間後～2日後、より好ましくは1時間後～24時間後)、細胞膜における本発明のレセプター蛋白質またはその部分ペプチドの量を定量することにより行なうことができ、

- (ii) 形質転換体を常法に従い培養する際に被検化合物を培地中に混合させ、一定時間培養後(1日後～7日後、好ましくは1日後～3日後、より好ましくは2日後～3日後)、細胞膜における本発明のレセプター蛋白質またはその部分ペプチドの量を定量することにより行なうことができる。
- 10 細胞膜画分に含まれる本発明のレセプター蛋白質またはその部分ペプチドの確認は具体的には以下のようにして行なう。

- (iii) 正常あるいは疾患モデル非ヒト哺乳動物(例えば、マウス、ラット、ウサギ、ヒツジ、ブタ、ウシ、ネコ、イヌ、サルなど、より具体的には痴呆ラット、肥満マウス、動脈硬化ウサギ、担癌マウスなど)に対して、薬剤(例えば、抗痴呆薬、血圧低下薬、抗癌剤、抗肥満薬など)あるいは物理的ストレス(例えば、浸水ストレス、電気ショック、明暗、低温など)などを与え、一定時間経過した後に、血液、あるいは特定の臓器(例えば、脳、肝臓、腎臓、心臓、脾臓、脾臓、精巣など)、または臓器から単離した組織、あるいは細胞を得る。得られた臓器、組織または細胞等を、常法に従い組織切片とし、本発明の抗体を用いて
- 15 免疫染色を行う。細胞表層での該受容体蛋白質の染色度合いを定量化することにより、細胞膜上の該蛋白質を確認することにより、定量的または定性的に、細胞膜における本発明のレセプター蛋白質またはその部分ペプチドの量を確認することかできる。

- (iv) 本発明のレセプター蛋白質もしくはその部分ペプチドを発現する形質転換体等を用いて同様の手段をとることにより確認することもできる。
- 25

本発明のスクリーニング方法を用いて得られる化合物またはその塩は、細胞膜における本発明のレセプター蛋白質またはその部分ペプチドの量を変化させる作用を有する化合物であり、具体的には、(イ)細胞膜における本発明のレセプター蛋白質またはその部分ペプチドの量を増加させることにより、G蛋白質共役型

レセプターを介する細胞刺激活性（例えば、アラキドン酸遊離、アセチルコリン遊離、細胞内 Ca^{2+} 遊離、細胞内cAMP生成、細胞内cGMP生成、イノシトールリン酸産生、細胞膜電位変動、細胞内蛋白質のリン酸化、c-fosの活性化、pHの低下などを促進する活性または抑制する活性など）を増強させる化合物、（ロ）細胞膜における本発明のレセプター蛋白質またはその部分ペプチドの量を減少させることにより、該細胞刺激活性を減弱させる化合物である。

該化合物としては、ペプチド、蛋白、非ペプチド性化合物、合成化合物、発酵生産物などが挙げられ、これら化合物は新規な化合物であってもよいし、公知の化合物であってもよい。

10 該細胞刺激活性を増強させる化合物は、本発明のレセプター蛋白質等の生理活性を増強するための安全で低毒性な医薬として有用である。

該細胞刺激活性を減弱させる化合物は、本発明のレセプター蛋白質等の生理活性を減少させるための安全で低毒性な医薬として有用である。

本発明のスクリーニング方法を用いて得られる化合物またはその塩を医薬組成物として使用する場合、常套手段に従って実施することができる。例えば、上記した本発明のレセプター蛋白質を含有する医薬と同様にして、錠剤、カプセル剤、エリキシル剤、マイクロカプセル剤、無菌性溶液、懸濁液剤などとすることができる。

20 このようにして得られる製剤は安全で低毒性であるので、例えば、ヒトや哺乳動物（例えば、ラット、マウス、ウサギ、ヒツジ、ブタ、ウシ、ネコ、イヌ、サルなど）に対して投与することができる。

該化合物またはその塩の投与量は、投与対象、対象臓器、症状、投与方法などにより差異はあるが、経口投与の場合、一般的に例えば、動脈硬化症患者（60 kgとして）においては、一日につき約0.1～100 mg、好ましくは約1.0～50 mg、より好ましくは約1.0～20 mgである。非経口的に投与する場合は、その1回投与量は投与対象、対象臓器、症状、投与方法などによっても異なるが、例えば、注射剤の形では通常例えば、動脈硬化症患者（60 kgとして）においては、一日につき約0.01～30 mg程度、好ましくは約0.1～20 mg程度、より好ましくは約0.1～10 mg程度を静脈注射により投与す

るのが好都合である。他の動物の場合も、60kgあたりに換算した量を投与することができる。

(11) 細胞膜における本発明のレセプター蛋白質またはその部分ペプチドの量を変化させる化合物を含有する各種疾病の予防および/または治療剤

5 本発明のレセプター蛋白質は上記のとおり、例えば、中枢機能など生体内で何らかの重要な役割を果たしていると考えられる。したがって、細胞膜における本発明のレセプター蛋白質またはその部分ペプチドの量を変化させる化合物は、本発明のレセプター蛋白質の機能不全に関連する疾患の予防および/または治療剤として用いることができる。

10 該化合物を本発明のレセプター蛋白質の機能不全に関連する疾患の予防および/または治療剤として使用する場合は、常套手段に従って製剤化することができる。

例えば、該化合物は、必要に応じて糖衣を施した錠剤、カプセル剤、エリキシ
ル剤、マイクロカプセル剤などとして経口的に、あるいは水もしくはそれ以外の
15 薬学的に許容し得る液との無菌性溶液、または懸濁液剤などの注射剤の形で非経
口的に使用できる。例えば、該化合物を生理学的に認められる公知の担体、香味
剤、賦形剤、ベヒクル、防腐剤、安定剤、結合剤などとともに一般に認められた
製剤実施に要求される単位用量形態で混和することによって製造することができ
る。これら製剤における有効成分量は指示された範囲の適当な用量が得られるよ
20 うにするものである。

錠剤、カプセル剤などに混和することができる添加剤としては、例えば、ゼラ
チン、コーンスターチ、トラガント、アラビアゴムのような結合剤、結晶性セル
ロースのような賦形剤、コーンスターチ、セラチン、アルギン酸などのような膨
化剤、ステアリン酸マグネシウムのような潤滑剤、ショ糖、乳糖またはサッカリ
25 ンのような甘味剤、ペパーミント、アカモノ油またはチェリーのような香味剤な
どが用いられる。調剤単位形態がカプセルである場合には、上記タイプの材料に
さらに油脂のような液状担体を含有することができる。注射のための無菌組成物
は注射用水のようなベヒクル中の活性物質、胡麻油、椰子油などのような天然産
出植物油などを溶解または懸濁させるなどの通常の製剤実施に従って処方するこ

とができる。注射用の水性液としては、例えば、生理食塩水、ブドウ糖やその他の補助薬を含む等張液（例えば、D-ソルビトール、D-マンニトール、塩化ナトリウムなど）などが用いられ、適当な溶解補助剤、例えば、アルコール（例、エタノール）、ポリアルコール（例、プロピレングリコール、ポリエチレングリコール）、非イオン性界面活性剤（例、ポリソルベート 80TM、HCO-50）
5 などと併用してもよい。油性液としては、例えば、ゴマ油、大豆油などが用いられ、溶解補助剤である安息香酸ベンジル、ベンジルアルコールなどと併用してもよい。

また、上記予防・治療剤は、例えば、緩衝剤（例えば、リン酸塩緩衝液、酢酸
10 ナトリウム緩衝液）、無痛化剤（例えば、塩化ベンザルコニウム、塩酸プロカインなど）、安定剤（例えば、ヒト血清アルブミン、ポリエチレングリコールなど）、保存剤（例えば、ベンジルアルコール、フェノールなど）、酸化防止剤などと配合してもよい。調製された注射液は通常、適当なアンプルに充填される。

このようにして得られる製剤は安全で低毒性であるので、例えば、ヒトや哺乳
15 動物（例えば、ラット、マウス、ウサギ、ヒツジ、ブタ、ウシ、ネコ、イヌ、サルなど）に対して投与することができる。

該化合物またはその塩の投与量は、投与対象、対象臓器、症状、投与方法などにより差異はあるが、経口投与の場合、一般的に例えば、動脈硬化症患者（60
k g として）においては、一日につき約 0.1 ~ 100 mg、好ましくは約 1.
20 0 ~ 50 mg、より好ましくは約 1.0 ~ 20 mg である。非経口的に投与する場合は、その 1 回投与量は投与対象、対象臓器、症状、投与方法などによっても異なるが、例えば、注射剤の形では通常例えば、動脈硬化症患者（60 k g とし
て）においては、一日につき約 0.01 ~ 30 mg 程度、好ましくは約 0.1 ~
20 mg 程度、より好ましくは約 0.1 ~ 10 mg 程度を静脈注射により投与す
25 るのが好都合である。他の動物の場合も、60 k g 当たりに換算した量を投与することができる。

（12）本発明のレセプター蛋白質、その部分ペプチドまたはそれらの塩に対する抗体による中和

本発明のレセプター蛋白質もしくはその部分ペプチドまたはその塩に対する抗

体の、それらレセプター蛋白質などに対する中和活性とは、すなわち、該レセプター蛋白質の関与するシグナル伝達機能を不活性化する活性を意味する。従って、該抗体が中和活性を有する場合は、該レセプター蛋白質の関与するシグナル伝達、例えば、該レセプター蛋白質を介する細胞刺激活性（例えば、アラキトン酸遊離、アセチルコリン遊離、細胞内 Ca^{2+} 遊離、細胞内cAMP生成、細胞内cGMP生成、イノシトールリン酸産生、細胞膜電位変動、細胞内蛋白質のリン酸化、c-fosの活性化、pHの低下などを促進する活性または抑制する活性など）を不活性化することができる。したがって、該レセプター蛋白質の過剰発現などに起因する疾患の予防およびまたは治療に用いることができる。

- 5
10 (13) 本発明のG蛋白質共役型レセプター蛋白質をコードするDNAを有する動物の作製

本発明のDNAを用いて、本発明のレセプター蛋白質等を発現するトランスジェニック動物を作製することができる。動物としては、哺乳動物（例えば、ラット、マウス、ウサギ、ヒツジ、ブタ、ウシ、ネコ、イヌ、サルなど）など（以下、動物と略記する場合がある）が挙げられるが、特に、マウス、ウサギなどが好適である。

- 15
20
25 本発明のDNAを対象動物に転移させるにあたっては、該DNAを動物細胞で発現させうるプロモーターの下流に結合した遺伝子コンストラクトとして用いるのが一般に有利である。例えば、ウサギ由来の本発明のDNAを転移させる場合、これと相同性が高い動物由来の本発明のDNAを動物細胞で発現させうる各種プロモーターの下流に結合した遺伝子コンストラクトを、例えば、ウサギ受精卵へマイクロインジェクションすることによって本発明のレセプター蛋白質等を高産生するDNA転移動物を作出できる。このプロモーターとしては、例えば、ウイルス由来プロモーター、メタロチオネイン等のユビキアスな発現プロモーターも使用しうるが、好ましくは脳で特異的に発現するNGF遺伝子プロモーターやエノラーゼ遺伝子プロモーターなどが用いられる。

受精卵細胞段階における本発明のDNAの転移は、対象動物の胚芽細胞および体細胞の全てに存在するように確保される。DNA転移後の作出動物の胚芽細胞において本発明のレセプター蛋白質等が存在することは、作出動物の子孫が全て

その胚芽細胞および体細胞の全てに本発明のレセプター蛋白質等を有することを意味する。遺伝子を受け継いだこの種の動物の子孫はその胚芽細胞および体細胞の全てに本発明のレセプター蛋白質等を有する。

本発明のDNA転移動物は、交配により遺伝子を安定に保持することを確認して、該DNA保有動物として通常の飼育環境で飼育継代を行うことができる。さらに、目的DNAを保有する雌雄の動物を交配することにより、導入遺伝子を相同染色体の両方に持つホモザイゴート動物を取得し、この雌雄の動物を交配することによりすべての子孫が該DNAを有するように繁殖継代することができる。

本発明のDNAが転移された動物は、本発明のレセプター蛋白質等が高発現させられているので、本発明のレセプター蛋白質等に対するアゴニストまたはアンタゴニストのスクリーニング用の動物などとして有用である。

本発明のDNA転移動物を、組織培養のための細胞源として使用することもできる。例えば、本発明のDNA転移マウスの組織中のDNAもしくはRNAを直接分析するか、あるいは遺伝子により発現された本発明のレセプター蛋白質が存在する組織を分析することにより、本発明のレセプター蛋白質等について分析することができる。本発明のレセプター蛋白質等を有する組織の細胞を標準組織培養技術により培養し、これらを使用して、例えば、脳や末梢組織由来のような一般に培養困難な組織からの細胞の機能を研究することができる。また、その細胞を用いることにより、例えば、各種組織の機能を高めるような医薬の選択も可能である。また、高発現細胞株があれば、そこから、本発明のレセプター蛋白質等を単離精製することも可能である。

本明細書および図面において、塩基やアミノ酸などを略号で表示する場合、IUPAC-IUB Commission on Biochemical Nomenclature による略号あるいは当該分野における慣用略号に基づくものであり、その例を下記する。またアミノ酸に関し光学異性体があり得る場合は、特に明示しなければL体を示すものとする。

DNA : デオキシリボ核酸

cDNA : 相補的デオキシリボ核酸

A : アデニン

	T	: チミン
	G	: グアニン
	C	: シトシン
	RNA	: リボ核酸
5	mRNA	: メッセンジャーリボ核酸
	dATP	: デオキシアデノシン三リン酸
	dTTP	: デオキシチミジン三リン酸
	dGTP	: デオキシグアノシン三リン酸
	dCTP	: デオキシシチジン三リン酸
10	ATP	: アデノシン三リン酸
	EDTA	: エチレンジアミン四酢酸
	SDS	: トテシル硫酸ナトリウム
	Gly	: グリシン
	Ala	: アラニン
15	Val	: バリン
	Leu	: ロイシン
	Ile	: イソロイシン
	Ser	: セリン
	Thr	: スレオニン
20	Cys	: システイン
	Met	: メチオニン
	Glu	: グルタミン酸
	Asp	: アスパラギン酸
	Lys	: リジン
25	Arg	: アルギニン
	His	: ヒスチジン
	Phe	: フェニルアラニン
	Tyr	: チロシン
	Trp	: トリプトファン

	P r o	: プロリン
	A s n	: アスパラギン
	G l n	: グルタミン
	p G l u	: ピログルタミン酸
5	*	: 終止コドンに対応する
	M e	: メチル基
	E t	: エチル基
	B u	: ブチル基
	P h	: フェニル基
10	T C	: チアゾリジン-4 (R) -カルボキサミド基

また、本明細書中で繁用される置換基、保護基および試薬を下記の記号で表記する。

	T o s	: p-トルエンスルフォニル
	C H O	: ホルミル
15	B z l	: ベンジル
	C l ₂ Bz l	: 2, 6-ジクロロベンジル
	B o m	: ベンジルオキシメチル
	Z	: ベンジルオキシカルボニル
	C l - Z	: 2-クロロベンジルオキシカルボニル
20	B r - Z	: 2-ブロモベンジルオキシカルボニル
	B o c	: t-ブトキシカルボニル
	D N P	: ジニトロフェノール
	T r t	: トリチル
	B u m	: t-ブトキシメチル
25	F m o c	: N-9-フルオレニルメトキシカルボニル
	H O B t	: 1-ヒドロキシベンズトリアゾール
	H O O B t	: 3, 4-ジヒドロ-3-ヒドロキシ-4-オキソ- 1, 2, 3-ベンゾトリアジン
	H O N B	: 1-ヒドロキシ-5-ノルボルネン-2, 3-ジカルボキシイミド

DCC : N, N'-ジシクロヘキシルカルボジイミド

本明細書の配列表の配列番号は、以下の配列を示す。

配列番号：1

- 5 本発明のヒト由来新規G蛋白質共役型レセプター蛋白質TGR 17-1のアミノ酸配列を示す。

配列番号：2

配列番号：1で示されるヒト由来新規G蛋白質共役型レセプター蛋白質TGR 17-1をコードするcDNAの塩基配列を示す。

- 10 配列番号：3

以下の実施例1、4および5におけるPCR反応で使用したプライマー1の塩基配列を示す。

配列番号：4

- 15 以下の実施例1、2、3、4および5におけるPCR反応で使用したプライマー2の塩基配列を示す。

配列番号：5

本発明のヒト由来新規G蛋白質共役型レセプター蛋白質TGR 17-2のアミノ酸配列を示す。

配列番号：6

- 20 配列番号：5で示されるヒト由来新規G蛋白質共役型レセプター蛋白質TGR 17-2をコードするcDNAの塩基配列を示す。

配列番号：7

本発明のヒト由来新規G蛋白質共役型レセプター蛋白質TGR 17-3のアミノ酸配列を示す。

- 25 配列番号：8

配列番号：7で示されるヒト由来新規G蛋白質共役型レセプター蛋白質TGR 17-3をコードするcDNAの塩基配列を示す。

配列番号：9

以下の実施例2におけるPCR反応で使用したプライマー3の塩基配列を示す

。 配列番号：10

本発明のヒト由来新規G蛋白質共役型レセプター蛋白質TGR17-4のアミノ酸配列を示す。

5 配列番号：11

配列番号：10で示されるヒト由来新規G蛋白質共役型レセプター蛋白質TGR17-4をコードするcDNAの塩基配列を示す。

配列番号：12

以下の実施例3におけるPCR反応で使用したプライマー4の塩基配列を示す

10 。

配列番号：13

本発明のヒト由来新規G蛋白質共役型レセプター蛋白質TGR17-5のアミノ酸配列を示す。

配列番号：14

15 配列番号：13で示されるヒト由来新規G蛋白質共役型レセプター蛋白質TGR17-5をコードするcDNAの塩基配列を示す。

配列番号：15

本発明のヒト由来新規G蛋白質共役型レセプター蛋白質TGR17-6のアミノ酸配列を示す。

20 配列番号：16

配列番号：15で示されるヒト由来新規G蛋白質共役型レセプター蛋白質TGR17-6をコードするcDNAの塩基配列を示す。

配列番号：17

25 以下の実施例5におけるPCR反応で使用したフォワードプライマーTGR17TQFの塩基配列を示す。

配列番号：18

以下の実施例5におけるPCR反応で使用したリバースプライマーTGR17TQRの塩基配列を示す。

配列番号：19

以下の実施例5におけるPCR反応で使用したプローブTGR17TQPの塩基配列を示す。

配列番号：20

以下の実施例1及び4におけるPCR反応で使用したプライマー5の塩基配列を示す。

配列番号：21

以下の実施例1及び4におけるPCR反応で使用したプライマー6の塩基配列を示す。

以下の実施例1で得られた形質転換体エシェリヒア コリ (*Escherichia coli*) TOP10/pSL301-TGR17-1は、2000年(平成12年)12月7日から茨城県つくば市東1丁目1番地1 中央第6(郵便番号305-8566)の独立行政法人産業技術総合研究所 特許生物寄託センター(旧 通商産業省工業技術院生命工学工業技術研究所：NIBH)に寄託番号FERM BP-7385として、2000年(平成12年)11月28日から大阪府大阪市淀川区十三本町2-17-85(郵便番号532-8686)の財団法人・発酵研究所(IFO)に寄託番号IFO 16505として寄託されている。

以下の実施例2で得られた形質転換体エシェリヒア コリ (*Escherichia coli*) TOP10/pCR2.1-TGR17-2は、2000年(平成12年)12月7日から茨城県つくば市東1丁目1番地1 中央第6(郵便番号305-8566)の独立行政法人産業技術総合研究所 特許生物寄託センター(旧 通商産業省工業技術院生命工学工業技術研究所：NIBH)に寄託番号FERM BP-7386として、2000年(平成12年)11月28日から大阪府大阪市淀川区十三本町2-17-85(郵便番号532-8686)の財団法人・発酵研究所(IFO)に寄託番号IFO 16506として寄託されている。

以下の実施例2で得られた形質転換体エシェリヒア コリ (*Escherichia coli*) TOP10/pCR2.1-TGR17-3は、2000年(平成12年)12月7日から茨城県つくば市東1丁目1番地1 中央第6(郵便番号305-8566)の独立行政法人産業技術総合研究所 特許生物寄託センター(旧 通商産業省工業技術院生命工学工業技術研究所：NIBH)に寄託番号FERM BP-7387として、

2000年（平成12年）11月28日から大阪府大阪市淀川区十三本町2-17-85（郵便番号532-8686）の財団法人・発酵研究所（IFO）に寄託番号IFO 16507として寄託されている。

以下の実施例3で得られた形質転換体エシェリヒア コリ（*Escherichia coli*）
5 TOP10/pCR2.1-TGR17-4は、2000年（平成12年）12月7日から茨城県つくば市東1丁目1番地1 中央第6（郵便番号305-8566）の独立行政法人産業技術総合研究所 特許生物寄託センター（旧 通商産業省工業技術院生命工学工業技術研究所：NIBH）に寄託番号FERM BP-7388として、
2000年（平成12年）11月28日から大阪府大阪市淀川区十三本町2-1
10 7-85（郵便番号532-8686）の財団法人・発酵研究所（IFO）に寄託番号IFO 16508として寄託されている。

以下の実施例4で得られた形質転換体エシェリヒア コリ（*Escherichia coli*）
TOP10/pSL301-TGR17-5は、2000年（平成12年）12月7日から茨城県つくば市東1丁目1番地1 中央第6（郵便番号305-8566）の独立行政法人産業技術総合研究所 特許生物寄託センター（旧 通商産業省工業技術院生命
15 工学工業技術研究所：NIBH）に寄託番号FERM BP-7389として、
2000年（平成12年）11月28日から大阪府大阪市淀川区十三本町2-17-85（郵便番号532-8686）の財団法人・発酵研究所（IFO）に寄託番号IFO 16509として寄託されている。

以下の実施例4で得られた形質転換体エシェリヒア コリ（*Escherichia coli*）
20 TOP10/pSL301-TGR17-6は、2000年（平成12年）12月7日から茨城県つくば市東1丁目1番地1 中央第6（郵便番号305-8566）の独立行政法人産業技術総合研究所 特許生物寄託センター（旧 通商産業省工業技術院生命工学工業技術研究所：NIBH）に寄託番号FERM BP-7390として、
25 2000年（平成12年）11月28日から大阪府大阪市淀川区十三本町2-17-85（郵便番号532-8686）の財団法人・発酵研究所（IFO）に寄託番号IFO 16510として寄託されている。

以下に実施例を示して、本発明をより詳細に説明するが、これらは本発明の範囲を限定するものではない。なお、大腸菌を用いての遺伝子は、モレキュラー・クローニング (Molecular cloning) に記載されている方法に従った。

実施例1 ヒト精巣由来G蛋白質共役型レセプター蛋白質をコードするcDNAのクローニングと塩基配列の決定

ヒト精巣cDNA (CLONTECH社) を鋳型とし、2個のプライマー、プライマー1 (配列番号: 3) およびプライマー2 (配列番号: 4) を用いてPCR反応を行った。該反応における反応液の組成は上記cDNAを3 μ l鋳型として使用し、Advantage-GC2 Polymerase Mix (CLONTECH社) 1 μ l量、プライマー1 (配列番号: 3) およびプライマー2 (配列番号: 4) を各0.5 μ M、dNTPsを200 μ M、および酵素に添付のバッファを10 μ l、GC Meltを5 μ l加え、50 μ lの液量とした。PCR反応は、95°C・1分の後、95°C・30秒、68°C・2分のサイクルを5回、95°C・30秒、66°C・30秒、68°C・2分のサイクルを5回、95°C・30秒、64°C・30秒、68°C・2分のサイクルを30回繰り返し最後に68°C・7分の伸長反応を行った。該PCR反応産物をTOP0-TAクローニングキット (Invitrogen社) の処方に従いプラスミドベクターpCR2.1 (Invitrogen社) へサブクローニングした。これを大腸菌TOP10に導入し、cDNAを持つクローンをアンピシリンを含むLB寒天培地中で選択した。個々のクローンの配列を解析した結果、新規G蛋白質共役型レセプター蛋白質をコードするcDNA配列 (配列番号: 2) を得た。これらのアミノ酸配列を含有する新規G蛋白質共役型レセプター蛋白質をTGR17-1と命名した。

さらに、TGR17-1をpCR2.1にクローニングして作製したプラスミド (pCR2.1-TGR17-1) 1 μ lを鋳型としてAdvantage-GC2 Polymerase Mix (CLONTECH社) 1 μ l量、プライマー5 (配列番号: 20) およびプライマー6 (配列番号: 21) を各0.5 μ M、dNTPsを200 μ M、および酵素に添付のバッファを10 μ l、GC Meltを5 μ l加え、50 μ lの液量とし、PCR反応を行った。PCR反応は、95°C・1分の後、95°C・30秒、68°C・2分のサイクルを5回、95°C・30秒、66°C・30秒、68°C・2分のサイクルを5回、95°C・30秒、64°C・30秒、68°C・2分のサイクルを30回繰り返し最後に68°C・7分の伸長反応を行った。得られたPCR反応物をQIAquick PCR Purification Kit [QIAGEN (Germany)] にて精製し、制限酵素Sal IおよびSpe Iにより全長c

DNA断片を切り出した後、プラスミドベクターpSL301 (Invitrogen社) のSal I、Spe I siteに該遺伝子断片を組み込み、プラスミドベクターpSL301-TGR17-1を作製した。その形質転換体をエシェリヒア コリ (Escherichia coli) TOP10/pSL301-TGR17-1と命名した。

5

実施例2 ヒト精巣由来G蛋白質共役型レセプター蛋白質をコードするcDNAのクローニングと塩基配列の決定

ヒト精巣cDNA (CLONTECH社) を鋳型とし、2個のプライマー、プライマー3 (配列番号: 9) およびプライマー2 (配列番号: 4) を用いてPCR反応を行った。該反応
10 における反応液の組成は上記cDNAを3 μ l鋳型として使用し、Advantage-GC2 Polymerase Mix (CLONTECH社) 1 μ l量、プライマー3 (配列番号: 9) およびプライマー2 (配列番号: 4) を各0.5 μ M、dNTPsを200 μ M、および酵素に添付のバッファーを10 μ l、GC Meltを5 μ l加え、50 μ lの液量とした。PCR反応は、95 $^{\circ}$ C・1分
15 の後、95 $^{\circ}$ C・30秒、68 $^{\circ}$ C・2分のサイクルを5回、95 $^{\circ}$ C・30秒、66 $^{\circ}$ C・30秒、68 $^{\circ}$ C・2分のサイクルを5回、95 $^{\circ}$ C・30秒、64 $^{\circ}$ C・30秒、68 $^{\circ}$ C・2分のサイクルを30回
繰り返して最後に68 $^{\circ}$ C・7分の伸長反応を行った。該PCR反応産物をTOP0-TAクローニングキット (Invitrogen社) の処方に従いプラスミドベクターpCR2.1 (Invitrogen社) にサブクローニングした。これを大腸菌TOP10に導入し、cDNAを持つクローンをアンピシリンを含むLB寒天培地中で選択した。個々のクローンの配列を
20 解析した結果、新規G蛋白質共役型レセプター蛋白質をコードする2種のcDNA配列 (配列番号: 6および配列番号: 8) を得た。これらのアミノ酸配列を含有する新規G蛋白質共役型レセプター蛋白質をTGR17-2およびTGR17-3と命名した。

さらに、それらの形質転換体をそれぞれエシェリヒア コリ (Escherichia coli) TOP10/pCR2.1-TGR17-2、エシェリヒア コリ (Escherichia coli) TOP10/pCR2.1-TGR
25 17-3と命名した。

実施例3 ヒト精巣由来G蛋白質共役型レセプター蛋白質をコードするcDNAのクローニングと塩基配列の決定

ヒト精巣cDNA (CLONTECH社) を鋳型とし、2個のプライマー、プライマー4 (配列

- 番号：12) およびプライマー2 (配列番号：4) を用いてPCR反応を行った。該反応における反応液の組成は上記cDNAを3 μ l 铸型として使用し、Advantage-GC2 Polymerase Mix (CLONTECH社) 1 μ l 量、プライマー4 (配列番号：12) およびプライマー2 (配列番号：4) を各0.5 μ M、dNTPsを200 μ M、および酵素に添付のバッファーを10 μ l、GC Meltを5 μ l 加え、50 μ l の液量とした。PCR反応は、95℃・1分の後、95℃・30秒、68℃・2分のサイクルを5回、95℃・30秒、66℃・30秒、68℃・2分のサイクルを5回、95℃・30秒、64℃・30秒、68℃・2分のサイクルを30回繰り返し最後に68℃・7分の伸長反応を行った。該PCR反応産物をTOP0-TAクローニングキット (Invitrogen社) の処方に従いプラスミドベクターpCR2.1 (Invitrogen社) にサブクローニングした。これを大腸菌TOP10に導入し、cDNAを持つクローンをアンピシリンを含むLB寒天培地中で選択した。個々のクローンの配列を解析した結果、新規G蛋白質共役型レセプター蛋白質をコードするcDNA配列 (配列番号：11) を得た。これらのアミノ酸配列を含有する新規G蛋白質共役型レセプター蛋白質をTGR17-4と命名した。
- さらに、その形質転換体をエシェリヒア コリ (Escherichia coli) TOP10/pCR2.1-TGR17-4と命名した。

TGR17-1、TGR17-2、TGR17-3 およびTGR17-4 の疎水性プロット図をそれぞれ図1、図2、図3 および図4に示す。

20 実施例4 ヒト精巣由来G蛋白質共役型レセプター蛋白質をコードするcDNAのクローニングと塩基配列の決定

- ヒト精巣cDNA (CLONTECH社) を铸型とし、2個のプライマー、プライマー1 (配列番号：3) およびプライマー2 (配列番号：4) を用いてPCR反応を行った。該反応における反応液の組成は上記cDNAを3 μ l 铸型として使用し、Advantage-GC2 Polymerase Mix (CLONTECH社) 1 μ l 量、プライマー1 (配列番号：3) およびプライマー2 (配列番号：4) を各0.5 μ M、dNTPsを200 μ M、および酵素に添付のバッファーを10 μ l、GC Meltを5 μ l 加え、50 μ l の液量とした。PCR反応は、95℃・1分の後、95℃・30秒、68℃・2分のサイクルを5回、95℃・30秒、66℃・30秒、68℃・2分のサイクルを5回、95℃・30秒、64℃・30秒、68℃・2分のサイクルを30

5 回繰り返して最後に68℃・7分の伸長反応を行った。該PCR反応産物をTOP0-TAクローニングキット（Invitrogen社）の処方に従いプラスミドベクターpCR2.1（Invitrogen社）へサブクローニングした。これを大腸菌TOP10に導入し、cDNAを持つクローンをアンピシリンを含むLB寒天培地中で選択した。個々のクローンの配列を解析した結果、新規G蛋白質共役型レセプター蛋白質をコードする2種のcDNAの塩基配列（配列番号：14および配列番号：16）を得た。これらのアミノ酸配列を含有する新規G蛋白質共役型レセプター蛋白質をTGR17-5およびTGR17-6とそれぞれ命名した。

さらに、TGR17-5およびTGR17-6をpCR2.1にクローニングして作製したプラスミド（pCR2.1-TGR17-5およびpCR2.1-TGR17-6）1μlを鋳型としてAdvantage-GC2 Polymerase Mix（CLONTECH社）1μl量、プライマー5（配列番号20）およびプライマー6（配列番号21）を各0.5μM、dNTPsを200μM、および酵素に添付のバッファーを10μl、GC Meltを5μl加え、50μlの液量とし、PCR反応を行った。PCR反応は、95℃・1分の後、95℃・30秒、68℃・2分のサイクルを5回、95℃・30秒、66℃・30秒、68℃・2分のサイクルを5回、95℃・30秒、64℃・30秒、68℃・2分のサイクルを30回繰り返して最後に68℃・7分の伸長反応を行った。得られたPCR反応物をQIAquick PCR Purification Kit〔QIAGEN（Germany）〕にて精製し、制限酵素Sal IおよびSpe Iにより全長cDNA断片を切り出した後、プラスミドベクターpSL301（Invitrogen社）のSal I、Spe I siteに該遺伝子断片を組み込み、プラスミドベクターpSL301-TGR17-5およびpSL301-TGR17-6を作製した。それらの形質転換体をそれぞれエシェリヒア コリ（*Escherichia coli*）TOP10/pSL301-TGR17-5、エシェリヒア コリ（*Escherichia coli*）TOP10/pSL301-TGR17-6と命名した。

TGR17-5およびTGR17-6の疎水性プロット図をそれぞれ図9および図10に示す。

25

実施例5 TaqMan PCRを用いたTGR17の発現組織分布の解析

プライマーおよびプローブは、Primer Express ver. 1.0（PEバイオシステムズジャパン）を用いてデザインし、フォワードプライマー TGR17TQF（5'-TCTGC TACTG ACCTA CTTGA CTTT GG- 3'（配列番号：17））、リバープライマー

TGR17TQR (5' -ACTGAGGTCTGCCGTTTTCCAG- 3' (配列番号: 18))、プローブTGR17TQP (5' -TCCTG GTCAT TGTCT TCCC CTTCG GTAA CA- 3' (配列番号: 19)) を作製した。プローブのリポーター色素はFAM (6-carboxyfluorescein) を付加した。

- 5 スタンダード cDNA は、pCR2.1-TGR17-1を鋳型にしてプライマー 1 (配列番号: 3)、プライマー 2 (配列番号: 4)を用いて増幅したPCR断片を QIAquick PCR Purification Kit [QIAGEN (Germany)] にて精製し、 $10^3 - 10^6$ コピー / $5 \mu\text{l}$ に調製して用いた。

- 各組織の cDNAソースはCLONTECH社SMART RACE Library Systemを用いて作製した各種cDNA libraryを用いた。TGR17-1発現量と同時に、TaqMan β -actin control reagents Mix (PEバイオシステムズジャパン) を用いて β -actin発現量を測定してnormalizeすることにより、TGR17-1の組織分布を比較した。
- 10

- TaqMan PCRは、TaqMan Universal PCR Master Mix (PEバイオシステムズジャパン) の試薬を用い、ABI PRISM 7700 Sequence Detection System (PEバイオシステムズジャパン) にて、添付の説明書に従い反応させた。
- 15

結果を図1-3に示す。これより、TGR17は精巣および脳に高い発現が見られた。

産業上の利用可能性

- 20 本発明のG蛋白質共役型レセプター蛋白質もしくはその部分ペプチドまたはその塩、該レセプター蛋白質またはその部分ペプチドをコードするポリヌクレオチド (例えば、DNA、RNAおよびそれらの誘導体) は、①リガンド (アゴニスト) の決定、②抗体および抗血清の入手、③組換え型レセプター蛋白質の発現系の構築、④同発現系を用いたレセプター結合アッセイ系の開発と医薬品候補化合物のスクリーニング、⑤構造的に類似したリガンド・レセプターとの比較にもと
- 25 づいたドラッグデザインの実施、⑥遺伝子診断におけるプローブやPCRプライマーの作成のための試薬、⑦トランスジェニック動物の作製または⑧遺伝子予防・治療剤等の医薬等として用いることができる。

請求の範囲

1. 配列番号：10で表わされるアミノ酸配列と同一もしくは実質的に同一のアミノ酸配列を含有することを特徴とするG蛋白質共役型レセプター蛋白質またはその塩。
- 5 2. 配列番号：10で表わされるアミノ酸配列を有する請求項1記載のG蛋白質共役型レセプター蛋白質またはその塩。
3. 配列番号：1、配列番号：5、配列番号：7、配列番号：13または配列番号：15で表わされるアミノ酸配列である請求項1記載のG蛋白質共役型レセプター蛋白質またはその塩。
- 10 4. 請求項1記載のG蛋白質共役型レセプター蛋白質の部分ペプチドまたはその塩。
5. 請求項1記載のG蛋白質共役型レセプター蛋白質をコードするポリヌクレオチドを含有するポリヌクレオチド。
6. DNAである請求項5記載のポリヌクレオチド。
- 15 7. 配列番号：2、配列番号：6、配列番号：8、配列番号：11、配列番号：14または配列番号：16で表される塩基配列を有する請求項5記載のポリヌクレオチド。
8. 請求項5記載のポリヌクレオチドを含有する組換えベクター。
9. 請求項8記載の組換えベクターで形質転換させた形質転換体。
- 20 10. 請求項9記載の形質転換体を培養し、請求項1記載のG蛋白質共役型レセプター蛋白質を生成せしめることを特徴とする請求項1記載のG蛋白質共役型レセプター蛋白質またはその塩の製造法。
11. 請求項1記載のG蛋白質共役型レセプター蛋白質もしくは請求項4記載の部分ペプチドまたはその塩に対する抗体。
- 25 12. 請求項1記載のG蛋白質共役型レセプター蛋白質のシグナル伝達を不活性化する中和抗体である請求項11記載の抗体。
13. 請求項11記載の抗体を含有してなる診断薬。
14. 請求項1記載のG蛋白質共役型レセプター蛋白質もしくは請求項4記載の部分ペプチドまたはその塩を用いることにより得られうる請求項1記載のG蛋白

質共役型レセプター蛋白質またはその塩に対するリガンド。

15 15. 請求項14記載のG蛋白質共役型レセプターのリガンドを含有してなる医薬。

16. 請求項1記載のG蛋白質共役型レセプター蛋白質もしくは請求項4記載の
5 部分ペプチドまたはその塩を用いることを特徴とする請求項1記載のG蛋白質共役型レセプター蛋白質またはその塩に対するリガンドの決定方法。

17. 請求項1記載のG蛋白質共役型レセプター蛋白質もしくは請求項4記載の
部分ペプチドまたはその塩を用いることを特徴とするリガンドと請求項1記載の
G蛋白質共役型レセプター蛋白質またはその塩との結合性を変化させる化合物ま
10 たはその塩のスクリーニング方法。

18. 請求項1記載のG蛋白質共役型レセプター蛋白質もしくは請求項4記載の
部分ペプチドまたはその塩を含有することを特徴とするリガンドと請求項1記載
のG蛋白質共役型レセプター蛋白質またはその塩との結合性を変化させる化合物
またはその塩のスクリーニング用キット。

15 19. 請求項17記載のスクリーニング方法または請求項18記載のスクリーニ
ング用キットを用いて得られうるリガンドと請求項1記載のG蛋白質共役型レセ
プター蛋白質またはその塩との結合性を変化させる化合物またはその塩。

20 20. 請求項17記載のスクリーニング方法または請求項18記載のスクリーニ
ング用キットを用いて得られうるリガンドと請求項1記載のG蛋白質共役型レセ
プター蛋白質またはその塩との結合性を変化させる化合物またはその塩を含有し
てなる医薬。

21. 請求項5記載のポリヌクレオチドとハイストリンジェントな条件下でハイ
ブリダイズするポリヌクレオチド。

22. 請求項5記載のポリヌクレオチドと相補的な塩基配列またはその一部を
25 有してなるポリヌクレオチド。

23. 請求項5記載のポリヌクレオチドまたはその一部を用いることを特徴とす
る請求項1記載のG蛋白質共役型レセプター蛋白質のmRNAの定量方法。

24. 請求項11記載の抗体を用いることを特徴とする請求項1記載のG蛋白質
共役型レセプター蛋白質の定量方法。

25. 請求項23または請求項24記載の定量方法を用いることを特徴とする請求項1記載のG蛋白質共役型レセプターの機能が関連する疾患の診断方法。

26. 請求項23記載の定量方法を用いることを特徴とする請求項1記載のG蛋白質共役型レセプター蛋白質の発現量を変化させる化合物またはその塩のスクリーニング方法。

27. 請求項24記載の定量方法を用いることを特徴とする細胞膜における請求項1記載のG蛋白質共役型レセプター蛋白質量を変化させる化合物またはその塩のスクリーニング方法。

28. 請求項26記載のスクリーニング方法を用いて得られうる請求項1記載のG蛋白質共役型レセプター蛋白質の発現量を変化させる化合物またはその塩。

29. 請求項27記載のスクリーニング方法を用いて得られうる細胞膜における請求項1記載のG蛋白質共役型レセプター蛋白質量を変化させる化合物またはその塩。

30. 請求項26記載のスクリーニング方法を用いて得られうる請求項1記載のG蛋白質共役型レセプター蛋白質の発現量を変化させる化合物またはその塩を含有してなる医薬。

31. 請求項27記載のスクリーニング方法を用いて得られうる細胞膜における請求項1記載のG蛋白質共役型レセプター蛋白質量を変化させる化合物またはその塩を含有してなる医薬。

32. 中枢疾患、炎症性疾患、循環器疾患、癌、代謝性疾患、免疫系疾患または消化器系疾患の予防・治療剤である請求項20、30または31記載の医薬。

33. 哺乳動物に対して、請求項17記載のスクリーニング方法または請求項18記載のスクリーニング用キットを用いて得られうるリガンドと請求項1記載のG蛋白質共役型レセプター蛋白質またはその塩との結合性を変化させる化合物またはその塩の有効量を投与することを特徴とする中枢疾患、炎症性疾患、循環器疾患、癌、代謝性疾患、免疫系疾患または消化器系疾患の予防・治療方法。

34. 哺乳動物に対して、請求項26記載のスクリーニング方法を用いて得られうる請求項1記載のG蛋白質共役型レセプター蛋白質の発現量を変化させる化合物またはその塩の有効量を投与することを特徴とする中枢疾患、炎症性疾患、循

環器疾患、癌、代謝性疾患、免疫系疾患または消化器系疾患の予防・治療方法。

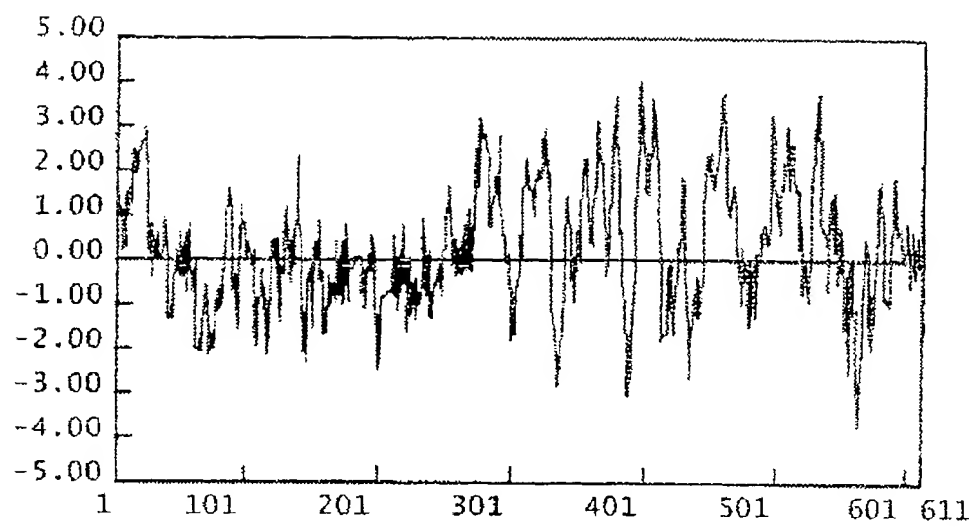
- 3 5. 哺乳動物に対して、請求項 2 7 記載のスクリーニング方法を用いて得られ
うる細胞膜における請求項 1 記載の G 蛋白質共役型レセプター蛋白質量を変化さ
せる化合物またはその塩の有効量を投与することを特徴とする中枢疾患、炎症性
5 疾患、循環器疾患、癌、代謝性疾患、免疫系疾患または消化器系疾患の予防・治
療方法。

- 3 6. 中枢疾患、炎症性疾患、循環器疾患、癌、代謝性疾患、免疫系疾患または
消化器系疾患の予防・治療剤を製造するための請求項 1 7 記載のスクリーニング
方法または請求項 1 8 記載のスクリーニング用キットを用いて得られうるリガ
10 ドと請求項 1 記載の G 蛋白質共役型レセプター蛋白質またはその塩との結合性
を変化させる化合物またはその塩の使用。

- 3 7. 中枢疾患、炎症性疾患、循環器疾患、癌、代謝性疾患、免疫系疾患または
消化器系疾患の予防・治療剤を製造するための請求項 2 6 記載のスクリーニング
方法を用いて得られうる請求項 1 記載の G 蛋白質共役型レセプター蛋白質の発現
15 量を変化させる化合物またはその塩の使用。

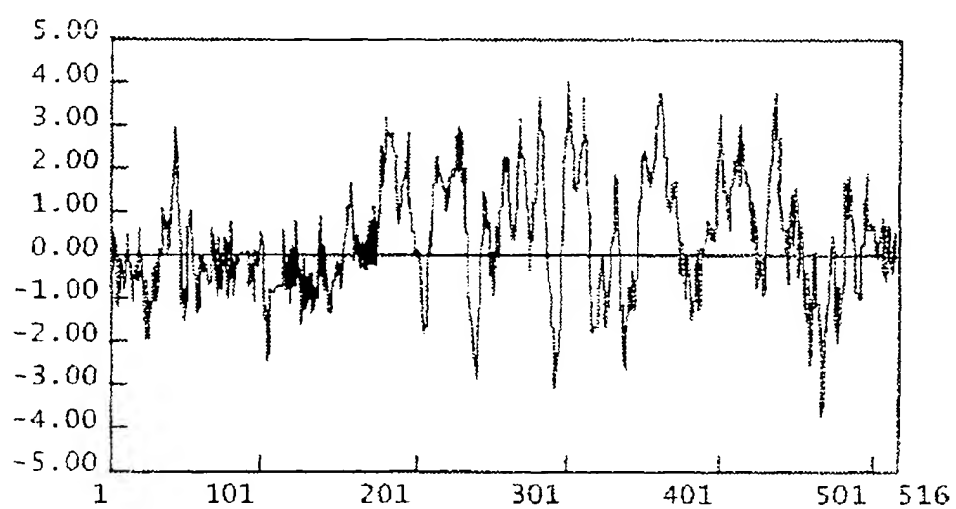
- 3 8. 中枢疾患、炎症性疾患、循環器疾患、癌、代謝性疾患、免疫系疾患または
消化器系疾患の予防・治療剤を製造するための請求項 2 7 記載のスクリーニング
方法を用いて得られうる細胞膜における請求項 1 記載の G 蛋白質共役型レセプ
ター蛋白質量を変化させる化合物またはその塩の使用。

図 1



2/13

図 2



3 / 13

図 3

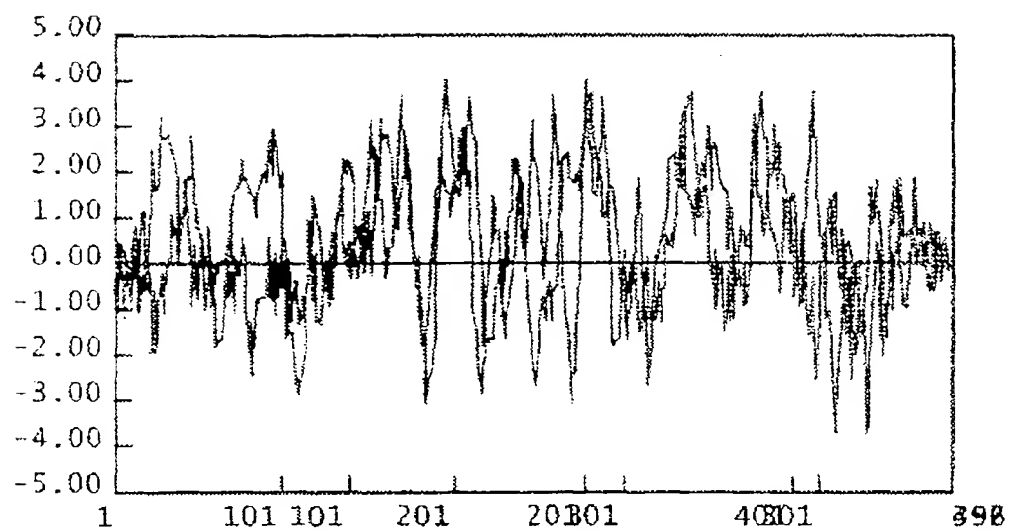


図 4

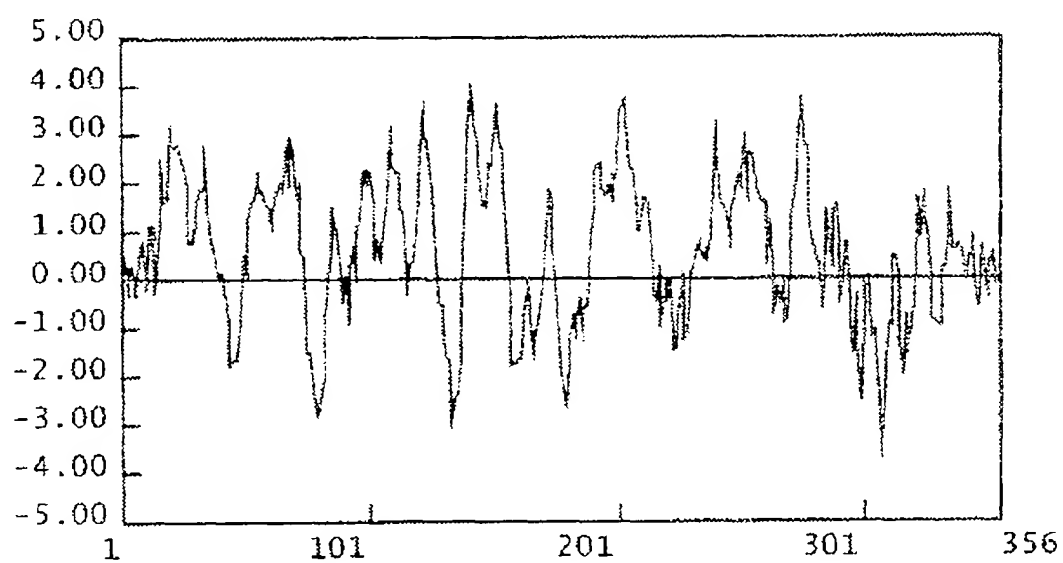


図 5

MIVFLVFKHLFSLRLITMFFLLHFIVLINVKDFALTQGSMITPSCQKGYFPCGNLTKC
LPRAFHCDGKDDCGNGADEENCBDTSGWATIFGTVHGNANSVALTQECLLKQYPQ
CCDCKETELECVDLKSVPMSNNVTLLSLKKNKIHSPLDKVFIKYTKLKKMDLS
SNTYTELSPHLFKDLKLLQKLNLSNPLMYLHKNQFESLKQLQSLDLERIEIPNINT
RMFQPMKNLSHIYFKNFRYCSYAPHVRICMPLTDGISSFEDLLANNILRIFVWVIAFI
TCFGNLFVIGMRSFIKAENTTHAMSIKILCCADCLMGVYLFFVGIFDIKYRGQYQKY
ALLWMESVQCRLMGFLAMLSTEVSLLLLTYLTLEKFLVIVFPFSNIRPGKRQTSVILI
CIWMAGFLIAVIPFWNKDYFGNFYGKNGVCPLYDQTEDIGSKGYSLGIFLGVNLL
AFLIIVFSYITMFCSIQTALQTTEVRNCFGREVAVANRFFFIVFSDAICWIPVFVVKI
LSLFRVEIPDTMTSWIVIFFLPVNSALNPILYTLTTNFFKDKLKQLLHKHQRKSIFEI
KKKSLSTSIVWIEDSSSLKLGVLNKITLGDSIMKPVS

図 6

MVNNYLEALPKQMCAQMPQLNWVDLEGNRIKYLTNSTFLSCDSLTVLFLPRNQ
IGFVPEKTFSSLKNLGELDLSSNTITELSPHLFKDLKLLQKLNLSNPLMYLHKN
QFESLKQLQSLDLERIEIPNINTRMFQPMKNLSHIYFKNFRYCSYAPHVRICMPLT
DGISSFEDLLANNILRIFVWVIAFITCFGNLFVIGMRSFIKAENTTHAMSIKILCCA
DCLMGVYLFFVGIFDIKYRGQYQKYALLWMESVQCRLMGFLAMLSTEVSLLLL
TYLTLEKFLVIVFPFSNIRPGKRQTSVILICIWMAGFLIIVIPFWNKDYFGNFYGK
NGVCFPLYDQTEDIGSKGYSLGIFLGVNLLAFLIIVFSYITMFCSIQKTALQTTE
VRNCFGREVAVANRFFIVFSDAICWIPVFVVKILSLFRVEIPDTMTSWIVIFFLPV
NSALNPILYTLTTNFFKDKLKQLLHKHQKRSIFKIKKKSLSTSIVWIEDSSSLKLG
VLNKITLGDSIMKPVS

☒ 7

MVNNYLEALPKQMCAQMPQLNWVDLEGNRIKYLTNSTFLSCDSLTVLDLSSNT
ITELSPHLFKDLKLLQKLNLSNPLMYLHKNQFESLKQLQSLDLERIEIPNINTRM
FQPMKNLSHIYFKNFRYCSYAPHVRCMPLTDGISSFEDLLANNILRIFVWVIAFIT
CFGNLFVIGMRSFIKAENTTHAMSIKILCCADCLMGVYLFFVGIFDIKYRGQYQ
KYALLWMESVQCRLMGFLAMLSTEVSLLLLTYLTLEKFLVIVFPFSNIRPGKRQT
SVILICIWMAGFLIAVIPFWNKDYFGNFYGKNGVCFPLYDQTEDIGSKGYSLGI
FLGVNLLAFLIIVFSYITMFCSIQKTALQTTEVRNCFGREVAVANRFFFIVFSDAIC
WIPVFVVKILSLFRVEIPDTMTSWVIFFLPVNSALNPILYTLTTNFFKDKLKQLLH
KHQRKSIFKIKKSLSTSIVWIEDSSSLKLGVLNKITLGDSIMKPVS

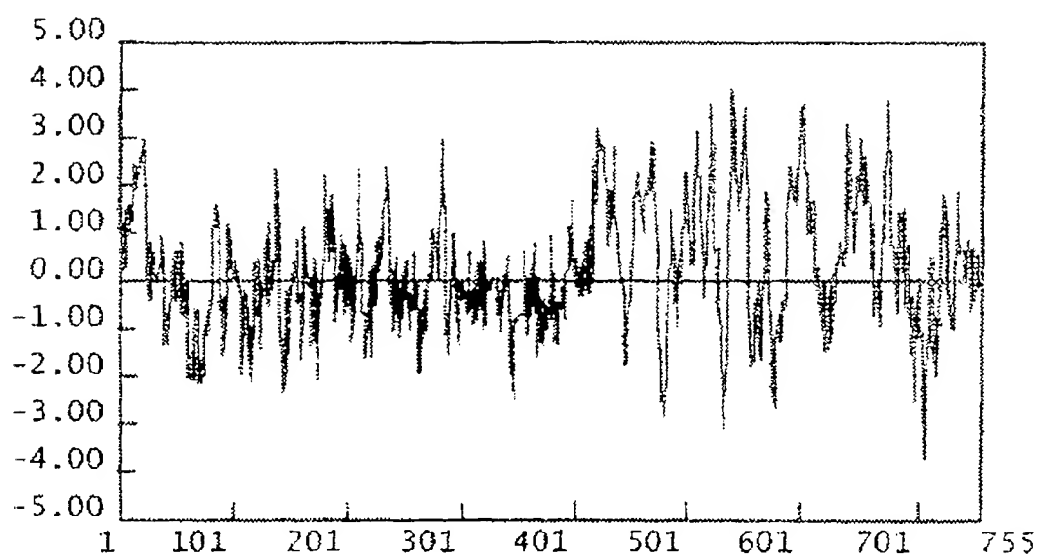
8/13

☒ 8

MPLTDGISSFEDLLANNILRIFVWVIAFITCFGNLFVIGMRSFIKAENTTHAMSIKI
LCCADCLMGVYLFFVGIFDIKYRGQYQKYALLWMESVQCRLMGFLAMLSTEV
SVLLLTLYLTLEKFLVIVFPFSNIRPGKRQTSVILICIWMAGFLIIVFVWNKDYFGN
FYGKNGVCFPLYDQTEDIGSKGYSLGIFLGVNLLAFLITVFSYTTMFCSIQKTAL
QTTEVRNCFGREVAVANRFFFIVFSDAICWIPVFVVKILSLFRVEIPDTMTSWIVIF
FLPVNSALNPILYTLTTNFFKDKLKQLLHKHQRKSIFKIKKKSLSTSIVWIEDSSSL
KLGVLNKITLGDSIMKPVS

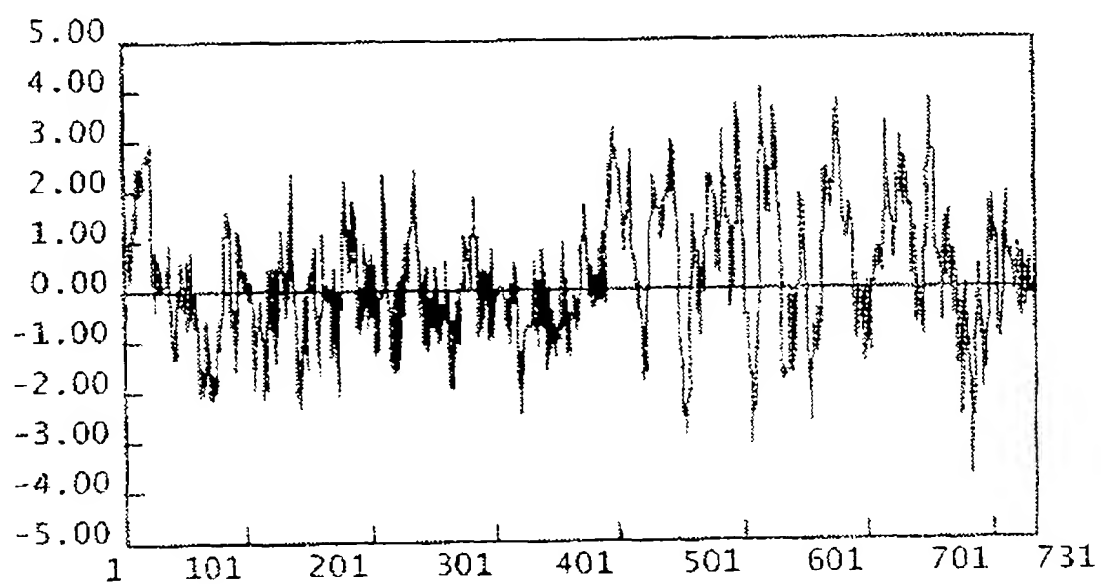
9/13

図 9



10/13

図 10



☒ 1 1

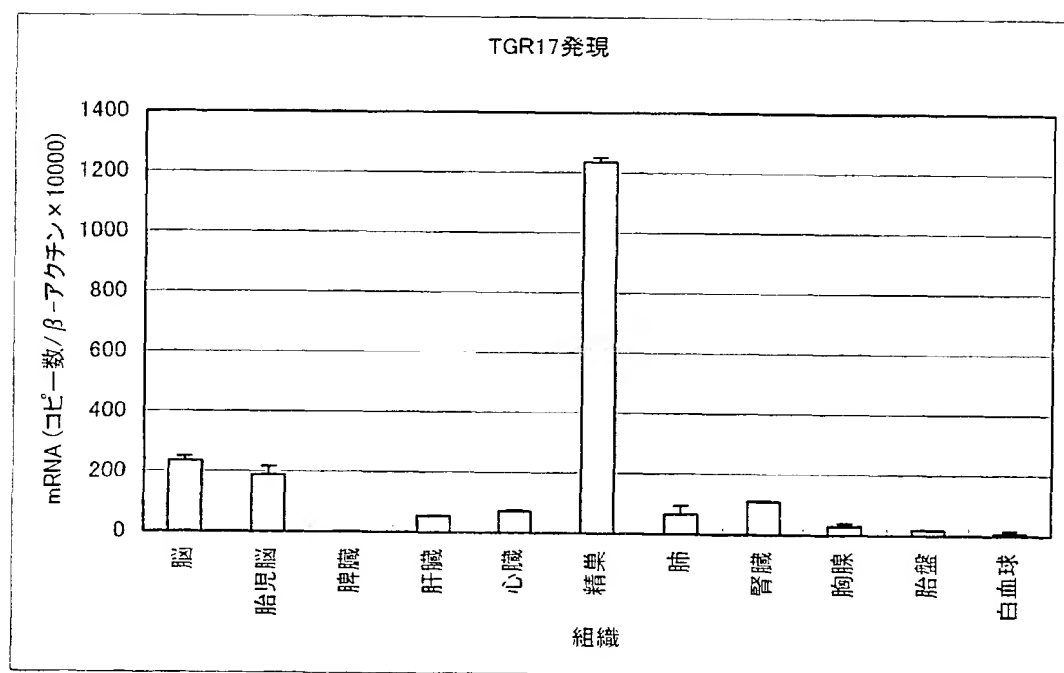
MIVFLVFKHLFSLRLITMFFLLHFIVLINVKDFALTQGS MITPSCQKGYFPCGNLTKCLPRAFHCDGKDD
CGNGADEENC GDTSGWATIFGTVHGNANSVALTQECLLKQYPQCCDCKETELEC VNGDLKSVP MISNNVT
LLSLKKNKIHSLPDKVFIKYTKLKKIFLQHNCIRHISRKAFFGLCNLQILYLNHNCITTLRPGIFKDLHQ
LTWLILDDNPITRISQRLFTGLNSLFFLSMVNNYLEALPKQMCAQMPQLNWDLEGNRIKYL TNSTFLSC
DSLTVLFLPRNQIGFVPEKTFSSLKNLGELDLSSNTITELSPHLFKDLKLLQKLNLSNPLMYLHKNQFE
SLKQLQSLDLERIEIPNINTRMFQPMKNLSHIYFKNFRYCSYAPHVRI CMPLTDGISSFEDLLANNILRI
FVWVIAFITCFGNLFVIGMRSFIKAENTTHAMSIKILCCADCLMGVYLFFVGIFDIKYRGQYQKYALLWM
ESVQCRLMGFLAMLSTEVSVLLLTYLTLEKFLVIVFPFSNIRPGKRQTSVILICIWMAGFLIAVIPFWNK
DYFGNFYGKNGVCPLYDQTEDIGSKGYSLGIFLGVNLLAFLIIVFSYITMFCSIQKTALQTTEVRNCF
GREVAVANRFFFIVFSDAICWIPVFVVKILSLFRVEIPDTMTSWIVIFFLPVNSALNPILYTLTTNFFKD
KLKQLLHKHQRKSIFKIKKKSLSITSIVWIEDSSSLKLGVLNKITLGDSIMKPVS

☒ 12

MIVFLVFKHLFSLRLITMFFLLHFIVLINVKDFALTQGSMITPSCQKGYFPCGNLTKCLPRAFHCDGKDD
CGNGADEENCGDTSGWATIFGTVHGNANSVALTQECLLKQYPQCCDKETELECYNGLKSVPMSNNVT
LLSLKKNKIHSPLDKVFIKYTKLKKIFLQHNCIRHISRKAFFGLCNLQILYLNHNCITTLRPGIFKDLHQ
LTWLILDDNPITRISQRLFTGLNSLFFLSMVNNYLEALPKQMCAQMPQLNWVDLEGNRIKYL TNSTFLSC
DSLTVLDLSSNTITELSPHLFKDLKLLQKLNLSNPLMYLHKNQFESLKQLQSLDLERIEIPNINTRMFQ
PMKNLSHIYFKNFRYCSYAPHVRI CMPLTDGISSFEDLLANNILRIFVWVIAFITCFGNLFVIGMRSFIK
AENTTHAMSIKILCCADCLMGVYLFFVGIFDIKYRGQYQKYALLWMESVQCRLMGFLAMLSTEVSVLLLT
YLTLEKFLVIVFPFSNIRPGKRQTSVILICIWMAGFLIAVIPFWNKDYFGNFYGKNGVCPLYDDQTEDI
GSKGYSLGIFLGVNLLAFLIIVFSYITMFCSIQKTALQTTEVRNCFGREVAVANRFFFIVFSDAICWIPV
FVVKILSLFRVEIPDTMTSWIVIFFLPVNSALNPILYTLTTNFFKDKLKQLLHKHQRKSIKIKKKSLSST
SIVWIEDSSSLKLGVLNKITLGDSIMKPVS

13 / 13

図 13



SEQUENCE LISTING

<110> Takeda Chemical Industries, Ltd.

<120> Novel G Protein-Coupled Receptor protein and its DNA

<130> P2001-161-PCT

<150> JP 2000-211989

<151> 2000-07-07

<150> JP 2000-383794

<151> 2000-12-18

<160> 21

<210> 1

<211> 610

<212> PRT

<213> Human

<400> 1

Met Ile Val Phe Leu Val Phe Lys His Leu Phe Ser Leu Arg Leu Ile
1 5 10 15

Thr Met Phe Phe Leu Leu His Phe Ile Val Leu Ile Asn Val Lys Asp
20 25 30

Phe Ala Leu Thr Gln Gly Ser Met Ile Thr Pro Ser Cys Gln Lys Gly
35 40 45

Tyr Phe Pro Cys Gly Asn Leu Thr Lys Cys Leu Pro Arg Ala Phe His
50 55 60

Cys Asp Gly Lys Asp Asp Cys Gly Asn Gly Ala Asp Glu Glu Asn Cys
65 70 75 80

Gly Asp Thr Ser Gly Trp Ala Thr Ile Phe Gly Thr Val His Gly Asn
85 90 95

Ala Asn Ser Val Ala Leu Thr Gln Glu Cys Leu Leu Lys Gln Tyr Pro
100 105 110

Gln Cys Cys Asp Cys Lys Glu Thr Glu Leu Glu Cys Val Asn Gly Asp

115	120	125	
Leu Lys Ser Val Pro Met Ile Ser Asn Asn Val Thr Leu Leu Ser Leu			
130	135	140	
Lys Lys Asn Lys Ile His Ser Leu Pro Asp Lys Val Phe Ile Lys Tyr			
145	150	155	160
Thr Lys Leu Lys Lys Met Asp Leu Ser Ser Asn Thr Ile Thr Glu Leu			
165	170	175	
Ser Pro His Leu Phe Lys Asp Leu Lys Leu Leu Gln Lys Leu Asn Leu			
180	185	190	
Ser Ser Asn Pro Leu Met Tyr Leu His Lys Asn Gln Phe Glu Ser Leu			
195	200	205	
Lys Gln Leu Gln Ser Leu Asp Leu Glu Arg Ile Glu Ile Pro Asn Ile			
210	215	220	
Asn Thr Arg Met Phe Gln Pro Met Lys Asn Leu Ser His Ile Tyr Phe			
225	230	235	240
Lys Asn Phe Arg Tyr Cys Ser Tyr Ala Pro His Val Arg Ile Cys Met			
245	250	255	
Pro Leu Thr Asp Gly Ile Ser Ser Phe Glu Asp Leu Leu Ala Asn Asn			
260	265	270	
Ile Leu Arg Ile Phe Val Trp Val Ile Ala Phe Ile Thr Cys Phe Gly			
275	280	285	
Asn Leu Phe Val Ile Gly Met Arg Ser Phe Ile Lys Ala Glu Asn Thr			
290	295	300	
Thr His Ala Met Ser Ile Lys Ile Leu Cys Cys Ala Asp Cys Leu Met			
305	310	315	320
Gly Val Tyr Leu Phe Phe Val Gly Ile Phe Asp Ile Lys Tyr Arg Gly			
325	330	335	
Gln Tyr Gln Lys Tyr Ala Leu Leu Trp Met Glu Ser Val Gln Cys Arg			
340	345	350	

Leu Met Gly Phe Leu Ala Met Leu Ser Thr Glu Val Ser Val Leu Leu
 355 360 365
 Leu Thr Tyr Leu Thr Leu Glu Lys Phe Leu Val Ile Val Phe Pro Phe
 370 375 380
 Ser Asn Ile Arg Pro Gly Lys Arg Gln Thr Ser Val Ile Leu Ile Cys
 385 390 395 400
 Ile Trp Met Ala Gly Phe Leu Ile Ala Val Ile Pro Phe Trp Asn Lys
 405 410 415
 Asp Tyr Phe Gly Asn Phe Tyr Gly Lys Asn Gly Val Cys Phe Pro Leu
 420 425 430
 Tyr Tyr Asp Gln Thr Glu Asp Ile Gly Ser Lys Gly Tyr Ser Leu Gly
 435 440 445
 Ile Phe Leu Gly Val Asn Leu Leu Ala Phe Leu Ile Ile Val Phe Ser
 450 455 460
 Tyr Ile Thr Met Phe Cys Ser Ile Gln Lys Thr Ala Leu Gln Thr Thr
 465 470 475 480
 Glu Val Arg Asn Cys Phe Gly Arg Glu Val Ala Val Ala Asn Arg Phe
 485 490 495
 Phe Phe Ile Val Phe Ser Asp Ala Ile Cys Trp Ile Pro Val Phe Val
 500 505 510
 Val Lys Ile Leu Ser Leu Phe Arg Val Glu Ile Pro Asp Thr Met Thr
 515 520 525
 Ser Trp Ile Val Ile Phe Phe Leu Pro Val Asn Ser Ala Leu Asn Pro
 530 535 540
 Ile Leu Tyr Thr Leu Thr Thr Asn Phe Phe Lys Asp Lys Leu Lys Gln
 545 550 555 560
 Leu Leu His Lys His Gln Arg Lys Ser Ile Phe Lys Ile Lys Lys Lys
 565 570 575
 Ser Leu Ser Thr Ser Ile Val Trp Ile Glu Asp Ser Ser Ser Leu Lys

4/27

580	585	590
Leu Gly Val Leu Asn Lys Ile Thr	Leu Gly Asp Ser Ile Met Lys Pro	
595	600	605
Val Ser		
610		

<210> 2

<211> 1830

<212> DNA

<213> Human

<400> 2

atgattgitt ttctggtttt taaacatctc ttcagcctca gattgattac aatgttcttt	60
ctacttcatt tcategttct gatcaatgtc aaagattttg cactgactca aggtagcatg	120
atcaatccct catgccaaaa aggataTTTT cctgttgga atcttaccaa gtgcttacc	180
cgagcttttc actgtgatgg caaggatgac tgigggaacg gggcggacga agagaactgt	240
ggtgacacia gtggatgggc gaccataatt ggcacagtgc atggaaatgc taacagcgtg	300
gccttaaacac aggagtgcct tctaaaacag tatccacaat gctgtgactg caaagaaact	360
gaattggaat gtgtaaatgg tgacttaaaag tctgtgccga tgatttctaa caatgtgaca	420
ttactgtctc ttaagaaaaa caaaatccac agtcttccag ataaagtitt catcaaatac	480
acaaaactta aaaagatgga tctgtctagc aatacgataa cggaactatc acctcacctt	540
tttaaagact tgaagcttct acaaaagctg aacctgtcat ccaatcctct tatgtatctt	600
cacaagaacc agtttgaaag tcttaaacaa cticagtctc tagacctgga aaggatagag	660
attccaaata taaacacacg aatgtttcaa cccatgaaga atctttctca catttatttc	720
aaaaactttc gatactgtc ctatgtctcc catgtccgaa tatgtatgcc ctigacggac	780
ggcatttctt cattigagga cctcttggct aacaatatcc tcagaatatt tgtctgggtt	840
atagctttca ttacctgtt tggaaaatct ttigtcatgt gcatgagatc tticattaaa	900
gctgaaaata caactcacgc tatgtccatc aaaatccttt gttgtgctga ttgccigtatg	960
ggtgtttact tgttctttgt tggcattttc gatataaaat accgagggca gtatcagaag	1020
tatgccctgc tgtggatgga gagcgtgcag tgccgcctca tggggttcct ggccaigtg	1080

tccaccgaag tctctgttct gctactgacc tacttgaact tggagaagtt cctgggtcatt 1140
 gctctccctcct tctagtaacat tctgacctgga aaacgggcaga cctcagtcct cctcatttgc 1200
 aictggatgg cgggattttt aatagctgta atccattttt ggaataagga ttatttttgg 1260
 aacttttatg ggaaaaatgg agtaigtctt ccacttiatt atgaccaaac agaagatatt 1320
 ggaagcaaaag ggtatttctt tggaaatttc ctaggigiga acttgcctgc ttctctcctc 1380
 attgtgtttt cctatattac tatgttctgt tccattcaaa aaaccgcctt gcagaccaca 1440
 gaagtaagga attgttttgg aagagaggct gctgttgcaa atcgtttcct ttctatagtg 1500
 ttctctgatg ccatctgtct gattctctga ttgttagtta aaatccttcc cctcttccgg 1560
 gaggaaatcc cagacacaaat gatttccctg atagtgattt ttctcttccc agtaaacagt 1620
 gctttgaatc caatctctta tactctcaca accaactttt ttaaggacaa gttgaaacag 1680
 ctgctgcaca aacatcagag gaaatcaatt ttcaaaatta aaaaaaaaaag ttatctaca 1740
 tccatigtgt ggatagagga ctctcttccc ctgaaacttg gggttttgaa caaaataaca 1800
 ctggagaca gtataatgaa accagtctcc 1830

<210> 3

<211> 26

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220>

<223> Designed oligonucleotide primer to amplify DNA encoding TGR17-1, TGR17-5, and TGR17-6

<400> 3

gtaaacctat gattgttttt ctggtt 26

<210> 4

<211> 25

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220>

6/27

<223> Designed oligonucleotide primer to amplify DNA encoding TGR17-1, TGR17-2, TGR17-3 and, TGR17-4, TGR17-5, and TGR17-6

<400> 4

ctaggaaact ggtttcatta tactg 25

<210> 5

<211> 515

<212> PRT

<213> Human

<400> 5

Met Val Asn Asn Tyr Leu Glu Ala Leu Pro Lys Gln Met Cys Ala Gln

1 5 10 15

Met Pro Gln Leu Asn Trp Val Asp Leu Glu Gly Asn Arg Ile Lys Tyr

20 25 30

Leu Thr Asn Ser Thr Phe Leu Ser Cys Asp Ser Leu Thr Val Leu Phe

35 40 45

Leu Pro Arg Asn Gln Ile Gly Phe Val Pro Glu Lys Thr Phe Ser Ser

50 55 60

Leu Lys Asn Leu Gly Glu Leu Asp Leu Ser Ser Asn Thr Ile Thr Glu

65 70 75 80

Leu Ser Pro His Leu Phe Lys Asp Leu Lys Leu Leu Gln Lys Leu Asn

85 90 95

Leu Ser Ser Asn Pro Leu Met Tyr Leu His Lys Asn Gln Phe Glu Ser

100 105 110

Leu Lys Gln Leu Gln Ser Leu Asp Leu Glu Arg Ile Glu Ile Pro Asn

115 120 125

Ile Asn Thr Arg Met Phe Gln Pro Met Lys Asn Leu Ser His Ile Tyr

130 135 140

Phe Lys Asn Phe Arg Tyr Cys Ser Tyr Ala Pro His Val Arg Ile Cys

7/27

145	150	155	160
Met Pro Leu Thr Asp Gly Ile Ser Ser Phe Glu Asp Leu Leu Ala Asn			
	165	170	175
Asn Ile Leu Arg Ile Phe Val Trp Val Ile Ala Phe Ile Thr Cys Phe			
	180	185	190
Gly Asn Leu Phe Val Ile Gly Met Arg Ser Phe Ile Lys Ala Glu Asn			
	195	200	205
Thr Thr His Ala Met Ser Ile Lys Ile Leu Cys Cys Ala Asp Cys Leu			
	210	215	220
Met Gly Val Tyr Leu Phe Phe Val Gly Ile Phe Asp Ile Lys Tyr Arg			
225	230	235	240
Gly Gln Tyr Gln Lys Tyr Ala Leu Leu Trp Met Glu Ser Val Gln Cys			
	245	250	255
Arg Leu Met Gly Phe Leu Ala Met Leu Ser Thr Glu Val Ser Val Leu			
	260	265	270
Leu Leu Thr Tyr Leu Thr Leu Glu Lys Phe Leu Val Ile Val Phe Pro			
	275	280	285
Phe Ser Asn Ile Arg Pro Gly Lys Arg Gln Thr Ser Val Ile Leu Ile			
	290	295	300
Cys Ile Trp Met Ala Gly Phe Leu Ile Ala Val Ile Pro Phe Trp Asn			
305	310	315	320
Lys Asp Tyr Phe Gly Asn Phe Tyr Gly Lys Asn Gly Val Cys Phe Pro			
	325	330	335
Leu Tyr Tyr Asp Gln Thr Glu Asp Ile Gly Ser Lys Gly Tyr Ser Leu			
	340	345	350
Gly Ile Phe Leu Gly Val Asn Leu Leu Ala Phe Leu Ile Ile Val Phe			
	355	360	365
Ser Tyr Ile Thr Met Phe Cys Ser Ile Gln Lys Thr Ala Leu Gln Thr			
	370	375	380

8/27

Thr Glu Val Arg Asn Cys Phe Gly Arg Glu Val Ala Val Ala Asn Arg
 385 390 395 400
 Phe Phe Phe Ile Val Phe Ser Asp Ala Ile Cys Trp Ile Pro Val Phe
 405 410 415
 Val Val Lys Ile Leu Ser Leu Phe Arg Val Glu Ile Pro Asp Thr Met
 420 425 430
 Thr Ser Trp Ile Val Ile Phe Phe Leu Pro Val Asn Ser Ala Leu Asn
 435 440 445
 Pro Ile Leu Tyr Thr Leu Thr Thr Asn Phe Phe Lys Asp Lys Leu Lys
 450 455 460
 Gln Leu Leu His Lys His Gln Arg Lys Ser Ile Phe Lys Ile Lys Lys
 465 470 475 480
 Lys Ser Leu Ser Thr Ser Ile Val Trp Ile Glu Asp Ser Ser Ser Leu
 485 490 495
 Lys Leu Gly Val Leu Asn Lys Ile Thr Leu Gly Asp Ser Ile Met Lys
 500 505 510
 Pro Val Ser
 515

<210> 6

<211> 1545

<212> DNA

<213> Human

<400> 6

atggttaata actacttaga agctcttccc aagcagatgt gtgcccaaat gcctcaactc 60
 aactgggtgg atttgggaagg caatagaata aagtatctca caaattctac gtttctgtcg 120
 tgcgattcgc tcacagtgc ttttctgcct agaaatcaaa ttggttttgt tccagagaag 180
 acattttcct cattaaaaaa tttaggagaa ctggatctgt ctagcaatac gataacggaa 240
 ctatcacctc acctttttta agacttgaag ctctacaaa agctgaacct gtcatccaat 300

cctcttatgt atcttcacaa gaaccagitt gaaagtccta aacaacttea gtctctagac 360
 ctggaaagga tagagattcc aaataataaac acacgaatgt ttaaacceat gaagaatctt 420
 tctcacattt aattcaaaaa ctctcgatgc tgcctctatg cccccatgt cegaataatgt 480
 atgcccciga cggacggcat ttcttcattt gaggacctct tggetaacaa tatectcaga 540
 atatttgtct gggttatage ttctattacc tgccttggaa atcttttgt catigggcatg 600
 agatctttca ttaaagctga aaatacaact cacgctatgt ccatacaaat ccttgttgt 660
 gctgattgcc tgaigggigt ttaacttgtt ttigtiggca ttttcgatat aaaataccga 720
 gggcagtatc agaagtatgc ctgcctgtgg atggagagcg tgcagtgcgg cctcaigggg 780
 ttectggcca tgcgtccac cgaagtcctt gttctgcctc tgacctacit gacttggag 840
 aagttccigg tcatgtctt ccccttcagt aacattcgac ctggaaaacg gcagaccica 900
 gtaacctca ttgcatctg gatggcggga tttttaatag ctgtaattcc attttggaat 960
 aaggattatt tiggaaactt ttatgggaaa aatggagiat gtteccact ttattatgac 1020
 caaacagaag atatiggaag caaagggtat tctcttggaa ttttctagg tgtgaacttg 1080
 ciggctttc tcatcattgt gtttctctat attactatgt tctgttccat tcaaaaaacc 1140
 gccitgcaga ccacagaagt aaggaattgt ttgggaagag aggtggcigt tgcaaatcgt 1200
 ttcttttta tagtgtctc tgatgccatc tgcctggatc ctgtatttgt agttaaaatc 1260
 ctteccctct tccgggtgga aataccagac acaatgactt cctggatagt gattttttc 1320
 ctccagtia acagtgcctt gaatccaatc cctataatc tcacaaccaa ctttttaag 1380
 gacaagtiga aacagctgct gcacaaacat cagaggaaat caattttcaa aattaaaaaa 1440
 aaaagittat ctacatccat tgtgtggata gaggactcct ctccctgaa acttgggggt 1500
 ttgaacaaaa taacacttgg agacagtata atgaaaccag tticc 1545

<210> 7

<211> 491

<212> PRT

<213> Human

<400> 7

Met Val Asn Asn Tyr Leu Glu Ala Leu Pro Lys Gln Met Cys Ala Gln

Met	Pro	Gln	Leu	Asn	Trp	Val	Asp	Leu	Glu	Gly	Asn	Arg	Ile	Lys	Tyr
			20						25					30	
Leu	Thr	Asn	Ser	Thr	Phe	Leu	Ser	Cys	Asp	Ser	Leu	Thr	Val	Leu	Asp
			35					40					45		
Leu	Ser	Ser	Asn	Thr	Ile	Thr	Glu	Leu	Ser	Pro	His	Leu	Phe	Lys	Asp
			50					55					60		
Leu	Lys	Leu	Leu	Gln	Lys	Leu	Asn	Leu	Ser	Ser	Asn	Pro	Leu	Met	Tyr
			65					70				75		80	
Leu	His	Lys	Asn	Gln	Phe	Glu	Ser	Leu	Lys	Gln	Leu	Gln	Ser	Leu	Asp
				85						90				95	
Leu	Glu	Arg	Ile	Glu	Ile	Pro	Asn	Ile	Asn	Thr	Arg	Met	Phe	Gln	Pro
				100					105					110	
Met	Lys	Asn	Leu	Ser	His	Ile	Tyr	Phe	Lys	Asn	Phe	Arg	Tyr	Cys	Ser
				115						120				125	
Tyr	Ala	Pro	His	Val	Arg	Ile	Cys	Met	Pro	Leu	Thr	Asp	Gly	Ile	Ser
				130						135				140	
Ser	Phe	Glu	Asp	Leu	Leu	Ala	Asn	Asn	Ile	Leu	Arg	Ile	Phe	Val	Trp
				145						150				155	160
Val	Ile	Ala	Phe	Ile	Thr	Cys	Phe	Gly	Asn	Leu	Phe	Val	Ile	Gly	Met
						165				170				175	
Arg	Ser	Phe	Ile	Lys	Ala	Glu	Asn	Thr	Thr	His	Ala	Met	Ser	Ile	Lys
				180						185				190	
Ile	Leu	Cys	Cys	Ala	Asp	Cys	Leu	Met	Gly	Val	Tyr	Leu	Phe	Phe	Val
				195						200				205	
Gly	Ile	Phe	Asp	Ile	Lys	Tyr	Arg	Gly	Gln	Tyr	Gln	Lys	Tyr	Ala	Leu
				210						215				220	
Leu	Trp	Met	Glu	Ser	Val	Gln	Cys	Arg	Leu	Met	Gly	Phe	Leu	Ala	Met
				225						230				235	240
Leu	Ser	Thr	Glu	Val	Ser	Val	Leu	Leu	Leu	Thr	Tyr	Leu	Thr	Leu	Glu

11/27

245	250	255
Lys Phe Leu Val Ile Val Phe Pro Phe Ser Asn Ile Arg Pro Gly Lys		
260	265	270
Arg Gln Thr Ser Val Ile Leu Ile Cys Ile Trp Met Ala Gly Phe Leu		
275	280	285
Ile Ala Val Ile Pro Phe Trp Asn Lys Asp Tyr Phe Gly Asn Phe Tyr		
290	295	300
Gly Lys Asn Gly Val Cys Phe Pro Leu Tyr Tyr Asp Gln Thr Glu Asp		
305	310	315
Ile Gly Ser Lys Gly Tyr Ser Leu Gly Ile Phe Leu Gly Val Asn Leu		
325	330	335
Leu Ala Phe Leu Ile Ile Val Phe Ser Tyr Ile Thr Met Phe Cys Ser		
340	345	350
Ile Gln Lys Thr Ala Leu Gln Thr Thr Glu Val Arg Asn Cys Phe Gly		
355	360	365
Arg Glu Val Ala Val Ala Asn Arg Phe Phe Phe Ile Val Phe Ser Asp		
370	375	380
Ala Ile Cys Trp Ile Pro Val Phe Val Val Lys Ile Leu Ser Leu Phe		
385	390	395
Arg Val Glu Ile Pro Asp Thr Met Thr Ser Trp Ile Val Ile Phe Phe		
405	410	415
Leu Pro Val Asn Ser Ala Leu Asn Pro Ile Leu Tyr Thr Leu Thr Thr		
420	425	430
Asn Phe Phe Lys Asp Lys Leu Lys Gln Leu Leu His Lys His Gln Arg		
435	440	445
Lys Ser Ile Phe Lys Ile Lys Lys Lys Ser Leu Ser Thr Ser Ile Val		
450	455	460
Trp Ile Glu Asp Ser Ser Ser Leu Lys Leu Gly Val Leu Asn Lys Ile		
465	470	475
		480

Thr Leu Gly Asp Ser Ile Met Lys Pro Val Ser

485

490

<210> 8

<211> 1473

<212> DNA

<213> Human

<400> 8

atggttaata actacttaga agctcttccc aagcagatgt gtgccc aaat gectcaactc	60
aactgggtgg atttgggaagg caatagaata aagtatctca caaatctctac gtttctgtcg	120
tgcgattcgc tcacagtgcg ggatctgtct agcaatacga taacggaact atcacctcac	180
ctttttaaag acttgaagct tctacaaaag ctgaacctgt catccaatcc tcttatgtat	240
cttcacaaga accagtttga aagtcttaaa caacttcagt ctctagacct ggaaaggata	300
gagattccaa atataaacac acgaatgttt caacccatga agaattcttc tcacatttat	360
ttaaaaaact ttcgatactg ctcctatgct ccccatgtcc gaatatgtat gcccttgacg	420
gacggcattt cttcatttga ggacctcttg gctaacaata tcttcagaat atttgtctgg	480
gttatagctt tcattacctg ctttggaaat cttttgtca ttggcatgag atctttcatt	540
aaagctgaaa atacaactca cgctatgtcc atcaaaatcc tttgtttgtc tgattgcctg	600
atgggtgttt acttgttctt tgttggcati ttcgatataa aataccgagg gcagtatcag	660
aagtatgcct tgctgtggat ggagagcgtg cagtgccgcc tcattggggtt cctggccatg	720
cgtccaccg aagtcctgt tctgctactg acctacttga ctttggagaa gtctctggtc	780
attgtcttcc ccttcagtaa cattcgacct ggaaaacggc agacctcagt catcttcatt	840
tgcatttgga tggcgggatt tttaatagct gtaattccat ttgggaataa ggattatatt	900
ggaaactttt atgggaaaaa tggagtatgt tteccacttt attatgacca aacagaagat	960
attggaagca aagggtattc tcttgggaatt ttcctagggt tgaacttgcg ggcttttctc	1020
atcatttgtt tttctatat tactatgttc tgttccattc aaaaaaccgc ctigcagacc	1080
acagaagtaa ggaattgttt tggaagagag gtggctgttg caaatcggtt cttttttata	1140
gtgttctctg atgccaatcg ctggattccg gtatttgtag ttaaaatcct ttcctcttc	1200
cgggttgaaa taccagacac aatgacttcc tggatagtga tttttttcct tccagttaac	1260

agtgccttga atccaatect ctatactctc acaaccaact ttittaaagga caagttgaaa 1320
 cagctgctgc acaaacaatca gaggaaatca attttcaaaa ttaaaaaaaa aagttatact 1380
 acaaccattg tgttgataga ggactectct tccctgaaac ttggggtttt gaacaaaata 1440
 acacttggag acagtataat gaaaccagtt tcc 1473

<210> 9

<211> 26

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220>

<223> Designed oligonucleotide primer to amplify DNA encoding TGR17-2
and TGR17-3

<400> 9

atggtaata actacttaga agctct 26

<210> 10

<211> 355

<212> PRT

<213> Human

<400> 10

Met	Pro	Leu	Thr	Asp	Gly	Ile	Ser	Ser	Phe	Glu	Asp	Leu	Leu	Ala	Asn
1					5				10					15	
Asn	Ile	Leu	Arg	Ile	Phe	Val	Trp	Val	Ile	Ala	Phe	Ile	Thr	Cys	Phe
			20					25					30		
Gly	Asn	Leu	Phe	Val	Ile	Gly	Met	Arg	Ser	Phe	Ile	Lys	Ala	Glu	Asn
			35				40					45			
Thr	Thr	His	Ala	Met	Ser	Ile	Lys	Ile	Leu	Cys	Cys	Ala	Asp	Cys	Leu
			50				55					60			
Met	Gly	Val	Tyr	Leu	Phe	Phe	Val	Gly	Ile	Phe	Asp	Ile	Lys	Tyr	Arg

14/27

65	70	75	80
Gly Gln Tyr Gln Lys Tyr Ala Leu Leu Trp Met Glu Ser Val Gln Cys			
	85	90	95
Arg Leu Met Gly Phe Leu Ala Met Leu Ser Thr Glu Val Ser Val Leu			
	100	105	110
Leu Leu Thr Tyr Leu Thr Leu Glu Lys Phe Leu Val Ile Val Phe Pro			
	115	120	125
Phe Ser Asn Ile Arg Pro Gly Lys Arg Gln Thr Ser Val Ile Leu Ile			
	130	135	140
Cys Ile Trp Met Ala Gly Phe Leu Ile Ala Val Ile Pro Phe Trp Asn			
	145	150	155
Lys Asp Tyr Phe Gly Asn Phe Tyr Gly Lys Asn Gly Val Cys Phe Pro			
	165	170	175
Leu Tyr Tyr Asp Gln Thr Glu Asp Ile Gly Ser Lys Gly Tyr Ser Leu			
	180	185	190
Gly Ile Phe Leu Gly Val Asn Leu Leu Ala Phe Leu Ile Ile Val Phe			
	195	200	205
Ser Tyr Ile Thr Met Phe Cys Ser Ile Gln Lys Thr Ala Leu Gln Thr			
	210	215	220
Thr Glu Val Arg Asn Cys Phe Gly Arg Glu Val Ala Val Ala Asn Arg			
	225	230	235
Phe Phe Phe Ile Val Phe Ser Asp Ala Ile Cys Trp Ile Pro Val Phe			
	245	250	255
Val Val Lys Ile Leu Ser Leu Phe Arg Val Glu Ile Pro Asp Thr Met			
	260	265	270
Thr Ser Trp Ile Val Ile Phe Phe Leu Pro Val Asn Ser Ala Leu Asn			
	275	280	285
Pro Ile Leu Tyr Thr Leu Thr Thr Asn Phe Phe Lys Asp Lys Leu Lys			
	290	295	300

Gln Leu Leu His Lys His Gln Arg Lys Ser Ile Phe Lys Ile Lys Lys

305 310 315 320

Lys Ser Leu Ser Thr Ser Ile Val Trp Ile Glu Asp Ser Ser Ser Leu

325 330 335

Lys Leu Gly Val Leu Asn Lys Ile Thr Leu Gly Asp Ser Ile Met Lys

340 345 350

Pro Val Ser

355

<210> 11

<211> 1065

<212> DNA

<213> Human

<400> 11

atgcccttga cggacggcat ttcttcattt gaggacctct tggctaacaa tatectcaga	60
atatctgtct gggttatagc ttctattacc tgccttggaa atcttittgt cattggcatg	120
agatctttca ttaaagctga aaatacaact cagctatgt ccatcaaaa ccttcttgt	180
gcctattgcc tgaigggtgt ttacttggtc ttgttggca ttctcgatat aaaataccga	240
gggcagatc agaagtatgc ctgtctgtgg atggagagcg tgcagtgcg cctcatgggg	300
ttcciggcca tgcgtccac cgaagtccti gttctgtac tgacctact gacttggag	360
aagttccctg tcatgtctt ccccttcagt aacattcgac ctggaaaacg gcagacctca	420
gtcatcctca ttgcatctg gatggcgga tttttaatag ctgtaattcc attttggat	480
aaggattatt ttggaaactt ttatgggaaa aatggagtat gtttcccact ttattatgac	540
caaacagaag atatiggaag caaagggtat tctcttggaa ttctctagg tgigaacttg	600
ctggcttctc tcatcattgt gtttctctat attactatgt tctgttccat tcaaaaaacc	660
gccttgcaga ccacagaagt aaggaattgt ttiggaagag aggttgctgt tgcaaatcgt	720
ttctttttta tagtgtctc igatgccatc tgcctgattc ctgtatttgi agttaaaatc	780
ctttccctct tccgggtgga aataccagac acaatgactt ccggatagt gattttttc	840
cttccagtta acagtgctt gaatccaatc ctctatactc tcacaacca cttttttaag	900

16/27

gacaagtga aacagctgct gcacaaacat cagaggaaat caattttcaa aattaaaaaa 960
 aaaagttaat ctacatccat tgigtggata gaggactcct ctccctgaa acttgggggtt 1020
 ttgaacaaaa taacacttgg agacagtata atgaaaccag tticc 1065

<210> 12

<211> 22

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220>

<223> Designed oligonucleotide primer to amplify DNA encoding TGR17-4

<400> 12

atgccctga cggacggcat tt 22

<210> 13

<211> 754

<212> PRT

<213> Human

<400> 13

Met Ile Val Phe Leu Val Phe Lys His Leu Phe Ser Leu Arg Leu Ile

5

10

15

Thr Met Phe Phe Leu Leu His Phe Ile Val Leu Ile Asn Val Lys Asp

20

25

30

Phe Ala Leu Thr Gln Gly Ser Met Ile Thr Pro Ser Cys Gln Lys Gly

35

40

45

Tyr Phe Pro Cys Gly Asn Leu Thr Lys Cys Leu Pro Arg Ala Phe His

50

55

60

Cys Asp Gly Lys Asp Asp Cys Gly Asn Gly Ala Asp Glu Glu Asn Cys

65

70

75

80

Gly Asp Thr Ser Gly Trp Ala Thr Ile Phe Gly Thr Val His Gly Asn

	85	90	95
A a Asn Ser Val Ala Leu Thr Gln Glu Cys Leu Leu Lys Gln Tyr Pro			
	100	105	110
Gln Cys Cys Asp Cys Lys Glu Thr Glu Leu Glu Cys Val Asn Gly Asp			
	115	120	125
Leu Lys Ser Val Pro Met Ile Ser Asn Asn Val Thr Leu Leu Ser Leu			
	130	135	140
Lys Lys Asn Lys Ile His Ser Leu Pro Asp Lys Val Phe Ile Lys Tyr			
145	150	155	160
Thr Lys Leu Lys Lys Ile Phe Leu Gln His Asn Cys Ile Arg His Ile			
	165	170	175
Ser Arg Lys Ala Phe Phe Gly Leu Cys Asn Leu Gln Ile Leu Tyr Leu			
	180	185	190
Asn His Asn Cys Ile Thr Thr Leu Arg Pro Gly Ile Phe Lys Asp Leu			
	195	200	205
His Gln Leu Thr Trp Leu Ile Leu Asp Asp Asn Pro Ile Thr Arg Ile			
	210	215	220
Ser Gln Arg Leu Phe Thr Gly Leu Asn Ser Leu Phe Phe Leu Ser Met			
225	230	235	240
Val Asn Asn Tyr Leu Glu Ala Leu Pro Lys Gln Met Cys Ala Gln Met			
	245	250	255
Pro Gln Leu Asn Trp Val Asp Leu Glu Gly Asn Arg Ile Lys Tyr Leu			
	260	265	270
Thr Asn Ser Thr Phe Leu Ser Cys Asp Ser Leu Thr Val Leu Phe Leu			
	275	280	285
Pro Arg Asn Gln Ile Gly Phe Val Pro Glu Lys Thr Phe Ser Ser Leu			
	290	295	300
Lys Asn Leu Gly Glu Leu Asp Leu Ser Ser Asn Thr Ile Thr Glu Leu			
305	310	315	320

Ser Pro His Leu Phe Lys Asp Leu Lys Leu Leu Gln Lys Leu Asn Leu

325

330

335

Ser Ser Asn Pro Leu Met Tyr Leu His Lys Asn Gln Phe Glu Ser Leu

340

345

350

Lys Gln Leu Gln Ser Leu Asp Leu Glu Arg Ile Glu Ile Pro Asn Ile

355

360

365

Asn Thr Arg Met Phe Gln Pro Met Lys Asn Leu Ser His Ile Tyr Phe

370

375

380

Lys Asn Phe Arg Tyr Cys Ser Tyr Ala Pro His Val Arg Ile Cys Met

385

390

395

400

Pro Leu Thr Asp Gly Ile Ser Ser Phe Glu Asp Leu Leu Ala Asn Asn

405

410

415

Ile Leu Arg Ile Phe Val Trp Val Ile Ala Phe Ile Thr Cys Phe Gly

420

425

430

Asn Leu Phe Val Ile Gly Met Arg Ser Phe Ile Lys Ala Glu Asn Thr

435

440

445

Thr His Ala Met Ser Ile Lys Ile Leu Cys Cys Ala Asp Cys Leu Met

450

455

460

Gly Val Tyr Leu Phe Phe Val Gly Ile Phe Asp Ile Lys Tyr Arg Gly

465

470

475

480

Gln Tyr Gln Lys Tyr Ala Leu Leu Trp Met Glu Ser Val Gln Cys Arg

485

490

495

Leu Met Gly Phe Leu Ala Met Leu Ser Thr Glu Val Ser Val Leu Leu

500

505

510

Leu Thr Tyr Leu Thr Leu Glu Lys Phe Leu Val Ile Val Phe Pro Phe

515

520

525

Ser Asn Ile Arg Pro Gly Lys Arg Gln Thr Ser Val Ile Leu Ile Cys

530

535

540

Ile Trp Met Ala Gly Phe Leu Ile Ala Val Ile Pro Phe Trp Asn Lys

19/27

545 550 555 560
Asp Tyr Phe Gly Asn Phe Tyr Gly Lys Asn Gly Val Cys Phe Pro Leu
 565 570 575
Tyr Tyr Asp Gln Thr Glu Asp Ile Gly Ser Lys Gly Tyr Ser Leu Gly
 580 585 590
Ile Phe Leu Gly Val Asn Leu Leu Ala Phe Leu Ile Ile Val Phe Ser
 595 600 605
Tyr Ile Thr Met Phe Cys Ser Ile Gln Lys Thr Ala Leu Gln Thr Thr
 610 615 620
Glu Val Arg Asn Cys Phe Gly Arg Glu Val Ala Val Ala Asn Arg Phe
625 630 635 640
Phe Phe Ile Val Phe Ser Asp Ala Ile Cys Trp Ile Pro Val Phe Val
 645 650 655
Val Lys Ile Leu Ser Leu Phe Arg Val Glu Ile Pro Asp Thr Met Thr
 660 665 670
Ser Trp Ile Val Ile Phe Phe Leu Pro Val Asn Ser Ala Leu Asn Pro
 675 680 685
Ile Leu Tyr Thr Leu Thr Thr Asn Phe Phe Lys Asp Lys Leu Lys Gln
 690 695 700
Leu Leu His Lys His Gln Arg Lys Ser Ile Phe Lys Ile Lys Lys Lys
705 710 715 720
Ser Leu Ser Thr Ser Ile Val Trp Ile Glu Asp Ser Ser Ser Leu Lys
 725 730 735
Leu Gly Val Leu Asn Lys Ile Thr Leu Gly Asp Ser Ile Met Lys Pro
 740 745 750
Val Ser
 754

(211) 2262

(212) DNA

(213) Human

(400) 14

atgattgttt ttctggtttt taaacatctc ttccagcctca gattgattac aatgtttcttt 60
ctacttcatt tcatcgttct gatcaatgtc aaagattttg cactgactca aggtagcatg 120
atcactcctt catgccaaaa aggataatfff cctgttgga atcttaccac gtgcttacct 180
cgagcttttc actgtgatgg caaggatgac tgigggaacg gggcggacga agagaactgt 240
ggtgacacta gtggaigggc gaccataatf ggcacagtgc atggaaatgc taacagcgtg 300
gccttaacac aggagtgcct tctaaaacag tatccacaat gctgtgactg caaagaaact 360
gaattggaat gtgtaaatgg tgacttaag tctgtgccga tgatttctaa caatgtgaca 420
ttactgtctc ttaagaaaaa caaaatccac agtcttccag ataaagtitt catcaaatc 480
acaaaactta aaaagatatt tcttcagcat aattgcatta gacacatctc caggaaagca 540
ttttttggat tatgtaatct gcaaatattt tatctcaacc acaactgcat cacaacctc 600
agacctggaa tattcaaaga cttacatcag ctaacttgge taattctaga tgacaatcca 660
ataaccagaa ttccacagcg ctgttttacg ggattaaatt cctgttttt cctgtctatg 720
gtaataact acttagaagc tcttcccaag cagatgigtg cccaaatgcc tcaactcaac 780
tgggtggatt tggaaggcaa tagaataaag taictcaca atctctacgtt tctgtcgtgc 840
gattcgctca cagtgtgtt tctgcctaga aatcaaattg gttttgttcc agagaagaca 900
ttttcttcat taaaaaattt aggagaactg gatctgtcta gcaatacgat aacggaacta 960
tcacctcacc tttttaaga ctggaagctt ctacaaaage tgaaccigtg atccaatcct 1020
cttatgtatc ttcaagaa ccagittgaa agtcttaaac aacttcagtc tctagacctg 1080
gaaaggatag agattccaaa tataaacaca cgaatgttic aacctatgaa gaatcttct 1140
cacatttatt tcaaaaactt tggatctgc tctatgctc cccatgtccg aatatgtatg 1200
cccttgacgg acggcatttc ttcatctgag gacctcttgg ctaacaatat cctcagaata 1260
ttgtctggg ttatagcttt cattacctgc ttggaaatc tttttgtcat tggcatgaga 1320
tctttcatta aagctgaaaa tacaactcac gctatgtcca tcaaaatcct ttgtgtgtct 1380
gattgcctga tgggtgttta ctgtttcttt gttggcattt tggatataaa ataccgaggg 1440
cagiatcaga agtatgcctt gctgtggatg gagagcgtgc agtgccgctt catgggggtc 1500

ctggccatgc tgcacccga agtctctggt ctgtactga cctacttgac ttggagaag 1560
 ttcttggtca ttgtcttccc ctccagtaac atccgacctg gaaaacggca gacctcagtc 1620
 atctctcaitt gcaictggat ggccgggattt ttaatagtct taattccatt ttggaataag 1680
 gattattttg gaaactttta tgggaaaaat ggagiatggt tcccacttla ttagtaccaa 1740
 acagaagata ttggaagcaa agggiaattct ctgggaattt tcttaggtgt gaacttgctg 1800
 gctttttctc tcatgtgtgt ttcttatatt actatgttct gtccattca aaaaaccgcc 1860
 ttgcagacca cagaagtaag gaattgtttt ggaagagagg tggcigtgtc aaatcgittc 1920
 tttttatag ttctctctga tgcctatctc tggattccctg tattgttagt taaaatcctt 1980
 iccccttccc gggtggaai accagacaca atgacttcci ggaatagat tttttcctt 2040
 ccagtaaca gtgctttgaa tccaatcttc tatactctca caaccaactt tttaaggac 2100
 aagtigaaac agctgctgca caaacatcag aggaaatcaa ttttcaaaat taaaaaaaaa 2160
 agttatctc catccatgtt gtggatagag gactctcttt cctgaaact tggggitttg 2220
 aacaaaaata cacttgaga cagtataaig aaaccagttt cc 2262

<210> 15

<211> 730

<212> PRT

<213> Human

<400> 15

Met Ile Val Phe Leu Val Phe Lys His Leu Phe Ser Leu Arg Leu Ile

5

10

15

Thr Met Phe Phe Leu Leu His Phe Ile Val Leu Ile Asn Val Lys Asp

20

25

30

Phe Ala Leu Thr Gln Gly Ser Met Ile Thr Pro Ser Cys Gln Lys Gly

35

40

45

Tyr Phe Pro Cys Gly Asn Leu Thr Lys Cys Leu Pro Arg Ala Phe His

50

55

60

Cys Asp Gly Lys Asp Asp Cys Gly Asn Gly Ala Asp Glu Glu Asn Cys

65

70

75

80

Gly Asp Thr Ser Gly Trp Ala Thr Ile Phe Gly Thr Val His Gly Asn
85 90 95
Ala Asn Ser Val Ala Leu Thr Gln Glu Cys Leu Leu Lys Gln Tyr Pro
100 105 110
Gln Cys Cys Asp Cys Lys Glu Thr Glu Leu Glu Cys Val Asn Gly Asp
115 120 125
Leu Lys Ser Val Pro Met Ile Ser Asn Asn Val Thr Leu Leu Ser Leu
130 135 140
Lys Lys Asn Lys Ile His Ser Leu Pro Asp Lys Val Phe Ile Lys Tyr
145 150 155 160
Thr Lys Leu Lys Lys Ile Phe Leu Gln His Asn Cys Ile Arg His Ile
165 170 175
Ser Arg Lys Ala Phe Phe Gly Leu Cys Asn Leu Gln Ile Leu Tyr Leu
180 185 190
Asn His Asn Cys Ile Thr Thr Leu Arg Pro Gly Ile Phe Lys Asp Leu
195 200 205
His Gln Leu Thr Trp Leu Ile Leu Asp Asp Asn Pro Ile Thr Arg Ile
210 215 220
Ser Gln Arg Leu Phe Thr Gly Leu Asn Ser Leu Phe Phe Leu Ser Met
225 230 235 240
Val Asn Asn Tyr Leu Glu Ala Leu Pro Lys Gln Met Cys Ala Gln Met
245 250 255
Pro Gln Leu Asn Trp Val Asp Leu Glu Gly Asn Arg Ile Lys Tyr Leu
260 265 270
Thr Asn Ser Thr Phe Leu Ser Cys Asp Ser Leu Thr Val Leu Asp Leu
275 280 285
Ser Ser Asn Thr Ile Thr Glu Leu Ser Pro His Leu Phe Lys Asp Leu
290 295 300
Lys Leu Leu Gln Lys Leu Asn Leu Ser Ser Asn Pro Leu Met Tyr Leu

305	310	315	320
His Lys Asn Gln Phe Glu Ser Leu Lys Gln Leu Gln Ser Leu Asp Leu			
	325	330	335
Glu Arg Ile Glu Ile Pro Asn Ile Asn Thr Arg Met Phe Gln Pro Met			
	340	345	350
Lys Asn Leu Ser His Ile Tyr Phe Lys Asn Phe Arg Tyr Cys Ser Tyr			
	355	360	365
Ala Pro His Val Arg Ile Cys Met Pro Leu Thr Asp Gly Ile Ser Ser			
	370	375	380
Phe Glu Asp Leu Leu Ala Asn Asn Ile Leu Arg Ile Phe Val Trp Val			
385	390	395	400
Ile Ala Phe Ile Thr Cys Phe Gly Asn Leu Phe Val Ile Gly Met Arg			
	405	410	415
Ser Phe Ile Lys Ala Glu Asn Thr Thr His Ala Met Ser Ile Lys Ile			
	420	425	430
Leu Cys Cys Ala Asp Cys Leu Met Gly Val Tyr Leu Phe Phe Val Gly			
	435	440	445
Ile Phe Asp Ile Lys Tyr Arg Gly Gln Tyr Gln Lys Tyr Ala Leu Leu			
	450	455	460
Trp Met Glu Ser Val Gln Cys Arg Leu Met Gly Phe Leu Ala Met Leu			
465	470	475	480
Ser Thr Glu Val Ser Val Leu Leu Leu Thr Tyr Leu Thr Leu Glu Lys			
	485	490	495
Phe Leu Val Ile Val Phe Pro Phe Ser Asn Ile Arg Pro Gly Lys Arg			
	500	505	510
Gln Thr Ser Val Ile Leu Ile Cys Ile Trp Met Ala Gly Phe Leu Ile			
	515	520	525
Ala Val Ile Pro Phe Trp Asn Lys Asp Tyr Phe Gly Asn Phe Tyr Gly			
	530	535	540

Lys Asn Gly Val Cys Phe Pro Leu Tyr Tyr Asp Gln Thr Glu Asp Ile
545 550 555 560
Gly Ser Lys Gly Tyr Ser Leu Gly Ile Phe Leu Gly Val Asn Leu Leu
565 570 575
Ala Phe Leu Ile Ile Val Phe Ser Tyr Ile Thr Met Phe Cys Ser Ile
580 585 590
Gln Lys Thr Ala Leu Gln Thr Thr Glu Val Arg Asn Cys Phe Gly Arg
595 600 605
Glu Val Ala Val Ala Asn Arg Phe Phe Phe Ile Val Phe Ser Asp Ala
610 615 620
Ile Cys Trp Ile Pro Val Phe Val Val Lys Ile Leu Ser Leu Phe Arg
625 630 635 640
Val Glu Ile Pro Asp Thr Met Thr Ser Trp Ile Val Ile Phe Phe Leu
645 650 655
Pro Val Asn Ser Ala Leu Asn Pro Ile Leu Tyr Thr Leu Thr Thr Asn
660 665 670
Phe Phe Lys Asp Lys Leu Lys Gln Leu Leu His Lys His Gln Arg Lys
675 680 685
Ser Ile Phe Lys Ile Lys Lys Lys Ser Leu Ser Thr Ser Ile Val Trp
690 695 700
Ile Glu Asp Ser Ser Ser Leu Lys Leu Gly Val Leu Asn Lys Ile Thr
705 710 715 720
Leu Gly Asp Ser Ile Met Lys Pro Val Ser
725 730

<210> 16

<211> 2190

<212> DNA

<213> Human

<400> 16

atgatigltt tictggittt iaaacatele ttcageccica gattigatiac aatgltcttt 60
ctacttcatt tcaicgttct gatcaatgic aaagatttig cacigactica aggtagcatg 120
ateactectt caigccaaaa aggatatttt cccigtggga atctiacciaa gigtctiacec 180
cgagctttic actgtgatgg caaggatgac tgtgggaacg gggcggacga agagaactgt 240
ggtgacacia ggggatgggc gaccatattt ggcacagtgc atggaaatgc taacagcgig 300
gccttaacac aggagtgcct tctaaaacag tatccacaat gctigigactg caaagaaaact 360
gaattiggaat gtglaaatgg tgacttaag tctgtgccga tgatttctaa caatgtgaca 420
ttacigtctc tiaagaaaaa caaaatccac agcttccag ataaagtitt calcaaatac 480
acaaaactta aaaagatatt tcttcagcat aattgcatta gacacatate caggaaagca 540
tttttriggat tatgtaatct gcaaataatta tatctcaacc acaactgcat cacaacctc 600
agacctggaa tattcaaaga cttacatcag ctaactigge taattctaga tgacaatcca 660
ataaccagaa tticacagcg ctgttttacg ggattaaatt ccttgttttt cctgtctatg 720
gttaataact acttagaagc tcttcccaag cagatgtgtg cccaaatgce tcaactcaac 780
tgggtggatt tggaaggcaa tagaataaag tatctcacia attctacgii tctgtcgtgc 840
gattegetca cagtgtctga tctgtctagc aatacgataa cggaactate acctacctt 900
tttaaagact tgaagcttct acaaaagctg aacctgtcat ccaatctct tatgtatctt 960
cacaagaacc agttigaaaag tcttaaacia cttcagtctc tagacctgga aaggatagag 1020
attccaaata taaacacacg aatgtttcaa cccatgaaga atctttctca catitatttc 1080
aaaaactttc galactgtc ctatgtctcc catgtccga tatgtatgcc ctigacggac 1140
ggcatttctt cattigagga cctctiggct aacaatatcc tcagaatatt tgtctgggtt 1200
atagctttca ttacctgtt tggaaatctt tttgtcattg gcatgagate ttccattaaa 1260
gtcgaataa caaciacgc tatgtccatc aaaatccttt gttgigtiga ttgccatgaig 1320
gggttttact tgttctttgt tggcattttc gatataaaat accgagggca gtatcagaag 1380
tatgccctgc tgtggaigga gagcgtgcag igccgcctca tggggitctt ggccatgtg 1440
tccaccgaag tctctgttct gctactgacc tacttgactt tggagaagtt cctggctatt 1500
gtcttccctc tcaagtaacat tgcacctgga aaacggcaga cctcagtcac cctcatttgc 1560
atctggatgg cgggattttt aatagctgta attccatttt ggaataagga ttattttgga 1620
aacttttatg ggaaaaatgg agtatgttcc ccactttatt atgaccaaac agaagatatt 1680

ggaagcaaaag ggatctctct tggattttc ctagggtgtga acttgctgge tttctcacc 1740
 atttgtgttt cctatattac tatgttctgt tccattcaaa aaaccgcctt gcagaccaca 1800
 gaaglaagga atgttttigg aagagagggtg gctgttgcaa atcgtttctt ttttatagtg 1860
 ttctctgaig ccaletgetg gaticctgia ttgtagita aaatcctttc cctcttccgg 1920
 gtggaaatac cagacacaat gacitctgg atagtattt tttctctcc agttaacagt 1980
 gccttgaatc caatctctta tactctcaca accaactttt ttaaggacaa gttgaaacag 2040
 ctgctgcaca aacatcagag gaaatcaatt ttcaaaatta aaaaaaaaaag tttatctaca 2100
 tccatttgtt ggatagagga cttctcttcc ctgaaacttg gggttitgaa caaaataaca 2160
 cttggagaca gtataatgaa accagtctcc 2190

<210> 17

<211> 26

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220>

<223> Designed oligonucleotide primer TGR17TQF

<400> 17

tctgctactg acctacttga ctttgg 26

<210> 18

<211> 22

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220>

<223> Designed oligonucleotide reverseprimer TGR17TQR

<400> 18

actgaggtct gccgttttcc ag 22

<210> 19

<211> 32

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220>

<223> TGR17TQP

<400> 19

tccaggcat tgccttcccc ttcagtaaca 32

<210> 20

<211> 36

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220>

<223> Designed oligonucleotide primer to amplify DNA encoding TGR17-1, TGR17-5, and TGR17-6

<400> 20

ataagtcgac gtaaacctat gattgttttt ctggtt 36

<210> 21

<211> 35

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220>

<223> Designed oligonucleotide primer to amplify DNA encoding TGR17-1, TGR17-5, and TGR17-6

<400> 21

tggttactagt ctaggaaact ggtttcatta tactg 35

INTERNATIONAL SEARCH REPORT

International application No.

PCT/JP01/05878

A. CLASSIFICATION OF SUBJECT MATTER

Int.Cl⁷ C12N 15/12, 1/21, C07K 14/705, 16/28, C12F 21/02, C12Q 1/68, A61K 38/00, 45/00, 48/00, A61P 1/00, 3/00, 9/00, 25/28, 29/00, 35/00, 37/00, G01N 33/15, 33/50, 33/53, 33/566 // (C12N 1/21, C12R 1:19), (C12F 21/02, C12R 1:19)

According to International Patent Classification (IPC) or to both national classification and IPC

B. FIELDS SEARCHED

Minimum documentation searched (classification system followed by classification symbols)

Int.Cl⁷ C12N 15/00-15/90, C07K 14/00-14/825

Documentation searched other than minimum documentation to the extent that such documents are included in the fields searched

Electronic data base consulted during the international search (name of data base and, where practicable, search terms used)

MEDLINE (STN), WPI (DIALOG), BIOSIS (DIALOG)
GenBank/EMBL/DDBJ/GeneSeq, SwissProt/PIR/GeneSeq

C. DOCUMENTS CONSIDERED TO BE RELEVANT

Category*	Citation of document, with indication, where appropriate, of the relevant passages	Relevant to claim No.
P, X	WO 01/36471 A2 (Arena Pharmaceuticals, Inc.), 25 May, 2001 (25.05.01), & AU 200117696 A	1-18, 21-24, 26-27
X	WO 99/48921 A1 (The Board of Trustees of the Leland Stanford Junior University), 30 September, 1999 (30.09.99), & EP 1066324 A1	1-18, 21-24, 26-27
A	VANDERHAEGHEN P. et al., "Molecular Cloning and Chromosomal Mapping of Olfactory Receptor Genes Expressed in the Male Germ Line: Evidence for Their Wide Distribution in the Human Genome", Biochem. Biophys. Res. Commun., (1997), Vol.237, No.2, pages 283 to 287	1-18, 21-24, 26-27
A	GERARD C. M. et al., "Molecular cloning of a human cannabinoid receptor which is also expressed in testis", Biochem. J., (1991), Vol.279, Part 1, pages 129 to 134	1-18, 21-24, 26-27

☒ Further documents are listed in the continuation of Box C.☐ See patent family annex.

* Special categories of cited documents:

"A" document defining the general state of the art which is not
considered to be of particular relevance
"E" earlier document but published on or after the international filing
date
"L" document which may throw doubts on priority claim(s) or which is
cited to establish the publication date of another citation or other
special reason (as specified)
"O" document referring to an oral disclosure, use, exhibition or other
means
"P" document published prior to the international filing date but later
than the priority date claimed

"T" later document published after the international filing date or
priority date and not in conflict with the application but cited to
understand the principle or theory underlying the invention
"X" document of particular relevance; the claimed invention cannot be
considered novel or cannot be considered to involve an inventive
step when the document is taken alone
"Y" document of particular relevance; the claimed invention cannot be
considered to involve an inventive step when the document is
combined with one or more other such documents, such
combination being obvious to a person skilled in the art
"&" document member of the same patent family

Date of the actual completion of the international search
26 September, 2001 (26.09.01)

Date of mailing of the international search report
09 October, 2001 (09.10.01)

Name and mailing address of the ISA/
Japanese Patent Office

Authorized officer

Facsimile No.

Telephone No.

INTERNATIONAL SEARCH REPORT

International application No.

PCT/JP01/05878

C (Continuation). DOCUMENTS CONSIDERED TO BE RELEVANT

Category *	Citation of document, with indication, where appropriate, of the relevant passages	Relevant to claim No.
A	WO 00/21999 A1 (Chugai Research Institute for Molecular Medicine, Inc.), 20 April, 2000 (20.04.00), & EP 1120426 A1 & AU 9960063 A	1-13, 21-24, 26-27

INTERNATIONAL SEARCH REPORT

International application No.

PCT/JP01/05878

Box I Observations where certain claims were found unsearchable (Continuation of item 1 of first sheet)

This international search report has not been established in respect of certain claims under Article 17(2)(a) for the following reasons:

1. ☒ Claims Nos.: 25,33-35
because they relate to subject matter not required to be searched by this Authority, namely:
These claims involve methods for treatment of the human body by therapy or diagnostic methods.
2. ☒ Claims Nos.: 19-20,28-32,36-38
because they relate to parts of the international application that do not comply with the prescribed requirements to such an extent that no meaningful international search can be carried out, specifically:
(See extra sheet.)
3. ☐ Claims Nos.:
because they are dependent claims and are not drafted in accordance with the second and third sentences of Rule 6.4(a).

Box II Observations where unity of invention is lacking (Continuation of item 2 of first sheet)

This International Searching Authority found multiple inventions in this international application, as follows:

1. ☐ As all required additional search fees were timely paid by the applicant, this international search report covers all searchable claims.
2. ☐ As all searchable claims could be searched without effort justifying an additional fee, this Authority did not invite payment of any additional fee.
3. ☐ As only some of the required additional search fees were timely paid by the applicant, this international search report covers only those claims for which fees were paid, specifically claims Nos.:
4. ☐ No required additional search fees were timely paid by the applicant. Consequently, this international search report is restricted to the invention first mentioned in the claims; it is covered by claims Nos.:

Remark on Protest ☐ The additional search fees were accompanied by the applicant's protest.
☐ No protest accompanied the payment of additional search fees.

INTERNATIONAL SEARCH REPORT

International application No.

PCT/JPC1/C5878

Continuation of Box No. I-2 of continuation of first sheet (1)

The compound or its salt as set forth in claim 19 which is capable of altering the binding properties of a ligand to the G protein coupled receptor protein or its salt as set forth in claim 1 is specified by the screening method as set forth in claim 17 or by the use of the screening kit as set forth in claim 18. Thus, it involves in its scope any compounds obtained by the above screening method and the screening kit.

However, no particular compound obtained by the above screening method and the screening kit is described in the description. Namely, claim 19 is neither supported nor disclosed by the description. Even though the common technical knowledge at the point of the application is taken into consideration, it cannot be recognized that what particular compounds are involved in the scope and what are not. Thus, the above claim is described in a very unclear manner.

Therefore, no meaningful search can be practiced on the invention as set forth in the above claim.

The same applies to claims 20, 28 to 32 and 36 to 38.

国際調査報告

国際出願番号 PCT/JPO1/05878

A. 発明の属する分野の分類 (国際特許分類 (IPC))		
Int. Cl. ⁷ C12N 15/12, 1/21, C07K 14/705, 16/28, C12P 21/02, C12Q 1/68, A61K 38/00, 45/00, 48/00, A61P 1/00, 3/00, 9/00, 25/28, 29/00, 35/00, 37/00, G01N 33/35, 33/50, 23/53, 33/566 (C12N 1/21, (C12F 1:19) (C12P 21/02, C12R 1:19))		
B. 調査を行った分野		
調査を行った最小限資料 (国際特許分類 (IPC))		
Int. Cl. ⁷ C12N 15/00-15/90, C07K 14/00-14/825		
最小限資料以外の資料で調査を行った分野に含まれるもの		
国際調査で使用した電子データベース (データベースの名称、調査に使用した用語)		
MEDLINE (STN), WPI (DIALOG), BIOSIS (DIALOG) GenBank/EMBL/DBJ/GeneSeq, SwissProt/PIR/GeneSeq		
C. 関連すると認められる文献		
引用文献の カテゴリー*	引用文献名 及び一部の箇所が関連するときは、その関連する箇所の表示	関連する 請求の範囲の番号
P, X	WO 01/36471 A2 (ARENA PHARMACEUTICALS, INC.) 25. 5月. 2001 (25. 05. 01) & AU 200117696 A	1-18, 21-24, 26-27
X	WO 99/43921 A1 (THE BOARD OF TRUSTEES OF THE LELAND STANFORD JUNIOR UNIVERSITY) 30. 9月. 1999 (30. 09. 99) & EP 1066324 A1	1-18, 21-24, 26-27
<input checked="" type="checkbox"/> C欄の続きにも文献が列挙されている。 <input type="checkbox"/> パテントファミリーに関する別紙を参照。		
* 引用文献のカテゴリー 「A」 特に関連のある文献ではなく、一般的技術水準を示すもの 「E」 国際出願日前の出願または特許であるが、国際出願日以後に公表されたもの 「L」 優先権主張に疑義を提起する文献又は他の文献の発行日若しくは他の特別な理由を確立するために引用する文献 (理由を付す) 「O」 口頭による開示、使用、展示等に言及する文献 「P」 国際出願日前で、かつ優先権の主張の基礎となる出願日の後に公表された文献 「T」 国際出願日又は優先日後に公表された文献であって出願と矛盾するものではなく、発明の原理又は理論の理解のために引用するもの 「X」 特に関連のある文献であって、当該文献のみで発明の新規性又は進歩性がないと考えられるもの 「Y」 特に関連のある文献であって、当該文献と他の1以上の文献との、当業者にとって自明である組合せによって進歩性がないと考えられるもの 「&」 同一パテントファミリー文献		
国際調査を完了した日 26. 09. 01		国際調査報告の発送日 09.10.01
国際調査機関の名称及びあて先 日本国特許庁 (ISA/JIP) 郵便番号 100-8915 東京都千代田区霞が関三丁目4番3号		特許庁審査官 (権限のある職員) 本間 夏子 電話番号 03-3581-1101 内線 3488

C (続き) 関連すると認められる文献		
引用文献の カテゴリー*	引用文献名 及び一部の箇所が関連するときは、その関連する箇所の表示	関連する 請求の範囲の番号
A	VANDERHAEGHEN P. et al. Molecular Cloning and Chromosomal Mapping of Olfactory Receptor Genes Expressed in the Male Germ Line: Evidence for Their Wide Distribution in the Human Genome. Biochem. Biophys. Res. Commun. 1997, Vol. 237, No. 2., p. 283-287	1-18, 21-24, 26-27
A	GERARD C. M. et al. Molecular cloning of a human cannabinoid receptor which is also expressed in testis. Biochem. J. 1991, Vol. 279, Pt. 1, p. 129-134	1-18, 21-24, 26-27
A	WO 00/21999 A1 (株式会社 中外分子医学研究所) 20. 4月. 2000 (20. 04. 00) & EP 1120426 A1 & AU 9960063 A	1-18, 21-24, 26-27

第I欄 請求の範囲の一部の調査ができないときの意見 (第1ページの2の続き)

法第8条第3項(PCT17条(2)(a))の規定により、この国際調査報告は次の理由により請求の範囲の一部について作成しなかった。

1. ☒ 請求の範囲 25, 33-35 は、この国際調査機関が調査をすることを要しない対象に係るものである。つまり、
ヒトの治療方法又は診断方法を含むものである。
2. ☒ 請求の範囲 19-20, 28-32, 36-38 は、有意義な国際調査をすることができる程度まで所定の要件を満たしていない国際出願の部分に係るものである。つまり、
別紙(特別ページ)参照。
3. ☐ 請求の範囲 _____ は、従属請求の範囲であってPCT規則6.4(a)の第2文及び第3文の規定に従って記載されていない。

第II欄 発明の単一性が欠如しているときの意見 (第1ページの3の続き)

次に述べるようにこの国際出願に二以上の発明があるとこの国際調査機関は認めた。

1. ☐ 出願人が必要な追加調査手数料をすべて期間内に納付したので、この国際調査報告は、すべての調査可能な請求の範囲について作成した。
2. ☐ 追加調査手数料を要求するまでもなく、すべての調査可能な請求の範囲について調査することができたので、追加調査手数料の納付を求めなかった。
3. ☐ 出願人が必要な追加調査手数料を一部のみしか期間内に納付しなかったため、この国際調査報告は、手数料の納付のあった次の請求の範囲のみについて作成した。
4. ☐ 出願人が必要な追加調査手数料を期間内に納付しなかったため、この国際調査報告は、請求の範囲の最初に記載されている発明に係る次の請求の範囲について作成した。

追加調査手数料の異議の申立てに関する注意

- ☐ 追加調査手数料の納付と共に出願人から異議申立てがあった。
☐ 追加調査手数料の納付と共に出願人から異議申立てがなかった。

第1欄2.について

請求の範囲19に記載の、リガンドと請求の範囲1に記載のG蛋白質共役型レセプター蛋白質又はその塩との結合性を変化させる化合物又はその塩は、請求の範囲17に記載のスクリーニング方法又は請求の範囲18に記載のスクリーニング用キットを用いることによって特定されており、当該スクリーニング方法及びスクリーニング用キットによって得られるあらゆる化合物を包含するものである。

しかしながら、明細書には、当該スクリーニング方法及びスクリーニング用キットで得られる化合物としての具体的なものが一切記載されていないから、請求の範囲19は明細書による裏付けを欠いており、開示も欠いている。また、出願時の技術常識を勘案しても具体的にどのような化合物が包含され、どのような化合物が包含されないのかが全く不明であって、前記請求の範囲の記載は著しく不明確である。

したがって、前記請求の範囲に記載された発明について有意義な調査をすることができない。

請求の範囲20、28-32、36-38についても同様である。

